

第72回日本ウイルス学会学術集会
The 72nd Annual Meeting of the Japanese Society for Virology
優秀演題賞受賞者

Abstract No.	Abstract Title	Speaker's Name	Speaker's Affiliation
O1-3-8	空間トランスクリプトーム解析を用いた日本脳炎ウイルス感染による血液脳関門破綻機構の解析 (Spatial Transcriptomic Analysis of Blood-Brain Barrier Disruption Mechanisms during Japanese Encephalitis Virus Infection)	鈴木 達也 (Tatsuya Suzuki)	順天堂大学 大学院医学研究科 微生物学講座 (Department of Microbiology, Graduate School of Medicine, Juntendo University)
O1-3-16	大規模言語モデルによるデングウイルスの抗原性予測技術の開発 (Large Language Model-Based Prediction of Dengue Virus Antigenicity)	森 健人 (Kento Mori)	九州大学 大学院 医学研究院 病態制御学講座 ウイルス学分野 (Department of Virology, Faculty of Medical Sciences, Kyushu University)
O1-3-23	風疹ウイルスの新規感染受容体の同定 (Identification of a novel entry receptor for rubella virus)	森 嘉生 (Yoshio Mori)	国立健康危機管理研究機構 国立感染症研究所 バイオインフォマティクス・オミクス研究部 (Department of Bioinformatics and Integrative Omics, National Institute of Infectious Diseases, Japan Institute for Health Security)
O1-4-12	エボラウイルス粒子形成に関与する宿主因子の機能解析 (Identification of host factors and their impact on Ebola virus particle formation)	宮崎 日菜 (Hina Miyazaki)	大阪大学 微生物病研究所 分子ウイルス分野 (Department of Molecular Virology, Research Institute for Microbial Diseases, The University of Osaka)
O2-2-7	キクガシラコウモリを用いたSARS-CoV-2感染モデルの確立 (SARS-CoV-2 infection model using horseshoe bats)	臼井 郁 (Kaoru Usui)	東京大学医科学研究所 システムウイルス学分野 (Division of Systems Virology, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)
O2-2-11	細胞内脂肪滴の維持とC型肝炎ウイルス産生における膜関連因子の機能解析 (Role of a membrane related protein on LDs maintenance and HCV production)	木村 朱伽 (Ayaka Kimura)	国立健康危機管理研究機構 国立感染症研究所 治療薬開発研究部／東京理科大学大学院 創域理工学研究科 生命生物学専攻 (Department of Drug Development, National Institute of Infectious Diseases, Japan Institute for Health Security／ Department of Applied Biological Science, Tokyo University of Science)
O2-2-13	C型肝炎ウイルスは液-液相分離によりストレス顆粒タンパク質G3BP1を脂肪滴周囲に動員する (Hepatitis C virus recruits stress granule protein G3BP1 around lipid droplets via liquid-liquid phase separation)	紺野 在 (Alu Konno)	浜松医科大学 医学部 医学科 微生物学・免疫学講座 (Department of Microbiology and Immunology, Hamamatsu University School of Medicine)
O2-3-11	インフルエンザAウイルスのノイラミニダーゼは感染細胞内で細胞全般の脱シアルル化に寄与する (Neuraminidase protein of influenza A viruses induces global desialylation via its intracellular activity)	小林 大樹 (Daiki Kobayashi)	北海道大学大学院 獣医学研究院 微生物学教室 (Laboratory of Microbiology, Department of Disease Control, Faculty of Veterinary Medicine, Hokkaido University)
O2-3-12	ヒトから分離されたウシ由来H5N1インフルエンザウイルスのヒト呼吸器オルガノイドにおける性状解析 (Characterization of a human isolate of bovine-derived H5N1 influenza virus using human respiratory organoids)	七戸 新太郎 (Shintaro Shichinohe)	大阪大学 微生物病研究所 分子ウイルス分野 (Department of Molecular Virology, Research Institute for Microbial Diseases, The University of Osaka)
O2-6-1	GC含量の偏りがRNAウイルスの複製と安定性に与える影響 (The impact of GC-content bias on RNA virus replication and fitness)	川原 祥穂 (Sachiho Kawahara)	北海道大学 大学院医学研究院 医学院 医学部医学科 (Graduate School of Medicine; School of Medicine; Faculty of Medicine, Hokkaido University)
O2-6-2	動物RNAウイルスにみられる系統的制約：ゲノムサイズを手がかりに (Phylogenetic constraints on the genome size of animal RNA viruses)	高田 光輔 (Kosuke Takada)	シドニー大学／大阪大学微生物病研究所 (The University of Sydney／Research Institute for Microbial Diseases, the University of Osaka)
O3-2-10	PLANT: 季節性インフルエンザウイルスの抗原地図を予測するAIの開発 (PLANT: an AI model for predicting the antigenicity of H3N2 influenza viruses from hemagglutinin protein sequences)	伊東 潤平 (Jumpei Ito)	東京大学 医科学研究所 (The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)
O3-3-17	台湾のキクガシラコウモリ由来サルベコウイルスの分離と宿主域解析 (Isolation and host range characterization of sarbecoviruses derived from horseshoe bats in Taiwan)	市川 綾乃 (Ayano Ichikawa)	東京大学大学院 獣医微生物学研究室 (Department of Veterinary Microbiology, The University of Tokyo)