

The 82nd Annual Meeting of the Japanese Cancer Association

Day 1

September 21 (Thursday)

Room 1 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

AACR1

Clonal Hematopoiesis: A paradigm shift in the development of blood and solid cancers
クローニ性造血がもたらす血液がん・固体がん発症のパラダイムシフト

Chairpersons: Mamiko Sakata-Yanagimoto (Univ. of Tsukuba)
Ravi Majeti (Stanford Univ.)

座長：坂田（柳元） 麻実子（筑波大）
Ravi Majeti (Stanford Univ.)

The discovery of clonal hematopoiesis (CH) has innovated the novel scientific world in both blood and solid cancers. CH is a state in which hematopoietic stem cells acquire somatic mutations in genes involved in epigenetic pathways, splicing machineries, DNA repair, and as so forth during aging. CH serves as a predisposing state for various age-related diseases, including lifestyle diseases and cancers. Remarkably, in patients of solid and blood cancers harboring CH, the immune cells derived from CH are infiltrated into cancer tissues and serve as a niche to support cancer cells. Furthermore, CH is important in cancer management: Eventual detection of CH by panel sequencing, especially liquid biopsies may influence the choice of treatment options. CH affects side effects of immune therapies and cytotoxic drugs in cancer therapies. Paradoxically, cancer therapies shape the mutational profiles of CH, and induce secondary blood cancers originated from CH. In this symposium, we will focus on the recent progress in the roles of CH in cancer development and management, targeting both blood and solid cancers. The deeper insight into CH will lead to the better managements of cancers.

AACR1-1 Pre-Leukemic Hematopoietic Stem Cells in Human AML

Ravi Majeti (Stanford University)

AACR1-2 Relationship between clonal hematopoiesis and cancer revealed by analysis of large-scale cohorts

Ryunosuke Saiki (Pathology and Tumor Biology, Kyoto University)

大規模コホートの解析から明らかになった、クローニ性造血とがんの関わり

佐伯 龍之介（京都大学 医学研究科 肿瘍生物学講座）

AACR1-3 Clonal Hematopoiesis

Lucy A. Godley (Division of Hematology/Oncology, Robert H. Lurie Cancer Center, Northwestern Univ)

AACR1-4 Immune cells derived from clonal hematopoiesis affect cancer progression

Mamiko Sakata-Yanagimoto (Dept. Hematol., Univ. Tsukuba)

クローニ性造血に由来する免疫細胞によるがん進展への影響

坂田（柳元） 麻実子（筑波大・医・血液内科）

Symposia

Room 2 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

E

S1

AI opens up a new era of cancer research

AIが切り拓くがん研究の新時代

Chairpersons: Ryuji Hamamoto (Div. Med. AI Res. & Development, Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)

Shunpei Ishikawa (Dept. Preventive Med., Grad. Sch. of Med., The Univ. of Tokyo)

座長：浜本 隆二（国立がん研セ・研・医療AI研究開発分野）

石川 俊平（東京大・院医・衛生学分野）

Expectations for artificial intelligence (AI) are rising with rapid advances in machine learning technology, particularly deep learning. AI is currently being introduced in various areas of society, and the medical field is no exception, with AI-based medical devices already in use not only at the research level but also in clinical practice. In cancer research, AI is beginning to be actively utilized in a wide range of fields, including analysis of medical images such as endoscopic images, pathological images, and radiological images, omics analysis, and drug discovery. In particular, recent cancer research requires analysis of large-scale data such as whole genome data and multimodal analysis of data from various modalities, and AI-based cancer research is expected to become increasingly important in the future. Therefore, this symposium will be held to present the latest results of AI-based cancer research and to help participants understand the current status of AI-based cancer research.

S1-1 Cancer research using data-driven AI for clinical applications

Ryuji Hamamoto^{1,2} (Div. Medical AI Res. Dev., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Cancer Transl. Res. Team, RIKEN Ctr. for AIP project)

臨床応用を目的としたデータ駆動型AIを活用したがん研究

浜本 隆二^{1,2}（国立がん研究セ・研・医療AI研究開発、²理研・革新知能統合研究セ・がん探索医療）

S1-2 Introduction of AI into the field of oncologic pathology

Ishikawa Shunpei^{1,2} (¹Department of Preventive Medicine, The University of Tokyo, ²Division of Pathology, EPOC, National Cancer Center)

腫瘍病理学分野へのAI導入

石川 俊平^{1,2}（東京大学 大学院医学系研究科 衛生学教室、²国立がん研究センター EPOC 臨床腫瘍病理）

S1-3 Surgical AI to enhance the safety and efficiency of laparoscopic surgery

Nobuyoshi Takeshita, Daichi Kitaguchi, Hiro Hasegawa, Shin Takenaka, Yuta Suzuki, Norihito Kosugi, Yuki Furusawa, Kazuyuki Hayashi, Yumi Kinebuchi, Masaaki Ito (Dept. Promotion of Medical Device Innovation, NCCHE)

手術の均てん化・効率化をもたらすAI支援システムの開発

竹下 修由、北口 大地、長谷川 寛、竹中 慎、鈴木 悠太、小杉 篤仁、古澤 悠貴、林 一幸、杵淵 裕美、伊藤 雅昭（国がん東・医療機器開発推進部門）

S1-4 Toward personalized cancer treatment through AI drug discovery

Hideyuki Shimizu (AI Systems Medicine, M&D Data Science Center, TMDU)

AI創薬によるがんの個別化医療を目指して

清水 秀幸（医科歯科大・データ科学・AIシステム医科学）

S1-5 Glycosylation-assisting cancer clinics: an integrative omics and explainable machine learning perspective

Yen H. Chen, Yuh S. Jou (Institute of Biomedical Sciences, Academia Sinica)

Symposia

Symposia on Specific Tumors

Room 3 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

SST1 Cutting edge of pediatric cancer research

小児がん研究最前線

Chairpersons: Junko Takita (Dept. Pediatrics, Grad. Sch. of Med., Kyoto Univ.)
Motohiro Kato (Dept. Pediatrics, the Univ. of Tokyo)

座長：滝田 順子（京都大・院医・小児科）
加藤 元博（東京大・院医・小児科）

Recent advances in treatment strategies have enabled many patients with pediatric cancers to overcome their disease. However, there are still issues to be resolved, such as intractable disease and late complications in patients who are successfully cured. In order to explore the genetic and epigenetic basis of pediatric cancers and to develop more specific and successful treatment strategies, many researchers have conducted extensive studies on the molecular mechanisms of intractable pediatric malignancies, including leukemia, brain tumors, and neuroblastoma. Throughout these translational researches in pediatric cancers have led to a better understanding of the molecular pathogenesis of the disease and the development of new diagnostic methods and treatment strategies. In this symposium, cutting-edge researches in the field of pediatric cancers will present the latest advances in basic and clinical research directly related to the new therapeutic strategies of pediatric cancers.

SST1-1 Precision Medicine in Childhood Cancer: Updates from NCI-COG Pediatric MATCH

Nita Seibel (National Cancer Institute, National Institutes of Health)

SST1-2 Germline mosaicism as the origin of Langerhans cell histiocytosis

Nao Takasugi, Motohiro Kato (Department of Pediatrics, The University of Tokyo)

ランゲルハンス組織球症の起源となる生殖細胞系列モザイク変異
高杉 奈緒、加藤 元博（東京大学医学部小児科）

SST1-3 Multi-omics analysis reveals the genetic and epigenetic features of high-risk chronic active EBV infection-NK type.

Ryo Akazawa, Junko Takita (Pediatr., Kyoto Univ., Kyoto, Japan)

マルチオミクス解析によるNK細胞に感染した慢性活動性EBV感染症における予後不良群のゲノム・エピゲノム的特徴の同定
赤澤 順、滝田 順子（京都大学大学院 発達小児科学）

SST1-4 Memory-rich CAR-T cell engineering by piggyBac transposon system for pediatric solid tumor

Shigeki Yagyu^{1,2} (Shinshu University, ²Kyoto Pref Univ Med)小児固形腫瘍に対するピギーバックトランスポン CAR-T細胞療法の開発
柳生 茂希^{1,2} (¹信州大学、²京都府立医科大学)

SST1-5 Genome-wide association study of intracranial germ cell tumors

Keita Terashima (Children's Cancer Center, National Center for Child Health and Development)

頭蓋内胚細胞腫瘍のゲノムワイド関連研究
寺島 慶太（国立成育医療研究センター・小児がん）

SST1-6 Recent advances in neuroblastoma immunotherapy

Kristopher R. Bosse^{1,2} (¹Children's Hospital of Philadelphia, ²Perelman School of Medicine at the University of Pennsylvania)

Room 4

Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

S2

New waves in cancer germ line genomics analysis

がん生殖細胞系列ゲノミクス解析の新潮流

Chairpersons: Yukinori Okada (Grad. school of medicine, the university of tokyo)
Yoichiro Kamatani (Grad. Sch. of Frontier Sci., the Univ. of Tokyo)

座長：岡田 随象（東京大・院医）

鎌谷 洋一郎（東京大・院新領域創成）

Both somatic and germline mutations play essential roles in cancer genomics. While our knowledge on somatic mutation spectra in cancers have developed in the last decade, we still do not know well how germline mutations affect carcinogenesis. To date, biological and clinical interaction between somatic and germline mutations is still elusive. Recent development of high throughput sequencing technology and the national biobank resources have elucidated that rare, low frequency, common, and genome-wide polygenic germline mutations synergically affect susceptibility and/or prognosis of a wide range of human cancers. Bioinformatics and machine learning methodologies to integrate such germline mutations and multi-layer human omics information becomes important. Contribution of the environmental factors, namely gene environmental interaction, is another important modality to understand cancer germline mutation pathogenesis. In this session, we have a series of the invited talks and panel discussions focusing on the latest updates of the cancer germline mutations towards personalized medicine.

S2-1 Cancer Research by Integrating Genome Analysis and Environmental Factors

Chizu Tanikawa, Koichi Matsuda (Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo)

ゲノム解析と環境要因の融合によるがん研究
谷川 千津、松田 浩一（東京大学大学院・新領域創成科学研究所）

S2-2 Genome-wide association study provides insights into the etiology and epidemiology of intracranial germ cell tumors.

Kyuto Sonehara^{1,2,3}, Yui Kimura^{4,5}, Yoshiko Nakano^{5,6}, Tatsuya Ozawa⁵, Takashi Fujii^{7,8,9}, Arata Tomiyama^{7,8,9}, Tomonari Suzuki¹⁰, Shigeru Yamaguchi¹¹, Tomoru Miwa¹², Naoyuki Ohe¹³, Junya Fukai¹⁴, Atsufumi Kawamura¹⁵, Koichi Ichimura^{5,9}, Ryo Nishikawa¹⁰, Yukinori Okada^{1,2,3}, Keita Terashima⁴ (¹Dept. Genome Informatics, Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo, ²Dept. Statistical Genetics, Osaka Univ. Grad. Sch. Med., ³Lab. Systems Genetics, RIKEN Ctr. Integrative Med. Sci., ⁴Div. Neuro-Oncology, Natl. Ctr. Child Health & Development, ⁵Div. Brain Tumor Translational Res., Natl. Cancer Center Res. Inst., ⁶Dept. Pediatrics, Univ. Tokyo Hosp., ⁷Dept. Neurosurgery, Natl. Defense Med. Coll., ⁸Dept. Neurosurgery, Juntendo Univ. Sch. Med., ⁹Dept. Brain Disease Translational Res., Grad. Sch. Med., Juntendo Univ., ¹⁰Dept. Neuro-Oncology/Neurosurgery, Saitama Med. Univ. International Med. Ctr., ¹¹Dept. Neurosurgery, Faculty Med., Hokkaido Univ., ¹²Dept. Neurosurgery, Keio Univ. Sch. Med., ¹³Dept. Neurosurgery, Grad. Sch. Med., Gifu Univ., ¹⁴Dept. Neurological Surgery, Wakayama Med. Univ. Sch. Med., ¹⁵Dept. Neurosurgery, Hyogo Pref. Kobe Children's Hosp.)

頭蓋内胚細胞腫瘍のゲノムワイド関連解析は遺伝的背景の解明を通じ・病因と疫学の理解に貢献する

曾根原 究人^{1,2,3}、木村 由依^{4,5}、中野 嘉子^{5,6}、小澤 達也⁵、藤井 隆司^{7,8,9}、富山 新太^{7,8,9}、鈴木 智成¹⁰、山口 秀¹¹、三輪 点¹²、大江 直行¹³、深井 順也¹⁴、河村 淳史¹⁵、市村 幸一^{5,9}、西川 寛¹⁰、岡田 隨象^{1,2,3}、寺島 慶太⁴（東京大学・医・遺伝情報学、²大阪大学・医・遺伝統計学、³理化学研究所・IMS・システム遺伝学、⁴国立成育医療研究センター・脳神経腫瘍科、⁵国立がん研究センター・脳腫瘍連携研究分野、⁶東京大学・医学部附属病院・小児科、⁷防衛医科大学校・脳神経外科、⁸順天堂大学・医・脳神経外科、⁹順天堂大学・医・脳疾患連携分野研究講座、¹⁰埼玉医大国際医療センター・脳脊髄腫瘍科、¹¹北海道大学・医・脳神経外科、¹²慶應義塾大学・医・脳神経外科、¹³岐阜大学・医・脳神経外科、¹⁴和歌山県立医科大学・医・脳神経外科、¹⁵兵庫県立こども病院・脳神経外科）

S2-3 Lung cancer medicine and prevention leveraging germline information

Takashi Kohno^{1,2}, Kouya Shiraishi² (¹C-CAT, Natl Cancer Ctr, ²Div. Genome Biol, Natl Cancer Ctr Res Inst)

生殖細胞系列情報を用いた肺がん医療と予防

河野 隆志^{1,2}、白石 航也²（¹国立がんセ・C-CAT、²国立がんセ研・ゲノム生物）

Symposia

E

Room 5 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

S3

Cutting-edge Genome Informatics: Unraveling the Mystery of Dark Matter Regions of a Human Genome

ゲノム情報解析の最先端: ヒトゲノムのダークマター領域の謎に迫る

Chairpersons: Shinichi Morishita (The Univ. of Tokyo)
Yuichi Shiraishi (Nat'l. Cancer Ctr. Res. Inst.)

座長: 森下 真一 (東京大)

白石 友一 (国立がん研セ・研)

近年のロングリードシーケンス技術の進歩により、特殊な繰り返しの塩基配列で構成されているセントロメア領域、リボソーム RNA 遺伝子領域等の詳細な分析が可能となりつつある。本セッションにおいては、ゲノム上の難読領域に関する研究に取り組む情報系・実験系の研究者からの講演を通じて、ゲノム解析研究の現在地を把握しつつ、今後の方向性について洞察を深めることを目標とする。

S3-1 Building and understanding the human pangenome

Erik Garrison (Department of Genetics, Genomics, and Informatics, UTHSC)

S3-2 rDNA stability and cellular senescence

Takehiko Kobayashi (Institute for Quantitative Biosciences, University of Tokyo)

リボソーム RNA 遺伝子の安定性と細胞老化

小林 武彦 (東京大学定量生命科学研究所 (東大定量研))

S3-3 Assembly mechanisms of the kinetochore on centromeres

Tatsuo Fukagawa (FBS, Osaka Univ.)

セントロメアにおけるキネトコア集合機構

深川 竜郎 (大阪大学・生命機能)

S3-4 Centromere DNA sequence Diversity in Human Populations

Yuta Suzuki (Dept. Comp. Biol. and Med. Sci., GSFS, The Univ. Tokyo)
ヒト集団におけるセントロメア DNA 配列の多様性

鈴木 裕太 (東大・新領域・メディカル情報生命)

S3-5 On detection of somatic structural variation in highly repetitive regions using long-read sequencing data

Yuichi Shiraishi (National Cancer Center Research Institute)

ロングリードシーケンスを使った高度リピート領域における後天的構造異常の検出

白石 友一 (国立がん研究センター・研究所)

S2-4

Utility of Polygenic Risk Scores: From Disease Risk Prediction to Evaluation of Germline-Somatic Associations

Yuki Saito^{1,2}, Shinichi Namba³, Yasunori Kogure¹, Yukinori Okada^{3,4,5}, Keisuke Kataoka^{1,6} (¹Div. Molecul. Oncol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dep. Gastro., Keio Univ. Sch. Med., ³Dep. Stat. Genet., Osaka Univ. Grad. Sch. Med., ⁴Lab. Syst. Genet., RIKEN Ctr. Integrative Med. Sci., ⁵Dept. Genome Informatics, Grad. Sch. Med., The Univ. of Tokyo., ⁶Div. Hematol., Dep. Med., Keio Univ. Sch. Med.)

ポリジェニックスコアの有用性: 疾患リスク予測から生殖-体細胞変異相関まで

斎藤 優樹^{1,2}、難波 真一³、木暮 泰寛¹、岡田 随象^{3,4,5}、片岡 圭亮^{1,6}
(¹国立がん研究セ・研・分子腫瘍、²慶應大・医・消化器内科、³大阪大・医・遺伝統計、⁴理研・生命医科学研究セ・システム遺伝、⁵東京大・医・遺伝情報、⁶慶應大・医・血液内科)

S2-5

Where cancer genetic counseling is going.

Kiwamu Akagi (Dept. Mol. Diagnosis & Cancer Prev. Saitama Cancer Center)

がん遺伝カウンセリングのこれから

赤木 究 (埼玉県立がんセンター 腫瘍診断・予防科)

Japanese Oral Sessions

Room 6 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15

J

J3

Inflammation and microbiome in cancer biology

がん病態における炎症と微生物叢

Chairperson: Yushito Nannya (Dep. Hematol & Oncol, IMS, Univ. Tokyo)

座長：南谷 泰仁（東大医科研・血液腫瘍内科）

J-1001 Clonal expansion in bile duct associated with chronic inflammation

Hirona Maeda¹, Nobuyuki Kakiuchi^{1,2,3}, Takashi Ito⁴, Eri Ogawa⁵, Masahiro Shiokawa², Norimitsu Uza², Yoko Tanaka⁶, Yasuhito Nannya^{1,7}, Hideki Makishima¹, Yuzo Kodama⁸, Etsuro Hatano⁴, Satoru Miyano⁶, Seishi Ogawa^{1,9,10} (¹Dept. Path. & Tumor Biol., Kyoto Univ., ²Dept. Gastroenterology & Hepatology, Kyoto Univ., ³Hakubi Ctr. for Advanced Res., ⁴Dept. Hepato-Biliary-Pancreatic Surg. & Transplantation Dept., Kyoto Univ., ⁵Dept. Pediatric Surg., Kyoto Univ., ⁶M&D Data Sci. Ctr., Tokyo Med. & Dent. Univ., ⁷Dept. Hematol., Inst. of Med. Sci., Tokyo Univ., ⁸Div. Gastroenterology, Dept. Internal Med., Kobe Univ., ⁹Inst. for the Advanced Study of Human Biol., Kyoto Univ., ¹⁰Dept. Med., Karolinska Inst., Stockholm, Sweden)

慢性炎症に伴う胆管上皮におけるクローニング拡大

前田 紘奈¹、垣内 伸之^{1,2,3}、伊藤 孝司⁴、小川 絵里⁵、塙川 雅広²、宇 座 徳光²、田中 洋子⁶、南谷 泰仁^{1,7}、牧島 秀樹⁷、児玉 裕三⁸、波多野 悅朗⁴、宮野 悟⁶、小川 誠司^{1,9,10}（京都大・医・腫瘍生物学、²京都大・医・消化器内科、³京都大・白眉センター、⁴京都大・医・肝胆脾移植外科、⁵京都大・医・小児外科、⁶東京医歯大・M&D データ科学センター、⁷東京大・医科研・血液腫瘍内科、⁸神戸大・消化器内科、⁹京都大・ヒト生物学高等研究拠点、¹⁰スウェーデンカロリンスカ研究所）

J-1002 Fusobacterium nucleatum promotes epithelial-mesenchymal transition in murine NMuMG breast cancer cells

Akihiro Nakamura¹, Yutaka Horiuchi¹, Tomonaga Ichikawa¹, Okihide Suzuki², Akihiro Yoshida³, Takashi Murakami¹ (¹Dept. Microbiol., Fac. Med., Saitama Med. Univ., ²Dept. Digestive Tract and Surgery., Fac. Med., Saitama Med. Univ., ³Dept. Oral Microbiol., Matsumoto Dental Univ.)

嫌気性菌 *Fusobacterium nucleatum* はマウス乳がん細胞株 NMuMG の上皮間葉転換を促進する

中村 彰宏¹、堀内 大¹、市川 朝永¹、鈴木 興秀²、吉田 明弘³、村上 孝¹（¹埼玉医科大学・医学部微生物学、²埼玉医科大学・総合診療セ・ゲノム診療、³松本歯科大学・微生物学講座）

J-1003 Exploring Gut Microbiome for Fecal Transplantation in Combination with Immune Checkpoint Inhibitors

Kiyoshi Yoshimura^{1,2,3}, Kazuyuki Hamada^{2,4}, Junya Isobe⁵, Masahiro Hosonuma^{1,2,3}, Yuta Baba¹, Kohei Tajima^{1,3}, Eiji Funayama^{1,3}, Hitoshi Toyoda^{1,3}, Toshimitsu Tsurui^{1,2,3}, Yuya Hirasawa^{1,2,3}, Hirotugu Ariizumi², Tomoyuki Ishiguro⁶, Atsushi Horike⁶, Satoshi Wada^{2,6}, Atsuo Kuramasu¹, Takuuya Tsunoda² (¹Department of Clinical Immunology, CRI, Showa University, ²Division of Medical Oncology, Medicine, Showa University, ³Pharmacological Research Center, Showa University, ⁴Department of Chest Surgery, Fukushima Medical University, ⁵Department of Hospital Pharmaceuticals, Showa University, ⁶Department of Clinical Diagnostic Oncology, CRI, Showa University)

免疫チェックポイント阻害剤と併用による便移植のための腸内細菌の探索

吉村 清^{1,2,3}、浜田 和幸^{2,4}、磯部 順哉⁵、細沼 雅弘^{1,2,3}、馬場 勇太¹、田島 康平^{1,3}、船山 英治^{1,3}、豊田 仁志^{1,3}、鶴井 敏光^{1,2,3}、平澤 優弥^{1,2,3}、有泉 裕嗣²、石黒 智之²、堀池 篤²、和田 聰^{2,6}、倉増 敦朗¹、角田 卓也²（昭和大学 臨床薬理研究所・臨床免疫腫瘍学、²昭和大学 医学部内科学講座・腫瘍内科学、³昭和大学 薬理学センター、⁴福島県立医科大学 呼吸器外科、⁵昭和大学 薬学部病院 薬剤学講座、⁶昭和大学臨床薬理研究所・臨床腫瘍診断学）

J-1004 Characterization of *E. faecalis* involved in the pathogenesis of chronic pancreatitis and cancer

Mamika Sonoda¹, Munehumi Shimosaka¹, Jumpei Kondo¹, Rui Kawaguchi¹, Emika Noda¹, Syuu Fujiyama¹, Shinji Takamatsu¹, Yoshihumi Iwagami³, Hidenori Takahashi³, Yoshihiro Kamada², Hideyoshi Eguchi³, Eiji Miyoshi¹ (¹Osaka Univ. Grad. Sch. Med., Dept. Mol. Biochem. & Clin. Invest., ²Osaka Univ. Grad. Sch. Med., Dept. Med. Phys. & Eng., ³Osaka Univ. Grad. Sch. Med., Dept. Gastroenterological Surg.)

慢性膵炎・膵臓癌の病態に関するエンテロコッカスの性状解析

園田 麻美香¹、下坂 宗史¹、近藤 純平¹、川口 瑞惟¹、野田 愛美香¹、藤山 紫結¹、高松 真二¹、岩上 佳史³、高橋 秀典³、鎌田 佳宏²、江口 英利³、三善 英知¹（¹阪大・院医・生体病態情報科学、²阪大・院医・生体物理学講座、³阪大・院医・消化器外科）

J-1005 Functional analysis of *Brd4* in IFN-γ-induced cell death

Akimi Yonezawa^{1,2}, Haruna Takeda¹ (¹Natl. Cnacer Ctr. Res. Inst., ²Kitasato Univ.)

大腸がん関連候補遺伝子 *Brd4* の IFN-γ 誘導性細胞死における機能解析

米澤 晶巳^{1,2}、武田 はるな¹（¹国立がん研究センター研究所、²北里大学）

J-1006 Prognostic impact of Stimulator of Interferon Genes expression in triple negative breast cancer.

Tetsuyo Maeda¹, Makiko Ono², Tomohiro Chiba^{3,4}, Tomo Osako^{3,4}, Asumi Iesato¹, Yukinori Ozaki¹, Yuka Inoue¹, Natsue Uehiro¹, Yoko Takahashi¹, Nami Yamashita¹, Takayuki Kobayashi¹, Takahiro Kogawa⁵, Shigehisa Kitano⁵, Takayuki Ueno¹, Shinji Ohno¹ (¹Breast Oncology Center, CIH, JFCR, ²Department of Medical Oncology, CIH, JFCR, ³Division of Pathology, Cancer Institute of JFCR, ⁴Department of Pathology, CIH, JFCR, ⁵Department of Advanced Medical Development, CIH, JFCR)

トリプルネガティブ乳癌における Stimulator of Interferon Genes 発現の予後への影響

前田 哲代¹、小野 麻紀子²、千葉 知宏^{3,4}、大迫 智^{3,4}、家里 明日美¹、尾崎 由記範¹、井上 有香¹、植弘 奈津恵¹、高橋 洋子¹、山下 奈真¹、小林 隆之¹、古川 孝広⁵、北野 滋久⁵、上野 貴之¹、大野 真司¹（がん研究会有明病院 乳房センター、²がん研究会有明病院 総合腫瘍科、³がん研究会癌研究所 病理部、⁴がん研究会有明病院 病理部、⁵がん研究会有明病院 先端医療開発センター）

Japanese Oral Sessions

Room 6 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30

J

J12-1

Cancer immunology and immunotherapy

がん免疫応答の理解と治療法開発

Chairperson: Hirokazu Matsushita (Div. Translational Oncoimmunol., Aichi Cancer Ctr.)

座長：松下 博和（愛知県がんセ・腫瘍免疫制御 TR）

J-1007 Zeb2 regulates differentiation of long-lived effector of invariant NKT cells

Kanako Shimizu¹, Tomonori Iyoda¹, Satoru Yamasaki¹, Shinichiro Fujii^{1,2}
(¹Lab for Immunotherapy, RIKEN-IMS, ²Program for DMP, RIKEN)

Zeb2 は iNKT 細胞の長期生存エフェクター細胞への分化を制御する
清水 佳奈子¹、伊豫田 智典¹、山崎 哲¹、藤井 真一郎^{1,2} (¹理研 免疫細胞治療研究チーム、²理研 創薬・医療技術基盤プログラム)

J-1008 Indoleamine 2,3-dioxygenase 1 (IDO1) inhibitor demonstrates antitumor effect in dogs with urothelial carcinoma

Takaaki Iguchi¹, Namiko Ikeda¹, Daiki Kato¹, Susumu Aoki¹, Shiyu Qin¹, Ryosuke Ohata¹, Shoma Koseki¹, Hayato Shibahara¹, Takahiro Kako¹, Yuko Hashimoto², Yousuke Takahashi², Naohiro Takahashi², James Chambers³, Kazuyuki Uchida³, Ryohi Nishimura¹, Takayuki Nakagawa¹
(¹Lab. Vet. Surg., Grad. Sch. of Agri., Univ. of Tokyo, ²Veterinary Med. Ctr., Univ. of Tokyo, ³Lab. Vet. Pathol., Grad. Sch. of Agri., Univ. of Tokyo)

インドールアミン 2,3 ジオキシゲナーゼ 1(IDO1)阻害薬は犬尿路上皮癌症例に対して抗腫瘍効果を示す

井口 貴瑛¹、池田 凡子¹、加藤 大貴¹、青木 翁¹、秦 詩雨¹、太田 峻介¹、小関 翔馬¹、柴原 隼人¹、加古 貴大¹、橋本 裕子²、高橋 洋介²、高橋 尚大²、エンバーズ ジェームズ³、内田 和幸³、西村 亮平¹、中川 貴之¹ (¹東京大・農・獣医外科学、²東京大・動物医療センター、³東京大・農・獣医病理学)

J-1009 Analysis of antitumor effect with long lasting memory induced by a novel cancer vaccine based on HANG with TCR-T therapy

Fumiyasu Momose¹, Takashi Nakai², Kohei Yabuuchi², Makiko Yamane¹, Tae Hayashi¹, Yoshiyuki Nakagawa², Shogo Aso², Toru Katsumata², Tsuyoshi Shimoboji², Yoshihiro Miyahara¹ (¹Dept. Personalized Cancer Immunotherapy, Mie Univ., Grad. Sch. Med., ²New Product Development Office, Functional Additives Div., Asahi Kasei Corporation)

ヒアルロン酸ナノゲルを基盤とした新規がんワクチンと TCR-T 細胞併用療法の持続した抗腫瘍・再発抑制作用の解析

百瀬 文康¹、中井 貴士²、藪内 昂平²、山根 真妃子¹、林 妙¹、中川 慶之²、麻生 尚吾²、勝又 徹²、下房地 剛²、宮原 廉裕¹ (¹三重大・院医・個別化がん免疫治療学、²旭化成・添加剤事業部・新製品開発推進室)

J-1010 Treatment of B16F10 and colon26 tumors in mice using electrical discharge plasma

Ryo Ono¹, Kengo Wada¹, Ryuichiro Ito¹, Daiki Okada¹, Atsushi Komuro¹, Hideyuki Yanai² (¹Dept. Advanced Energy, Grad. School Frontier Sci., Univ. Tokyo, ²Dept. Inflammology, Res. Center Adv. Sci. & Technol. Univ. Tokyo)

放電プラズマを用いたマウス B16F10 および colon26 腫瘍の照射による抗腫瘍効果

小野 亮¹、和田 健吾¹、伊藤 隆一郎¹、岡田 大樹¹、小室 淳史¹、柳井 秀元² (¹東京大学 新領域 先端エネルギー工学専攻、²東京大学 先端研)

J-1011 Antigen spreading against prostate cancer induced by a novel multivalent cellular vaccine, aAVC-PROS

Yamasaki Satoru¹, Kanako Shimizu^{1,2}, Shinichiro Fujii^{1,2} (¹RIKEN IMS Lab for Immunotherapy, ²RIKEN DMP)

新規多価細胞ワクチン aAVC-PROS による前立腺癌に対する抗原拡散効果

山崎 哲¹、清水 佳奈子^{1,2}、藤井 真一郎^{1,2} (¹理研 IMS 免疫細胞治療研究チーム、²理研 創薬・医療技術基盤プログラム)

J-1012 Tumor-derived semaphorin 4A improves anti-PD-1 antibody efficacy by enhancing CD8+ T-cell cytotoxicity and proliferation

Yujiro Naito¹, Shohei Koyama^{1,2}, Kentaro Masuhiro¹, Takashi Hirai³, Takako Inoue⁴, Hirotomo Machiyama¹, Motohiro Tamiya⁴, Kazuo Yamashita⁵, Masahide Mori⁶, Yoshito Takeda¹, Atsushi Kumanogoh¹ (¹Dept. of Respiratory Med. and Clin. Immunol., Osaka Univ., ²Div. of Cancer Immunol., Natl. Cancer Ctr., ³Dept. of Otorhinolaryngology-Head and Neck Surg., Osaka Univ., ⁴Dept. of Thoracic Oncology, Osaka International Cancer Inst., ⁵KOTAI Biotechnologies, Inc., ⁶Dept. of Thoracic Oncology, Osaka Toneyama Med. Ctr.)

腫瘍由来のセマフォリン 4A は CD8 陽性 T 細胞の細胞障害活性と増殖能を高め、抗 PD-1 抗体の治療効果を増強する

内藤 祐二朗¹、小山 正平^{1,2}、益弘 健太朗¹、平井 崇士³、井上 寛子⁴、町山 裕知¹、田宮 基裕⁴、山下 和男⁵、森 雅秀⁶、武田 吉人¹、熊ノ郷 淳¹ (¹大阪大学 呼吸器免疫内科、²国立がん研究センター 研究所 免疫 TR 分野、³大阪大学 耳鼻咽喉科・頭頸部外科学、⁴大阪国際がんセンター 呼吸器内科、⁵KOTAI バイオテクノロジーズ株式会社、⁶大阪刀根山医療センター 呼吸器腫瘍内科)

English Oral Sessions

Room 7 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15

E

E16-1

New therapeutic targetes and therapeutic modality

新規治療標的・治療法

Chairperson: Hiroaki Sakurai (Dept. Cancer Cell Biol. Univ. Toyama)

座長: 櫻井 宏明 (富山大・薬・がん細胞生物学)

E-1001 Screening of NCYM-Targeting Drugs using a Cholangiocarcinoma Organoid Model

Rohmad Y. Utomo^{1,2}, Yusuke Suenaga³, Hiroyuki Kogashi^{3,4}, Kazuma Nakatanji^{3,4,5}, Seiji Yamamoto⁶, Ummi M. Zulfin^{2,3,4}, Edy Meiyanto^{1,2}, Yoshitaka Hippo⁶ (¹Department of Pharmaceutical Chemistry, Faculty of Pharmacy, UGM, ²Cancer Chemoprevention Research Center, Faculty of Pharmacy, UGM, ³Laboratory of Evolutionary Oncology, CCCRI, ⁴Department of Molecular Biology and Oncology, Chiba University, ⁵Innovative Medicine CHIBA Doctoral WISE Program, ⁶Laboratory of Precision Tumor Model Systems, CCCRI)

E-1002 Identification of URST8 as a novel prognostic biomarker and therapeutic target for breast cancer

Regina Mbugua^{1,2}, Atsushi Takano^{1,2,3}, Bayarbat Tsevegjav^{1,2}, Yohei Miyagi⁴, Yataro Daigo^{1,2,3} (¹Dep. Med. Oncol. & Cancer Ctr., Shiga Univ. Med. Sci., ²Ctr. for Advanced Med. against Cancer, Shiga Univ. of Med. Sci., ³Ctr. for Antibody and Vaccine, Univ. of Tokyo, ⁴Mol. Pathology & Genet. Div., Kanagawa Cancer Ctr.)

乳がんの新規バイオマーカー・治療標的分子URST8 の機能解析

ンポガ レジナ^{1,2}、高野 淳^{1,2,3}、シェベグジャブ バヤルバット^{1,2}、宮城 洋平⁴、醍醐 弥太郎^{1,2,3} (¹滋賀医大 臨床腫瘍学講座、²滋賀医大 先端がん研究センター、³東京大学医科研 抗体ワクチンセンター、⁴神奈川県立がんセンター)

E-1003 A potential novel treatment for osteosarcoma based on the combination of BH3 mimetic with TKI

Satoshi Takagi¹, Sumie Koike¹, Miho Takami¹, Ai Takemoto¹, Naoya Fujita², Ryohei Katayama¹ (¹Div. of Exp. Chemother., Cancer Chemother. Ctr., JFCR, ²Cancer Chemother. Ctr., JFCR)

BH3 mimetic と TKI の併用に基づく骨肉腫の新規治療法の可能性

高木 聰、小池 清恵¹、高見 美穂¹、竹本 愛¹、藤田 直也²、片山 量平¹ (¹(公財)がん研・がん化療セ・基礎研究部、²(公財)がん研・がん化療セ)

E-1004 Novel CSF1R inhibitor, FF-10101, strongly inhibit tumor-associated macrophages and improve anti-tumor response

Takahiko Sato^{1,2}, Daisuke Sugiyama², Yasuhiro Kojima³, Satomi Hattori⁴, Kazuki Sone², Yuichi Ishikawa¹, Hiroyoshi Nishikawa^{2,5}, Hitoshi Kiyo¹ (¹Dept. Hematology and Oncology, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ²Dept. Immunology, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ³Lab. Computational Life Science, National Cancer Center, ⁴Dept. Obstetrics and Gynecology, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ⁵Div. Cancer Immunology, EPOC, National Cancer Center)

新規CSF1R阻害剤FF-10101による、免疫抑制性腫瘍関連マクロファージの阻害と抗腫瘍免疫応答の誘導

佐藤 貴彦^{1,2}、杉山 大介²、小嶋 泰弘³、服部 諭美⁴、曾根 一輝²、石川 裕一¹、西川 博嘉^{2,5}、清井 仁¹ (¹名古屋大学大学院 医 血液・腫瘍内科学、²名古屋大学大学院 医 分子細胞免疫学、³国立がん研究センター研究所 計算生命学、⁴名古屋大学大学院 医 産婦人科学、⁵国立がん研究センター研究所 免疫TR分野)

E-1005 Bell-shaped dose response to tankyrase inhibitors in the drug-tolerant patient-derived colorectal cancer cells

Shun Morino^{1,2}, Tetsuo Mashima¹, Satoshi Nagayama³, Fumiuki Shirai⁴, Ryohei Katayama^{2,5}, Hiroyuki Seimiya^{1,2} (¹Div. Mol. Biother., Cancer Chemother. Ctr., JFCR, ²Grad. Sch. Front. Sci., Uni. Tokyo, ³Dept. Gastroenterol. Surg., Cancer Inst. Hosp., JFCR, ⁴Drug Discovery Chemistry Platform Unit, CSRS, RIKEN, ⁵Div. Exp. Chemother., Cancer Chemother. Ctr., JFCR)

タンキラーゼ阻害剤に耐性化した患者由来大腸がん細胞のベル型用量反応性機構

森野 峻^{1,2}、馬島 哲夫¹、長山 聰³、白井 文幸⁴、片山 量平^{2,5}、清宮 啓之^{1,2} (¹(公財)がん研・化療セ・分子生物治療、²東京大・院新領域、³(公財)がん研・有明病院・大腸外科、⁴理研・CSRS・創薬化学基盤、⁵(公財)がん研・化療セ・基礎)

E-1006 Novel Antibody Exerts Antitumor Effect through Downregulation of CD147 and Activation of Multiple Stress Signals

Hiroshi Yuita¹, Sadanori Watanabe², Yoshikazu Johmura³, Sae Aratani⁴, Makoto Nakanishi¹, Keisuke Fukuchi⁵ (¹Translational Sci. Dept. II, Daiichi Sankyo Co. Ltd., ²Discovery Res. Lab. I, Daiichi Sankyo Co. Ltd., ³Can. Res. Inst. of Kanazawa University, ⁴The Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo)

CD147分子の発現低下及びストレス応答性シグナル活性化を介した

抗腫瘍活性を有する、新規抗CD147抗体の樹立

結田 浩史¹、渡邊 定則²、城村 由和³、荒谷 紗絵⁴、中西 真⁴、福地 圭介² (¹第一三共株式会社 TS 第二部、²第一三共株式会社ディスカバリーワークス研究所、³金沢大学 がん進展制御研究所、⁴東京大学 医科学研究所)

INFORMATION

DAY 1

AM
LS
PM
Posters

DAY 2

AM
LS
PM
Posters

DAY 3

AM
LS
PM
Posters

INDEX

Authors

Keywords
Chairpersons

English Oral Sessions

Room 7 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30

E16-2 Circumvention of drug resistance 薬剤耐性・抵抗性の克服

Chairperson: Hiromichi Ebi (Div. Mol. Ther, Aichi Can. Ctr, Res. Ins.)
座長: 衣斐 寛倫 (愛知がん・研究所・がん標的治療 TR)

E-1007 Overcoming adaptive resistance to KRAS G12C inhibitors

Yuta Adachi¹, Niitsu Hiroaki¹, Rui Yamaguchi², Hiromichi Ebi¹
(¹Division of Molecular Therapeutics, Aichi Cancer Center Research Institute, ²Division of Cancer Systems Biology, Aichi Cancer Center Research Institute)

KRASG12C 阻害薬の適応耐性の克服

足立 雄太¹、新津 宏明¹、山口 類²、衣斐 寛倫¹ (¹愛知県がんセンターがん標的治療 TR 分野、²愛知県がんセンター システム解析学分野)

E-1008 Adaptive resistance to KRAS-G12C inhibitors through AXL activation in KRAS-G12C mutant tumor cells

Kenji Morimoto¹, Tadao Yamada¹, Soichi Hira¹, Yuki Katayama¹, Seiji Yano², Mano Horinaka³, Toshiyuki Sakai³, Shinsaku Tokuda¹, Koichi Takayama¹ (¹Department of Pulmonary Medicine, Kyoto Prefectural University of Medicine, ²Department of Respiratory Medicine, Kanazawa University, ³Department of Drug Discovery Medicine, Kyoto Prefectural University of Medicine)

KRAS-G12C 陽性肺がんにおける AXL の活性化を介した KRAS-G12C 阻害薬初期治療抵抗性

森本 健司、山田 忠明¹、平井 聰一¹、片山 勇輝¹、矢野 聖二²、堀中 真野³、酒井 敏行³、徳田 深作¹、高山 浩一¹ (¹京都府立医科大学呼吸器内科、²金沢大学医薬保健研究域医学系呼吸器内科学、³京都府立医科大学医学研究科創薬医学)

E-1009 Overcoming ARID1A mutation-induced osimertinib resistance in EGFR-mutant NSCLC leptomeningeal carcinomatosis

Koji Fukuda, Shinji Takeuchi, Sachiko Arai, Shigeki Nanjo, Seiji Yano (Kanazawa Univ. Cancer Inst.)

EGFR 変異頸膜癌モデルにおける ARID1A 変異によるオシメルチズ耐性獲得とその克服治療法の確立

福田 康二、竹内 伸司、新井 祥子、南條 成輝、矢野 聖二 (金沢大学・がん研・腫瘍内科)

E-1010 Drug screening using reprogramming resistance to overcome resistance to ALK-targeted therapy

Takahiro Utsumi¹, Ken Uchibori², Makoto Nishio³, Yasuhiro Yamada³, Isamu Okamoto⁴, Ryoei Katayama¹ (¹Div. Exp. Chemother., Cancer Chemother. Ctr., JFCR, ²Dept. Thoracic Med. Oncology, Cancer Inst. Hosp., JFCR, ³Dept. Mol. Pathol. Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo, ⁴Dept. Respiratory Med., Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ.)

初期化抵抗性スクリーニングを用いた ALK 陽性肺癌における治療耐性克服法の探索

内海 太裕¹、内堀 健²、西尾 誠人³、山田 泰広³、岡本 勇⁴、片山 量平¹ (¹公財)がん研・化療セ・基礎研究部、²(公財)がん研・有明病院・呼吸器センター、³東大・院・医 分子病理学分野、⁴九大・院・医 呼吸器内科学分野)

E-1011 Detection of low-dose ligand dependent drug-resistance through loss of tumor suppressor genes in ALK/ROS1 positive NSCLC

Nobuyuki Kondo^{1,2}, Yasunari Miyazaki¹, Ryohei Katayama^{1,3}, Makoto Nishio⁴, Ken Uchibori¹ (¹Division of Experimental Chemotherapy, Cancer Chemotherapy Center, JFCR, ²Tokyo Medical and Dental University, Department of Respiratory Medicine, ³CBMS, Graduate School of Frontier Science, The University of Tokyo, ⁴Department of Thoracic Medical Oncology, The Cancer Institute Hospital, JFCR)

ALK/ROS1 陽性肺癌におけるがん抑制遺伝子の欠損に伴う低濃度リガンド依存的な薬剤耐性機構の探索

近藤 信幸^{1,2}、宮崎 泰成²、片山 量平^{1,3}、西尾 誠人⁴、内堀 健¹ (¹がん研究会がん化学療法センター基礎研究部、²東京医科歯科大学 呼吸器内科、³東京大学大学院 新領域・メディカル情報生命、⁴がん研有明病院 呼吸器内科)

E-1012 Intrinsic resistance to selpleratinib via HER3 signaling in RET aberrant cancer cells

Yuki Katayama¹, Tadaaki Yamada¹, Keiko Tanimura¹, Kenji Morimoto¹, Seiji Yano², Mano Horinaka³, Toshiyuki Sakai³, Koichi Takayama¹ (¹Department of Pulmonary Medicine, Kyoto Prefectural University of Medicine, ²Division of Medical Oncology, Cancer Research Institute, Kanazawa University, ³Department of Drug Discovery Medicine, Kyoto Prefectural University of Medicine)

RET 変異がんにおける HER3 活性化を介したセルペルカチニブに対する治療抵抗性に関する基礎的検討

片山 勇輝¹、山田 忠明¹、谷村 恵子¹、森本 健司¹、矢野 聖二²、堀中 真野³、酒井 敏行³、高山 浩一¹ (¹京都府立医科大学附属病院 呼吸器内科、²金沢大学 がん進展制御研究所 腫瘍内科、³京都府立医科大学医学研究科創薬医学)

Symposia

Room 8 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

S4 Revisiting epigenetics in cancer エピゲノムの今未来

Chairpersons: Atsushi Iwama (Dept. Stem Cell Mol. Cell., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo)
Yasuhiro Murakawa (Kyoto Univ.)

座長: 岩間 厚志 (東京大・医科研・幹細胞分子医学)
村川 泰裕 (京都大)

Recent advances in molecular biology and functional genomics have enabled the identification of epigenetic alterations in specific genes and pathways that contribute to tumorigenesis. In addition, the use of epigenetic therapies, such as DNA methylation inhibitors and histone deacetylase inhibitors, has shown promise in the treatment of certain types of cancer. However, many challenges still remain in the field of cancer epigenetics to fully understand the mechanisms of cancer development and maintenance. In this symposium, we will discuss the recent efforts to fully understand the complex interplay between genetics and epigenetics in tumorigenesis. We will also talk about emerging concepts of epigenetics related to the aging process, a major risk factor for various cancers. Furthermore, we will introduce an array of new and disruptive technologies to reveal new aspects of cancer epigenomics. These technologies include functional genomics tools that allow detailed studies of cancer epigenomics at high genomic resolution, as well as spatial epigenomic profiling methods at the single-cell level. This symposium aims to provide a forum for a lively discussion of new biology and technologies that will open up new directions in cancer epigenetics research.

S4-1 The loss of epigenetic information induced by DNA damage drives aging

Motoshi Hayano (Keio University, School of Medicine, Department of Orthopedic Surgery)

DNA 損傷によるエピゲノム情報の消失と、老化制御
早野 元詔 (慶應義塾大学医学部整形外科学教室)

S4-2 Deciphering the cis-regulatory epigenetic code in malignancies using 5' RNA sequencing approaches

Yasuhiro Murakawa^{1,2,3} (WPI-ASHBi, Kyoto University, ²RIKEN Center for Integrative Medical Sciences, ³IFOM-ETS)

新規の網羅的転写開始点シークエンシング法による悪性腫瘍の系統的エピゲノム解析

村川 泰裕^{1,2,3} (東京・ヒト生物学高等研究拠点、²理研・生命医科学研究センター、³IFOM 癌研究所)

S4-3 Spatial Multi-Omics Sequencing to Study Human Physiology, Aging and Disease

Rong Fan (Dept. of Biomedical Engineering)

S4-4 Durable clinical impacts and mechanisms of action and resistance in histone H3K27me3 targeting epigenetic therapy

Makoto Yamagishi¹, Yuta Kuze¹, Satoko Morishima², Toyotaka Kawamata^{3,4}, Junya Makiyama^{3,5}, Kako Suzuki¹, Isao Yasumatsu⁶, Gensuke Takayama¹, Kazumi Ito¹, Yasuhito Nannya^{3,8}, Shinji Tsutsumi⁷, Yutaka Suzuki¹, Kaoru Uchimaru¹ (¹Dept. CBMS, Grad. Sch. Front. Sci., Univ. of Tokyo, ²2nd Dept. Internal Med, Grad. Sch. Med., Univ. of Ryukyu, ³Dept. Hematol/Oncol., IMSUT Hosp., Univ. of Tokyo, ⁴Dept. Hematol., Tokyo Metropolitan Bokutoh Hosp., ⁵Dept. Hematol., Sasebo City Gen. Hosp., ⁶Daiichi Sankyo RD Novare Co., Ltd., ⁷Daiichi Sankyo Co., Ltd., ⁸Div. Hematopoietic Dis. Contl, IMSUT, Univ. of Tokyo)

ヒストンH3K27me3 異常を標的としたエピゲノム治療の作用機序、耐性機序

山岸 誠¹、久世 裕太²、森島 聰子²、川俣 豊隆^{3,4}、牧山 純也^{3,5}、鈴木 佳子¹、安松 黙⁶、高山 原介⁷、伊藤 和美⁸、南谷 泰仁^{3,8}、堤 信二⁷、鈴木 積¹、内丸 薫¹ (¹東京大学・院・新領域・メディカル情報生命、²琉球大・院・医学研究科・第二内科、³東京大学・医科研・血液腫瘍内科、⁴都立墨東病院・血液内科、⁵佐世保市総合医療センター・血液内科、⁶第一三共・RD ノバーレ、⁷第一三共株式会社、⁸東京大学・医科研・造血病態制御学)

S4-5 Chromatin accessibility in stem cells unveils progressive transcriptional reprogramming in myelodysplastic syndrome

Atsushi Iwama (Dept. Stem Cell Mol. Cell., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo)

クロマチンアクセシビリティプロファイリングによる骨髄異形成症候群の病態解析

岩間 厚志 (東京大学・医科学研究所・幹細胞分子医学)

S4-6 Targeting transcriptional CDKs in Cancer

Ricky W. Johnstone (Peter MacCallum Cancer Centre)

English Oral Sessions

Room 9 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15

E

E9

Dysregulation epigenome and chromatin structure in cancer (1)
がんにおけるエピゲノムとクロマチン構造の制御異常 (1)

Chairperson: Akihiko Yokoyama (National Cancer Center Tsuruoka Metabolomics Laboratory)

座長: 横山 明彦 (国立がん研究センター・鶴岡連携研究拠点)

E-1013 Epigenetic alterations in cancer ecosystem contribute to determination of cancer cell phenotypeNaoko Hattori¹, Yoshimi Yasukawa¹, Yuyu Liu¹, Satoshi Yamashita², Toshikazu Ushijima¹ (¹Dep. of Epigenomics, Inst. for Advanced Life Sci., Hoshi Univ., ²Faculty of Engineering, Maebashi Inst. of Tech.)

がんエコシステムのエピジェネティック変化はがん細胞の性質を決定する

服部 奈緒子¹、安川 佳美¹、リュウ ユユ¹、山下 聰²、牛島 俊和¹ (¹星葉科大学・先端生命研・エピゲノム創薬、²前橋工科大学・情報生命工学群)**E-1014 Integrated Genome-wide HiChIP Analysis Identified Aberrant Enhancer Transcriptional Regulatory Network in Gastric Cancer**

Tianhui Zhu, Atsushi Okabe, Takayuki Hoshii, Ryoji Fujiki, Motoaki Seki, Meng Ning, Makoto Matsumoto, Rahmutulla Bahityar, Masaki Fukuyo, Atsushi Kaneda (Dept. of Mol. Onc., Grad. Sch. of Med., Chiba Univ.)

HiChIP を用いた胃癌エピゲノム統合解析による異常エンハンサー転写調節ネットワークの同定

朱 天慧、岡部 篤史、星居 孝之、藤木 亮次、関 元昭、寧 萌、松本 真、バハテヤリ ラヒムトラ、福世 真樹、金田 篤志 (千葉大学 医学部 分子腫瘍学)

E-1015 TIP60 is required for tumorigenesis in non-small cell lung cancerDaisuke Shibahara^{1,2}, Naoki Akanuma², Ihei Kobayashi², Eunyoung Heo³, Mariko Ando², Masanori Fujii², Feng Jiang⁴, Nicholas Prin², Gilbert Pan², Kwok Wong⁴, Daniel Costa⁴, Deepak Bararia⁵, Daniel Tenen^{5,6}, Hideo Watanabe³, Susumu Kobayashi^{2,5} (¹Department of Respiratory Medicine, Kyushu University, ²Beth Israel Deaconess Medical Center, ³Tisch Cancer Institute, Icahn School of Medicine at Mount Sinai, ⁴Perlmutter Cancer Center, NYU Langone Medical Center, ⁵Harvard Stem Cell Institute, Harvard Medical School, ⁶Cancer Science Institute of Singapore, National University of Singapore)

非小細胞肺癌におけるTIP60 の役割

柴原 大典^{1,2}、赤沼 直毅²、小林 いけい²、ヘオ ウンヤン²、安藤 まりこ²、藤井 昌学²、ジアング フェン³、プリンニコラス²、パン ギルバート²、ウォング クウォック⁴、コスター ダニエル²、バラリア ディーバック⁵、テネン ダニエル^{5,6}、渡邊 ひでお³、小林 進^{2,5} (¹九州大学大学院医学研究院呼吸器内科学分野、²ベイスイスラエルダコネスメディカルセンター、³マウントサイナイ医科大学、⁴ニューヨーク ランゴン メディカルセンター、⁵ハーバードメディカルスクール、⁶シンガポール国際大学)**E-1016 Selective HDAC8 inhibition potentiates tumor remission and durable benefit by PD-L1 blockade**

Wei-qin Yang, Yu Feng, Jingying Zhou, Alfred S. Cheng (Sch. of Biomed. Sci., CUHK)

E-1017 ASCL1 functions as a pioneer factor that induces subtype switching and characterizes adrenergic neuroblastomaLu Wang¹, Lu Wang¹, Tzeking Tan¹, Hyojoo Kim¹, Dennis Kappel^{1,2,3}, Shihao Tan¹, Thomas Look^{4,5}, Takaomi Sanda^{1,3,6} (¹Cancer Sci. Inst. of Singapore, ²Dept. of Biochem., Natl. Univ. of Singapore, ³NUS Ctr. for Cancer Res., Natl. Univ. of Singapore, ⁴Dept. of Pediatric Oncology, Harvard Medical Sch., ⁵Div. of Pediatric Hematology Oncology, Boston Childrens Hosp., ⁶Dept. of Med., Natl. Univ. of Singapore)**E-1018 Epigenetic reprogramming of SYTL3 restores an inflamed tumor microenvironment in gastric cancer**Michael W. Chan^{1,2,3}, Jie T. Low^{1,2,3} (¹Dept. of Biomed. Sci., Natl. Chung Cheng Univ., Taiwan, ²Epigenomics & Human Diseases Center, Natl. Chung Cheng Univ., Taiwan, ³CIRAS, Natl. Chung Cheng Univ., Taiwan)

Japanese Oral Sessions

Room 9 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30

J

J9-1

Dysregulation epigenome and chromatin structure in cancer (2)
がんにおけるエピゲノムとクロマチン構造の制御異常 (2)

Chairperson: Yasuhiro Yamada (Dept. Mol. Path., Grad. Sch. Med. The Univ. Tokyo)

座長: 山田 泰広 (東大・院・医・分子病理学)

J-1013 Developing novel chemical catalyst enabling cancer epigenome manipulationShigehiro Kawashima¹, Yuko Yamanashi¹, Atsushi Okabe², Satoshi Kaito³, Tomoya Kujirai⁴, Hitoshi Kurumizaka⁴, Atsushi Iwama³, Atsushi Kaneda², Kenzo Yamatsugu¹, Motomu Kanai¹ (¹Graduate School of Pharmaceutical Sciences, The University of Tokyo, ²Graduate School of Medicine, Chiba University, ³Institute for Quantitative Biosciences, The University of Tokyo, ⁴The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)

がんエピゲノム操作が可能な新規化学触媒の開発

川島 茂裕¹、山梨 祐輝¹、岡部 篤史²、海渡 智史³、鯨井 智也⁴、胡桃坂 仁志⁴、岩間 厚志³、金田 篤志²、山次 健三¹、金井 求¹ (¹東大院薬、²千葉大院医、³東大定量研、⁴東大医科研)**J-1014 Mutant NPM forms dimer to control chromatin structure and compartment by regulating TIP60 and CTCF in AML**

Issay Kitabayashi, Yukiko Aikawa, Kazutsune Yamagata (Division of Hematological Malignancy, National Cancer Center Research Institute)

変異型NPMは二量体を形成してTIP60とCTCFを制御しクロマチ

ン構造とコンパートメントを調節する

北林 一生、相川 祐規子、山形 和恒 (国立がん研究センター研究所造血器腫瘍)

J-1015 Enhancer infestation by EBV-host genomic interactions contributes to nasopharyngeal carcinoma developmentHarue Mizokami^{1,2}, Atsushi Okabe², Masato Mima^{2,3}, Masaki Fukuyo², Rahmutulla Bahityar², Motoaki Seki², Satoru Kondo¹, Hirotomo Dochi¹, Tomokazu Yoshizaki¹, Atsushi Kaneda² (¹Divi. Oto., Grad. Sch. Med., Kanazawa Univ., ²Dept. Mol. Oncol., Grad. Sch. Med., Chiba Univ., ³Dep. Oto., Hamamatsu Univ. Sch. of Med.)

EBV ゲノムとの相互作用が誘導する上咽頭癌のエンハンサー侵襲

溝上 晴恵^{1,2}、岡部 篤史²、美馬 勝人^{2,3}、福澤 真樹²、バハテヤリ ラヒムトラ²、閔 元昭²、近藤 悟¹、土地 宏朋¹、吉崎 智一¹、金田 篤志²(¹金沢大学医学部耳鼻咽喉科・頭頸部外科、²千葉大学医学部分子腫瘍学、³浜松医科大学医学部耳鼻咽喉科・頭頸部外科)**J-1016 Inflammatory stress activates the Hmga2 protein to remodel chromatin and expand hematopoietic stem cell**

Goro Sashida, Sho Kubota (IRCMS, Kumamoto Univ.)

ストレス造血におけるHMGA2 による造血幹細胞の制御機構

指田 吾郎、久保田 翔 (熊本大学・国際先端医学研究機構)

J-1017 ARID1A has opposite functions in the conventional and serrated pathways in colon tumorigenesis

Go Yamakawa, Akihisa Fukuda, Kosuke Iwane, Munenori Kawai, Mayuki Omatsu, Mio Namikawa, Makoto Sono, Tomonori Masuda, Osamu Araki, Munemasa Nagao, Takaaki Yoshikawa, Takahisa Maruno, Yuki Nakanishi, Yukiko Hiramatsu, Hiroshi Seno (Dept. Gastroenterology and Hepatology, Kyoto Univ. Grad. Sch. Med.)

大腸腫瘍発生におけるARID1A の二面性

山川 刚、福田 寛久、岩根 康祐、河相 宗矩、尾松 万悠紀、並川 美桜、蘭 誠、益田 朋典、荒木 理、長尾 宗政、吉川 貴章、丸野 貴久、中西 祐貴、平松 由紀子、妹尾 浩 (京都大学大学院医学研究科 消化器内科学)

J-1018 ML-based cancer related super-enhancer evaluation platform utilizing multi-omics information and public TF databasesNorio Shinkai^{1,2}, Syuzo Kaneko^{1,2}, Ken Asada^{1,2}, Ken Takasawa^{1,2}, Masaaki Komatsu^{1,2}, Hidenori Machino^{1,2}, Ryuji Hamamoto^{1,2,3} (¹Cancer Transl. Res. Team, RIKEN Ctr. for AIP project, ²Div. Medical AI Res. Dev., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³NCC Cancer Sci., Grad. Sch., Tokyo Med. Dent. Univ.)

マルチオミックス情報及び公共転写因子情報による機械学習を活用したがん関連スーパーインハンサー評価実施プラットフォーム

新海 典夫^{1,2}、金子 修三^{1,2}、浅田 健^{1,2}、高澤 建^{1,2}、小松 正明^{1,2}、町野 英徳^{1,2}、浜本 隆二^{1,2,3} (¹理研・革新知能統合研究セ・がん探索医療、²国立がん研究セ・研・医療AI研究開発、³東京医歯大・院・NCC 腫瘍医科学)

INFORMATION

DAY 1
AM | LS | PM | PostersDAY 2
AM | LS | PM | PostersDAY 3
AM | LS | PM | Posters

INDEX

Authors | Keywords | Chairpersons

English Oral Sessions

Room 10 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15

E

E24

Epidemiology (1)

疫学 (1)

Chairperson: Tomohiro Matsuda (National Cancer Center Institute for Cancer Control)

座長：松田 智大（国立がん研究センターがん対策研究所）

E-1019 Cancer prevalence projections in Japan and changes in cancer burden, 2020-2050: A statistical modeling study

Phuong T. Nguyen^{1,2}, Megumi Hori¹, Tomohiro Matsuda¹, Kota Katanoda¹ (¹Natl. Cancer Ctr. Inst. for Cancer Control, ²St. Luke's International Univ., Grad. Sch. of Public Health, ³Sch. Nurs. Univ. Shizuoka)

E-1020 Area-based socioeconomic inequalities in cancer survival using the National Cancer Registry

Yuri Ito¹, Keisuke Fukui², Kota Katanoda³, Tomotaka Sobue^{3,4} (¹Dept. Med Stat., Res. & Dev. Ctr, Osaka Med. Pharm. Univ., ²Societal Safety Sci., Kansai Univ., ³Inst. Cancer Control, Natl. Cancer Ctr., ⁴Environmental Med. Pop. Sci., Osaka Univ.)

全国がん登録を用いた地域の社会経済指標によるがん生存率の格差
伊藤 ゆり、福井 敬祐²、片野田 耕太³、祖父江 友孝^{3,4}（大阪医薬大・医学研究支援セ・医療統計室、²関西大・社会安全学部、³国立がん研究セ・がん対策研究所、⁴大阪大・環境医学）

E-1021 Global Trend Analysis of Incidence of Early-Onset Obesity-Related and Non-Obesity-Related Cancers

Miyu Terashima^{1,2}, Hwayoung Lee^{3,4}, Yuta Tsukumo⁵, Satoko Ugai⁵, Minkyo Song⁶, Naoko Sasamoto^{7,8}, Ichiro Kawachi², Ugai Tomotaka^{5,9,10} (¹Dept. of Epidemiology, Okayama Univ. Sch. of Med., ²Dept. of Social/Behavioral Sciences, Harvard Sch. of Public Health, ³Dept. of Global Health/Population, Harvard Sch. of Public Health, ⁴Grad. Sch. of Public Health/Healthcare Management, Catholic Univ. of Korea, ⁵Dept. of Epidemiology, Harvard Sch. of Public Health, Boston, ⁶Lab. of Epidemiology/Population Sciences, Natl. Inst. on Aging, NIH, ⁷Dept. of Obstetrics and Gynecology, Brigham & Women's Hosp., ⁸Dept. of Obstetrics and Gynecology/Reproductive Biology, Harvard Med. Sch., ⁹Dept. of Pathology, Brigham & Women's Hosp., ¹⁰Cancer Epidemiology Program, Dana-Farber/Harvard Cancer Ctr.)

若年発症がん罹患率のグローバル分析：肥満関連がんと非肥満関連がんに注目して

寺島 美優^{1,2}, Hwayoung Lee^{3,4}、九十九 悠太⁵、鶴飼 智子⁵、Minkyo Song⁶、佐々木 尚子^{7,8}、カワチ イチロー²、鶴飼 知嵩^{5,9,10}（岡山大学大学院 疫学・衛生学分野、²ハーバード公衆衛生大学院 社会行動学部、³ハーバード公衆衛生大学院国際保健学部、⁴韓国カトリック大学公衆衛生ヘルスケア学部、⁵ハーバード公衆衛生大学院 症状学部、⁶米国国立加齢研究所疫学部、⁷ブリガムアンドウィメンズ病院 産婦人科、⁸ハーバード医科大学産婦人科生殖学科、⁹ブリガムアンドウィメンズ病院病理科、¹⁰ダナファーバー・ハーバードがんセンター）

E-1022 Disparities in cancer screening uptake among Indian women aged 30-49 years

Shafiqur Rahman¹, Mahfuzur Rahman², Sarah Abe¹ (¹Natl. Cancer Ctr. Inst. for Cancer Control, Tokyo, Japan, ²St. Luke's International Univ., Tokyo, Japan)

E-1023 Obesity is associated with biliary tract cancer risk: a pooled analysis of 21 cohorts in the Asia Cohort Consortium

Isao Oze¹, Hidemi Ito^{2,3}, Yuriko Koyanagi², Sarah Abe⁴, Rahman Shafiqur^{4,5}, Eiko Saito⁶, Akiko Tamakoshi⁷, Norie Sawada⁸, Ritsu Sakata⁹, Ichiro Tsuji¹⁰, Chisato Nagata¹¹, Manami Inoue⁴, Keitaro Matsuo^{1,12} (¹Div Cancer Epidemiol. Prev., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ²Div. Cancer Information Control, Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ³Div. Descriptive Cancer Epidemiol. Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ⁴Div. Prev., Natl. Cancer Inst. Cancer Control, ⁵Res. Ctr. Child Mental Dev., Hamamatsu Univ. Sch. Med., ⁶Inst. Global Health Policy Res., Natl. Ctr. Global Health Med., ⁷Dep. Public Health, Hokkaido Univ. Faculty Med., ⁸Div. Cohort Res., Natl. Cancer Ctr. Inst. Cancer Control, ⁹Radiation Effects Res. Foundation, ¹⁰Tohoku Univ. Grad. Sch. Med., ¹¹Dep. Epidemiol. Preventive Med., Gifu Univ. Grad. Sch. Med., ¹²Dep. Cancer Epidemiol. Nagoya Univ. Grad. Sch. Med.)

肥満は胆道がん罹患と死亡リスクに関連する - アジアコホート連合21コホートのプール解析

尾瀬 功¹、伊藤 秀美^{2,3}、小柳 友理子²、阿部 サラ⁴、シャフィール ラーマン^{4,5}、齋藤 英子⁶、玉腰 晓子⁷、澤田 典絵⁸、坂田 律⁹、辻 一郎¹⁰、永田 知里¹¹、井上 真奈美⁴、松尾 恵太郎^{1,12}（¹愛知県がんセンター研究所 がん予防、²愛知県がんセンター研究所 がん情報、³名古屋大 がん記述疫学、⁴国立がん研究センター がん対策研究所、⁵浜松医大 こころの発達研究センター、⁶国立国際医療研究センタ

一、⁷北海道大 公衆衛生学、⁸国立がん研究センター がん対策研究所、⁹放射線影響研究所、¹⁰東北大 公衆衛生学、¹¹岐阜大 疫学・予防医学、¹²名古屋大 がん分析疫学）

E-1024 Cancer risk following surgical removal of tonsils and adenoids-a cohort study in Sweden

Jing F. Liang^{1,2,3}, Yi Huang^{1,2}, Li Yin³, Fatemeh Sadeghi^{4,5}, Yan P. Yang^{1,2}, Xue Xiao^{1,2}, Hans O. Adami^{3,5}, Wei M. Ye³, Zhe Zhang^{1,2}, Fang Fang⁴ (¹Dept. Otolaryngology-Head&Neck Surgery, GXMU, ²Key laboratory of High-Incidence-Tumor Prevention & Treatment, Ministry of Education, GXMU, ³Dept. of Medical Epidemiology and Biostatistics, Karolinska Institutet, ⁴Institute of Environmental Medicine, Karolinska Institutet, ⁵Institute of Health and Society, University of Oslo)

Japanese Oral Sessions

Room 10 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30

J

J24

Epidemiology (2)**疫学 (2)**

Chairperson: Taiki Yamaji (Div. Epidemiol., Natl. Can. Ctr. Inst. Can. Ctr.)
 座長: 山地 太樹 (国立がん研究セ・がん対策セ・疫学研究部)

J-1019 Development of a geographical information system for cancer incidence data in Japan

Kota Katanoda¹, Megumi Hori², Hirokazu Tanaka¹ (¹Nat. Canc. Ctr. Inst. Canc. Contr., ²Sch. Nursing, Univ. of Shizuoka)

がん罹患データの地理情報システムの開発

片野田 耕太¹, 堀 芽久美², 田中 宏和¹ (¹国立がん研究セ がん対策研究所、²静岡県立大学看護学部)

J-1020 Relationship between airborne pollen levels and incidence of cancers of thyroid, esophagus, kidney and skin in 1975-2015

Akira Awaya¹, Yoshiyuki Kuroiwa² (¹Dermatology & Epidemiology Research Institute(DERI), ²Hospital Mizonokuchi, Teikyo University School of Medicine)

1975-2015 年の甲状腺・食道・腎臓・皮膚等癌の罹患数と花粉飛散数との相関性。大量花粉飛散の 2023 年の新規癌罹患数は増大途上か

栗屋 昭¹、黒岩 義之² (¹皮膚科学疫学研究所、²帝京大学医学部附属溝口病院)

J-1021 Changes in survival of patients with non-small cell lung cancer in Japan: an interrupted time series study

Yukari Taniyama¹, Isao Oze², Yuriko Koyanagi², Yukino Kawakatsu¹, Yuri Ito³, Tomohiro Matsuda⁴, Keitaro Matsuo^{2,5}, Tetsuya Mitsudomi⁶, Hidemi Ito^{1,7} (¹Div. of Cancer Information & Control, Aichi Cancer Ctr., ²Div. of Cancer Epidemiology & Prevention, Aichi Cancer Ctr., ³Dept. of Med. Stat., Osaka Med. & Pharm. Univ., ⁴National Cancer Ctr., Inst. for Cancer Control, ⁵Div. of Cancer Epidemiology, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ⁶Div. of Thoracic Surg. Kindai Univ. Faculty of Med., ⁷Div. of Descriptive Cancer Epidemiology, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med.)

日本における非小細胞肺がん患者の生存率の変化: 分割時系列研究

谷山 祐香里¹、尾瀬 功²、小柳 友理子²、川勝 雪乃¹、伊藤 ゆり³、松田 智大⁴、松尾 恵太郎^{2,5}、光富 徹哉⁶、伊藤 秀美^{1,7} (¹愛知県がんセンターがん情報・対策研究分野、²愛知県がんセンターがん予防研究分野、³大阪医科薬科大学医療統計室、⁴国立がん研究センターがん対策研究所、⁵名古屋大学大学院医学系研究科がん分析疫学、⁶近畿大学医学部呼吸器外科学、⁷名古屋大学大学院医学系研究科がん記述疫学)

J-1022 Serum soluble Fas levels and incidence of liver cancer

Yasushi Adachi^{1,2}, Masahiro Nojima³, Mitsuru Morit⁴, Toshiyuki Kubo^{1,2}, Noriyuki Akutsu¹, Yasushi Sasaki⁵, Hiroshi Nakase¹, Takao Endo², Yingsong Lin⁶, Kenji Wakai⁷, Akiko Tamakoshi⁸ (¹Dept. of Gastroenterol., Sapporo Med. Univ., Sch. Med., ²Div. Gastroenterol., Sapporo Shirakaba-dai Hosp., ³Inst. Med. Sci., Univ. of Tokyo, ⁴okkaido Chitose Coll. of Rehabilitation, ⁵Div. Biology, Sapporo Med. Univ., ⁶Aichi Med. Univ., Dept. Public Health, ⁷Dept. Preventive Med., Nagoya Univ. Sch. Med., ⁸Dept. Public Helth, Hokkaido Univ. Sch. Med.)

血清可溶性 Fas 値と肝臓癌罹患リスク

足立 靖^{1,2}、野島 正寛³、森 満⁴、久保 俊之^{1,2}、阿久津 典之¹、佐々木 泰史⁵、仲瀬 裕志¹、遠藤 高夫²、林 櫻松⁶、若井 建志⁷、玉腰 晓子⁸ (¹札幌医大・医・消化器内科、²札幌しらかば台病院・消化器科、³東京大学・医科学研究所、⁴北海道千歳リハビリテーション大学、⁵札幌医大・医療人育成センター・生物学、⁶愛知医大・医・公衆衛生、⁷名古屋大・医・予防医学、⁸北海道大・医・公衆衛生)

J-1023 Association between sugar intake and colorectal cancer risk in middle-aged adults: a prospective cohort study

Kanehara Rieko¹, Ryoko Katagiri^{1,2}, Atsushi Goto^{1,3}, Taiki Yamaji¹, Norie Sawada¹, Motoaki Iwasaki¹, Manami Inoue¹, Shoichiro Tsugane^{1,4} (¹National Cancer Center Institute for Cancer Control, ²National Institute of Health and Nutrition, ³Graduate School of Data Science, Yokohama City University, ⁴International University of Health and Welfare Graduate School)

前向きコホート研究における糖質摂取量と大腸がん罹患リスクの関連
 金原 里恵子¹、片桐 諒子^{1,2}、後藤 温^{1,3}、山地 太樹¹、澤田 典絵¹、岩崎 基¹、井上 真奈美¹、津金 昌一郎^{1,4} (¹国立がん研究センターがん対策研究所、²国立健康・栄養研究所、³横浜市立大学 データサイエンス研究科、⁴国際医療福祉大学大学院)

J-1024 Internet survey on HPV vaccination for men

Asami Yagi¹, Yutaka Ueda¹, Tadashi Kimura¹, Atsuko Kitano², Chikako Shimizu¹, Masato Yoshihara⁴, Yusuke Shimizu⁴, Seido Taka³, Miyuki Harada⁶, Tatsuro Furui⁷, Kenichirou Morishige⁸, Hirosaki Kajiyama⁴, Nao Suzuki⁵ (¹Grad. Sch. of Med., Osaka Univ., ²Department of Medical Oncology, St Luke's International Hosp., ³Ctr. for Reproductive Med. Osaka General Med. Ctr., ⁴Grad. Sch. of Med., Nagoya Univ., ⁵St. Marianna Univ. Sch. of Med., ⁶Grad. Sch. of Med., Tokyo Univ., ⁷Grad. Sch. of Med., Gifu Univ., ⁸Ctr. for Reproductive Med. Osaka General Med. Ctr.)

HPV ワクチン男子接種に関するインターネット調査

八木 麻未¹、上田 豊¹、木村 正¹、北野 敦子²、清水 千佳子³、吉原 雅人⁴、清水 裕介⁴、高江 正道⁵、原田 美由紀⁶、古井 辰郎⁷、森重 健一郎⁸、梶山 広明⁴、鈴木 直⁵ (¹大阪大 医学部 産婦人科、²聖路加国際病院 腫瘍内科、³大阪急性期・総合医療センター、⁴名古屋大 医学部付属病院 産婦人科学、⁵聖マリアンナ医科大学 産婦人科学、⁶東京大 医学部 産婦人科、⁷岐阜大 医学部 産婦人科、⁸大阪急性期・総合医療センター)

English Oral Sessions

Room 11 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15 E

E17-1 Development of new strategies for cancer therapy 新しいがん治療戦略の開発

Chairperson: Shingo Dan (Div. Mol. Pharmacol., Cancer Chemother. Ctr. of JFCR)

座長：旦 慎吾（がん研究会がん化学療法センター分子薬理部）

E-1025 Use of patient-derived organoids to develop a therapeutic strategy targeting oncogene amplification

Atsushi Takatori¹, Hiroyuki Yoda¹, Yoshiaki Maru², Yoshitaka Hippo² (¹Div. Innov. Cancer Therap., Chiba Cancer Ctr. Res. Inst., ²Div. Mol. Carcinog., Chiba Cancer Ctr. Res. Inst.)

患者由来オルガノイドを用いた増幅がん遺伝子標的治療法の開発
高取 敦¹、養田 裕行¹、丸 喜明²、筆宝 義隆²（¹千葉がんセ 研
がん先進、²千葉がんセ 研 発がん制御）

E-1026 Combination Therapy of Lurbinectedin and AZD6738 for Effective Elimination of ALT Cancer Cells

Liv W. Chen¹, Chenchia Lo¹, Tingchia Chang¹, Weiwu Chen², Jean M. Egly³, Hsuehping C. Chu¹ (¹Inst. of Mol. & Cell. Biol., Natl. Taiwan Univ., Taipei, Taiwan, ²Dept. of Oncology, Natl. Taiwan Univ. Hosp., Taipei, Taiwan, ³Dept. of Functional Genomics & Cancer, IGBMC, Strasbourg, France)

E-1027 Involvement of ALDH1A3 in gastric cancer growth and potentiation of efficacy of chemotherapy by an ALDH1A3 inhibitor

Tetsuo Mashima¹, Jin Lee^{1,2}, Ayane Nakamura^{1,3}, Naomi Kawata^{1,5}, Koshi Kumagai⁴, Kensei Yamaguchi⁵, Hiroyuki Seimiya^{1,2,3} (¹Div Mol Biother, Cancer Chemother Ctr, JFCR, ²Dept Comp Biol Med Sci, Grad Frontier Sci, Univ Tokyo, ³Grad Life Pharm Sci, Meiji Pharm Univ, ⁴Dept Gastroenterol Surg, Cancer Inst Hosp, JFCR, ⁵Dept Gastroenterol Chemother, Cancer Inst Hosp, JFCR)

アルデヒド脱水素酵素 ALDH1A3 の胃がん腫瘍増殖への寄与と小分子阻害剤による制がん剤の効果増強

馬島 哲夫¹、李 珍^{1,2}、中村 彩音^{1,3}、川田 直美^{1,5}、熊谷 厚志⁴、山口 研成⁵、清宮 啓之^{1,2,3}（¹がん研 化療セ 分子生物治療、²東京大院 新領域 メディカル情報生命、³明治薬科大院 生命創薬科学、⁴がん研 有明病院 消化器外科、⁵がん研 有明病院 消化器化学療法科）

E-1028 Combination of phosphatase nanozyme of Cys nanodots with PARP inhibitor for overcoming drug resistance

Yingqiu Xie (Department of Biology, School of Sciences and Humanities, Nazarbayev University)

E-1029 Cucurbitacin-I, a natural triterpenoid, the apoptotic cell death pathway inducer of human ovarian cancer cell.

Jiwon Park, Jinkyung Kim (Dept. of Biomed., SCI)

E-1030 Anti-tumor activity of SC-042, a highly potent synthetic analogue of intervenolin, targeting tumor microenvironment

Manabu Kawada¹, Junjiro Yoshida¹, Tomokazu Ohishi^{1,2}, Masahide Amemiya¹ (¹Institute of Microbial Chemistry, Lab. Oncology, ²Institute of Microbial Chemistry, Numazu)

がん微小環境に作用する新規化合物インターベノリンの高活性誘導体の抗がん効果

川田 学¹、吉田 潤次郎¹、大石 智一^{1,2}、雨宮 昌秀¹（¹微化研 第1生物、²微化研 沼津支所）

English Oral Sessions

Room 11 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30 E

E17-2 Mechanisms of and Therapeutic strategies to the anti-cancer drugs and immunotherapy resistance がん化学療法とがん免疫療法に対する獲得耐性機構とその克服法

Chairperson: Satoshi Watanabe (Respiratory Medicine and Infectious Diseases, Niigata Univ. Medical and Dental Hosp.)

座長：渡部 聰（新潟大学・医・呼吸器・感染症内科）

E-1031 Pemetrexed-induced ferroptosis in A549 human lung cancer cells and a protective role of p21

Mamoru Harada, Yuichi Iida, Mahbubul Hoque, Hitoshi Kotani (Dept. Immunol., Shimane Univ. Facult. Med.)
原田 守、飯田 雄一、ホック マーブル、小谷 仁司（島根大学 医学部 免疫学）

E-1032 Overcoming platinum resistance of ovarian cancer regulating the activated JAK/STAT pathways via extracellular vesicles

Kazuhiro Suzuki¹, Akira Yokoi¹, Kousuke Yoshida¹, Eri Inami², Masami Kitagawa², Yusuke Yamamoto³, Miho Kitai⁴, Sayaka Ueno⁵, Tamotsu Sudo⁵, Hiroaki Kajiyama¹ (¹Dept. Obst. & Gynecol., Nagoya Univ. Grad. Sch. of Med., ²Bell Research Ctr., Nagoya Univ., ³Lab. Integra. Oncol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ⁴Dept. Gynecol., Hyogo cancer Ctr., ⁵Lab. Trans. Res., Hyogo cancer Ctr.)

プラチナ抵抗性卵巣癌克服に向けた細胞外小胞関連 JAK/STAT 経路解析

鈴木 一弘¹、横井 晓¹、吉田 康将¹、稻見 恵理²、北川 雅美²、山本 雄介³、北井 美穂⁴、植野 さやか⁵、須藤 保⁵、梶山 広明¹（¹名古屋大医学部 産婦人科、²名古屋大・ベルリサーチセンター、³国立がん研究セ・研・病態情報学、⁴兵庫がんセ・婦人科、⁵兵庫がんセ・研）

E-1033 Chemo-Immunotherapy of Nanomedicine and ICI for Reprogramming Tumor Microenvironment to Overcome ICI-Resistance

Hiroaki Kinoh¹, Sabina Quader¹, Horacio Cabral^{1,2}, Moeck Tamura¹, Yuki Tada¹, Lin Zhou¹, Xueying Liu¹, Dung Doan¹, Kazunori Kataoka¹ (¹Innovation center of NanoMedicine, ²Tokyo Univ. Bioengin.)

ナノメディシンとICIの化学免疫療法は、腫瘍微小環境のリプログラミングでICI抵抗性を克服する

喜納 宏昭¹、クワドラ サビーナ¹、カブルラ オラシオ^{1,2}、田村 萌歌¹、多田 裕樹¹、ゾウ リン¹、劉 学螢¹、ドーン ダンブ¹、片岡 一則¹（¹ナノ医療イノベーションセンター、²東大 工学 バイオエンジン）

E-1034 Drug delivery improvement of CAFs targeted photoimmunotherapy

Seitaro Nishimura¹, Kazuhiro Noma¹, Tatsuya Takahashi¹, Yasuhige Takeda¹, Hijiri Matsumoto¹, Tomoyoshi Kunitomo¹, Kento Kawasaki¹, Masaaki Akai¹, Teruki Kobayashi¹, Hajime Kashima¹, Takuya Kato¹, Satoru Kikuchi¹, Toshiaki Ohara², Hiroshi Tazawa³, Toshiyoshi Fujiwara¹ (¹Department of Gastroenterological Surgery, Okayama University, ²Department of Pathology & Experimental Medicine, Okayama University, ³Center for Innovative Clinical Medicine, Hospital, Okayama University)

CAFsを標的にした光免疫療法によるドラッグデリバリー改善効果

西村 星多郎¹、野間 和広¹、高橋 達也¹、竹田 泰茂¹、松本 聖¹、國友 知義¹、河崎 健人¹、赤井 正明¹、小林 照貴¹、賀島 肇¹、加藤 卓也¹、菊地 寛次¹、大原 利章²、田澤 大³、藤原 俊義¹（¹岡山大学 消化器外科学、²岡山大学 免疫学教室、³岡山大学病院 新医療研究開発センター）

E-1035 Accumulation of extracellular matrix mediates intracellular adhesion and treatment resistance in pancreatic cancer

Shuichi Aoki, Minoru Kobayashi, Daisuke Douchi, Taiki Kajiwara, Shimpei Maeda, Akihiro Yamamura, Hideaki Karasawa, Masamichi Mizuma, Hideo Ohtsuka, Shinobu Ohnuma, Michiaki Unno (Tohoku University Graduate School of Medicine)

細胞外マトリックスの蓄積と細胞間接着の増強が膵癌における治療抵抗性を生み出す

青木 修一、小林 実、堂地 大輔、梶原 大輝、前田 晋平、山村 明寛、唐澤 秀明、水間 正道、大塚 英郎、大沼 忍、海野 優明（東北大大学院 消化器外科学分野）

English Oral Sessions

Room 12 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15

E2

Experimental animal models

がんモデル動物

Chairperson: Yoshitaka Hippo (Chiba Cancer Ctr. Res. Inst.)

座長: 筆宝 義隆 (千葉がんセ・研)

E-1036 Combining SMAC mimetic LCL161 with GEM + CIS therapy inhibits and prevents emergence of multidrug resistance in CCA

Sunisa Prasopponr^{1,2}, Orawan Supramote^{2,3}, Ben Ponvilawan², Chanette Jamyuang², Jantappapa Chanthercrob¹, Amphun Chaiboonchoe¹, Pimkanya Morekrong¹, Kamonchanok Kongsr¹, Monthira Suntiparpluacha¹, Rawisak Chanwat⁴, Krittiya Korphaisarn⁵, Seiji Okada⁶, Somponnat Sampattavanich^{1,2}, Siwanon Jirawatnotai^{1,2}
 (¹SiCORE, Faculty of Med. Siriraj Hosp., Mahidol Univ., ²Dept. of Pharmacology, Faculty of Med. Siriraj Hosp. Mahidol Univ., ³Princess Srisavangavadhana College of Med., Chulabhorn Royal Academy, ⁴Hepato-Pancreato-Biliary Surg. Unit, Dept. of Surg. Oncology, Natl. Cancer Inst., ⁵Dept. of Med., Faculty of Med. Siriraj Hosp. Mahidol Univ., ⁶Joint Res. Ctr. for Human Retrovirus Infection, Kumamoto Univ.)

E-1037 Investigating the role of ASCL1 in neuroblastoma tumorigenesis using zebrafish model

Hyoju Kim¹, Stella Amanda¹, Tzeking Tan¹, Madelaine Skolastika¹, Lu Wang¹, Takaomi Sanda^{1,2} (¹Cancer Science Institute of Singapore, National University of Singapore, Singapore, ²Department of Hematology and Oncology, Nagoya City University)

E-1038 IQGAP3 regulates stomach tissue repair and pre-cancerous metaplasia development

Junichi Matsuo¹, Daisuke Douchi^{1,2}, Mitsuhiro Shimura^{1,2}, Linda Chuang¹, Yoshiaki Ito¹ (¹Cancer Sci. Inst. of Singapore, Natl. Univ. of Singapore, ²Dept. of Surg., Tohoku Univ. Graduate Sch. of Med.)

E-1039 Integrative gut microbiome analysis of human and mouse prostate cancer

Chisato Wakamori¹, Marco A. Develasco¹, Yurie Kura¹, Kazutoshi Fujita¹, Kazuko Sakai¹, Makoto Matsushita², Yasunori Mori¹, Masahiro Nozawa¹, Mituhisa Nishimoto¹, Kazuhiro Yoshimura¹, Norio Nonomura², Kazuto Nishio¹, Hirotsugu Uemura¹ (¹Kindai Univ. Faculty of Med., ²Osaka University Graduate School of Medicine)

ヒトおよびマウスの前立腺癌腸内細菌叢の包括的解析について
 若森 千怜¹、デベラスコ マルコ¹、倉由吏恵¹、藤田 和利¹、坂井 和子¹、松下 慎²、森 康範¹、野澤 昌弘¹、西本 光寿¹、吉村 一宏¹、野々村 祐夫²、西尾 和人¹、植村 天受¹ (¹近畿大学医学部、²大阪大学医学部大学院医学研究科)

E-1040 Development of a mouse model for Epstein-Barr virus gastric cancer

Junya Arai^{1,2}, Yoko Hayakawa², Hiroaki Fujiwara¹, Mitsuhiro Fujishiro²

(¹The Institute of Medical Science, Asahi Life Foundation, ²Graduate School of Medicine, the University of Tokyo)

EB ウィルス関連胃癌モデルマウスの作成

新井 純也^{1,2}、早河 翼²、藤原 弘明¹、藤城 光弘² (¹朝日生命成人病研究所、²東大病院消化器内科)

E-1041 PBRM1/VIMENTIN axis is a critical determinant for tumor grade and metastasis in Pancreatic cancer

Munenori Kawai, Akihisa Fukuda, Yuki Nakanishi, Yukiko Hiramatsu, Makoto Sono, Tomonori Masuda, Mayuki Omatsu, Mio Namikawa, Go Yamakawa, Kosuke Iwane, Kenta Mizukoshi, Kei Iimori, Shinnosuke Nakayama, Naoki Aoyama, Takahisa Maruno, Hiroshi Seno (Dept. of Gastroenterology and Hepatology Kyoto Univ.)

エピジェネティクス調節因子 Pbrm1 は Vimentin の発現制御を介して腫瘍の分化度、転移能を制御する

河相 宗矩、福田 晃久、中西 祐貴、平松 由紀子、園 誠、益田 朋典、尾松 万悠紀、並川 実桜、山川 刚、岩根 康祐、水越 健太、飯森 啓、中山 真之介、青山 直樹、丸野 貴久、妹尾 浩 (京都大学医学部附属病院 消化器内科)

E-1042 Wnt ligand-associated malignant progression of gastric cancer in organoid model

Hiroko Oshima¹, Yuichiro Furutani³, Mizuho Nakayama¹, Noriyuki Inaki³, Masanobu Oshima^{1,2} (¹Div. Genetics, Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ., ²WPI-Nano LSI, Kanazawa Univ., ³Dept. Gastrointestinal Surg., Kanazawa Univ.)

マウス胃がんオルガノイドによる Wnt リガンド依存的な悪性化機構の検討

大島 浩子¹、古谷 裕一郎³、中山 瑞穂¹、稻木 紀幸³、大島 正伸^{1,2} (¹金沢大・がん研・腫瘍遺伝学、²金沢大・ナノ研、³金沢大・医・消化器外科)

Japanese Oral Sessions

Room 12 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30 J

J2-1 Genetically-engineered animals 遺伝子改变動物

Chairperson: Miwa Tanaka (The Cancer Inst., JFCR)
座長: 田中 美和 (がん研究会 がん研)

J-1025 Deletion of Pak1 enhances anti-tumor immunity by the activation of dendritic cells

Kazuhiro Okumura¹, Takao Morinaga², Sora Tanaka¹, Keisuke Otoyama¹, Yurika Tokunaga¹, Megumi Saito¹, Kimi Araki¹, Yuichi Wakabayashi¹ (¹Div. of Exp. Anim. Res., Chiba Cancer Center Res. Inst., ²Div. of Cell Therapy, Chiba Cancer Center Res. Inst., ³Div. of Dev. Genetics., Dev. and Analysis, Univ. Kumamoto)

Pak1 欠損は樹状細胞の活性化によって抗腫瘍免疫を増強する
奥村 和弘¹、盛永 敬郎²、田中 青空¹、音山 敬祐¹、徳永 夕莉香¹、齋藤 慈¹、荒木 喜美³、若林 雄一¹ (¹千葉県がんせ 研 実験動物、²千葉県がんせ 研 細胞治療、³熊本大学 生命資源 疾患モデル)

J-1026 Hypoxia response pathway controls metabolic shift and tumor development in Xp11.2 translocation renal cell carcinoma

Shintaro Funasaki¹, Wenjuan Ma², Takanobu Motoshima³, Yorifumi Satou⁴, Yuichi Oike⁵, Hisashi Hasumi⁶, Toshio Suda⁷, Tomomi Kamba⁸, Masaya Baba¹ (¹IRCMS, Cancer Metab. Lab., Kumamoto Univ., ²IRCMS, Stem Cell Reg. Lab., Kumamoto Univ., ³Dept. of Urology, Grad. School of Med. Sci., Kumamoto Univ., ⁴Dept. Genomics and Transcriptomics, Human Retrovirus Infection Ctr., ⁵Dept. Mol. Genetics, Grad. School Med. Sci., Kumamoto Univ., ⁶Dept. of Urology, Grad. School of Med., Yokohama City Univ.)

Xp11.2 転座腎細胞癌における低酸素応答経路活性化による発癌メカニズムの解明

舟崎 憲太郎¹、馬 文娟²、元島 崇信³、佐藤 賢文⁴、尾池 雄一⁵、蓮見壽史⁶、須田 年生⁷、神波 大己⁸、馬場 理也¹ (¹熊本大・国際先端医学・がん代謝学、²熊本大・国際先端医学・幹細胞調節、³熊本大・院生命科学研究部・泌尿器科学、⁴熊本大・ヒトレトロウイルス学、⁵熊本大・院生命科学研究部・分子遺伝、⁶横浜市大・医学部・泌尿器科学)

J-1027 Knockdown of FABP4 limit the HFD-associated PCa progression in TRAMP mice

Mingguo Huang, Shintaro Narita, Mizuki Kobayashi, Ryuhei Yamamoto, Kenpei Nara, Kazuyuki Numakura, Mitsuru Saito, Tomonori Habuchi (Akita Univ. Grad. Sch. of Med.)

高脂肪食摂取による前立腺癌進展におけるFABP4 の役割

黄 明国、成田 伸太郎、小林 瑞貴、山本 竜平、奈良 健平、沼倉 一幸、斎藤 満、羽渕 友則 (秋田大学医学系研究科)

J-1028 An animal model of pancreatic ductal adenocarcinoma originated from endocrine cells expressing Ppy gene

Yoshio Fujitani, Ofejiro Pereye (Institute for Molecular and Cellular regulation, Gunma University)

内分泌細胞である胰 PP 細胞から膵腺癌を発症する新たな発癌モデルマウスの開発とその意義

藤谷 与士夫、ピーリアイ オフェジロー (群馬大学 生体調節研究所)

J-1029 Generation and analysis of NRF2-activated esophageal squamous cell carcinoma mouse model

Jun Takahashi^{1,2}, Tatsuki Muta¹, Miu Satoh¹, Nahoko Yaguchi¹, Takafumi Suzuki¹, Shinobu Ohnuma², Takanori Ishida², Michiaki Unno², Takashi Kamei², Masayuki Yamamoto¹ (¹Biochemistry & Molecular Biology, Tohoku Medical Megabank Organization, ²Department of Surgery, Tohoku Univ.)

NRF2 活性化型食道扁平上皮癌マウスモデルの確立とその解析

高橋 浩^{1,2}、牟田 達紀¹、佐藤 美羽¹、矢口 菜穂子¹、鈴木 隆史¹、大沼 忍²、石田 孝宣²、海野 倫明²、亀井 尚²、山本 雅之¹ (¹東北メディカル・メガバンク 分子医化学、²東北大学病院 総合外科)

J-1030 Effect of high-fat diet intake on colon tumor development in mice.

Yukari Muranaka^{1,2}, Naoko Iida¹, Yuichi Shiraishi¹, Haruna Takeda¹ (¹Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Kitasato Univ.)

高脂肪食摂取による大腸腫瘍形成への影響

村中 柚花理^{1,2}、飯田 直子¹、白石 友一¹、武田 はるな¹ (¹国立がん研究センター研究所、²北里大学)

English Oral Sessions

Room 13 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15 E

E14-1 Gastric cancer, oophageal cancer (1) 胃がん・食道がん (1)

Chairperson: Hideaki Bando (Department of Gastroenterology and Gastrointestinal Oncology)

座長: 坂東 英明 (国立がん研究センター東病院 消化管内科)

E-1043 TP53 mutation spectrum of Rwandan gastric cancer differ from the one of Japan, China and Eastern Europe

Augustin Nzitakera¹, Felix Manirakiza¹, Rei Ishikawa¹, Hiroko Natsume¹, Yuji Iwashita¹, Hidetaka Yamada¹, Haruhiko Sugimura², Kazuya Shinmura¹ (¹Hamamatsu Univ Sch Med, Dept Tumor Pathol, ²Sasaki Institute Sasaki Foundation)

ルワンダの胃がんにおけるTP53 変異スペクトルは日本、中国、東欧のものと異なる

シジタケーラ オギシテ¹、マニラキザ フェリックス¹、石川 励¹、夏目 宏子¹、岩下 雄二¹、山田 英孝¹、樋村 春彦²、新村 和也¹ (¹浜松医大 医学部 腫瘍病理、²佐々木研究所)

E-1044 Overexpression of PADI2 and histone citrullination change in gastric cancer

Yoshimitsu Akiyama, Shu Shimada, Shinji Tanaka (Dept. Mol. Oncol., Tokyo Med. & Dentl. Univ.)

胃癌におけるPADI2 高発現とヒストンシトルリン化異常

秋山 好光、島田 周、田中 真二 (東京医科歯科大・分子腫瘍医学)

E-1045 MMP9 and IL-8 are induced in ESCC cells by interaction with macrophages and thereby promoting cancer cell invasion.

Shuichi Tsukamoto¹, Masaki Omori^{1,2}, Rikuya Torigoe^{1,3}, Hiroki Yokoo^{1,3}, Takashi Nakanishi^{1,3}, Keitaro Yamanaka^{1,4}, Nobuaki Ishihara^{1,2}, Yuki Azumi^{1,3}, Shoji Miyako^{1,3}, Satoshi Urakami^{1,5}, Takayuki Kodama¹, Mari Nishio¹, Manabu Shigeoka¹, Yuichiro Koma¹, Hiroshi Yokozaki¹ (¹Div. Pathol., Dept. Pathol., Kobe Univ., Grad. Sch. Med., ²Div. Hepato-Biliary-Pancreatic Surg., Dept. Surg., Kobe Univ., Grad. Sch. Med., ³Div. Gastro-intestinal Surg., Dept. Surg., Kobe Univ., Grad. Sch. Med., ⁴Div. Obstet. Gynecol., Kobe Univ., Grad. Sch. Med., ⁵Div. Gastroenterol., Dept. Intern., Kobe Univ., Grad. Sch. Med.)

マクロファージとの相互作用で食道扁平上皮癌細胞に発現誘導される MMP9 と IL-8 は、協調して癌細胞の浸潤を亢進させる

塙本 修一、大森 将貴^{1,2}、鳥越 陸矢^{1,3}、横尾 拓樹^{1,3}、中西 崇^{1,3}、山 中 啓太郎^{1,4}、石原 伸朗^{1,2}、安積 佑樹^{1,3}、都 鍾智^{1,3}、浦上 聰^{1,5}、児玉 貴之¹、西尾 真理¹、重岡 学¹、泊 雄一郎¹、横崎 宏¹ (¹神戸大・院 医・病理学、²神戸大・院 医・肝胆脾外科学、³神戸大・院 医・食道胃腸外科学、⁴神戸大・院 医・産科婦人科学、⁵神戸大・院 医・消化器内科学)

E-1046 Increase of peritoneal CTLA4+ myeloid cells as a determinant of anti-PD1 resistance in gastrointestinal cancer

Hiroshi Imazeki^{1,2,3}, Hiroki Ozawa^{1,4}, Hidekazu Hirano², Yamato Ogiwara¹, Hirokazu Shoji², Narikazu Boku^{2,5}, Chie Kudo¹ (¹Dept. of Immune Med., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dept. of Gastrointestinal Med. Oncol., Natl. Cancer Ctr. Hosp., ³Clin. Trial Promotion Dept., Chiba Cancer Ctr., ⁴Dept. of Surg., Keio Univ. Sch. of Med., ⁵Dept. of Med. Oncol. and General Med., IMSUT)

消化管がんにおけるPD1 治療抵抗性に関わる腹腔内 CTLA4 発現ミエロイド細胞の増加の意義

今関 洋^{1,2,3}、小澤 広輝^{1,4}、平野 秀和²、荻原 大和¹、庄司 広和²、朴 成和^{2,5}、工藤 千惠¹ (¹国立がん研究センター研究所 免疫創薬部門、²国立がん研究センター中央病院 消化管内科、³千葉県がんセンター 治療臨床試験推進部、⁴慶應義塾大学 医学院 外科学教室、⁵東大医科学研究所附属病院 腫瘍・総合内科)

E-1047 The promising option of At211-labeled anti-FGFR4 antibody on the dissemination of gastric cancer in immunocompetent mice

Komei Kuge^{1,2}, Hiroki Masuda^{1,2}, Wanying Du¹, Tomohiko Yasuda^{1,3}, Akira Sugiyama⁴, Hiromitsu Haba⁵, Toshifumi Tatsumi⁶, Nobuyoshi Akimitsu⁴, Yoshitaka Kumakura⁷, Hiroshi Yoshida², Yasuyuki Seto¹, Youichiro Wada⁴, Sachiyo Nomura¹ (¹Dept. of Gastrointestinal Surg., Grad. Sch. of Med., Tokyo Univ., ²Dept. of Gastrointestinal & Hepato-Biliary-Pancreatic Surg., Nippon Med. Sch., ³Dept. of Gastrointestinal Surg., Nippon Med. Sch., Chiba Dokusho Hospital, ⁴Isotope Sci. Center, The Univ. of Tokyo, ⁵Nishina Center for Accelerator-based Sci., RIKEN, ⁶Grad. Sch. of Pharm. Sci., The Univ. of Tokyo, ⁷Dept. of Diagnostic Radiology & Nuclear Med., Saitama Med. Univ.)

胃癌腹膜播種モデルマウスを用いた 211At 標識抗 FGFR4 抗体による放射線免疫療法の有効性

久下 恒明^{1,2}、増田 寛喜^{1,2}、杜 婉瑩¹、保田 智彦^{1,3}、杉山 晃⁴、羽場 宏光⁵、巽 俊文⁶、秋光 信佳⁴、熊倉 嘉貴⁷、吉田 寛²、瀬戸 泰之¹、和田 洋一郎⁴、野村 幸世¹ (¹東京大学大学院医学系研究科 消化管外科学、²日本医科大学 消化器外科、³日本医科大学 千葉北総病院、⁴東

Japanese Oral Sessions

Room 13 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30

J14-1 Gastric cancer, esophageal cancer (2)
胃がん・食道がん (2)Chairperson: YASUTOSHI KUBOKI (National Cancer Center Hospital East
Department of Experimental Therapeutics)

座長: 久保木 恭利 (国立がん研究センター東病院)

J-1031 Development of Non-invasive exosomal miRNA for the identification of peritoneal dissemination in gastric cancer

Yuma Wada, Masaaki Nishi, Kozo Yoshikawa, Chie Takasu, Takuya Tokunaga, Toshihiro Nakao, Hideya Kashihara, Toshiaki Yoshimoto, Mitsuo Shimada (Department of Surgery, Tokushima University)

胃癌腹膜播種特異的なエクソソーム中 miRNA の同定

和田 佑馬、西 正暁、吉川 幸造、高須 千絵、徳永 卓哉、中尾 寿宏、柏原 秀也、良元 俊昭、島田 光生 (徳島大学 消化器移植外科)

J-1032 Rab27b, a regulator of exosome secretion, is associated with peritoneal metastases in gastric cancer

Takaaki Masuda, Sho Nambara, Qingjiang Hu, Yuki Ozato, Kosuke Hirose, Yoshiaki Hiraki, Yuichi Hisamatsu, Koshi Mimori (Dept Surg Kyushu Univ Beppu hospital)

エキソソーム分泌制御因子 Rab27b と胃がん腹膜播種との関連

増田 隆明、南原 翔、胡 慶江、大里 祐樹、廣瀬 皓介、平木 嘉樹、久松 雄一、三森 功士 (九州大学 別府病院 外科)

J-1033 Postoperative thrombocytosis contributes to recurrence and poor outcomes through miR-223 secretion in gastric cancer

Keiji Nishibeppu, Shuhei Komatsu, Takuma Ohashi, Taisuke Imamura, Jun Kiuchi, Hajime Kamiya, Hiroshi Arakawa, Ryo Ishida, Hiroki Shimizu, Tomohiro Arita, Hirotaka Konishi, Atsushi Shiozaki, Takeshi Kubota, Hitoshi Fujiwara, Eigo Otsuji (Dept. Digestive Surg., Kyoto Pref. Univ. Med.)

胃癌術後血小板增多は血小板由来分泌型 miR-223 を介して再発に関連する

西別府 敬士、小松 周平、大橋 拓馬、今村 泰輔、木内 純、神谷 肇、荒川 宏、石田 怜、清水 浩紀、有田 智洋、小西 博貴、塙崎 敦、窪田 健、藤原 斎、大辻 英吾 (京都府立医科大学 消化器外科)

J-1034 CRP-induced soluble CTLA4 is a determinant of anti-PD1 resistance in gastrointestinal cancer

Kotoe Oshima^{1,2,3}, Hirokazu Shoji², Narikazu Boku^{1,4}, Chie Kudo¹ (¹Dept. of Immune Medicine, National Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dept. of Gastrointestinal Medical Oncology, National Cancer Ctr. Hosp., ³Dept. of Gastrointestinal Oncology, Shizuoka Cancer Ctr., ⁴Dept. of Medical Oncology and General Medicine, IMSUT Hosp.)

CRP が誘導する腫瘍由来可溶型 CTLA4 の増加は PD1 治療の不奏効を招く

大嶋 琴絵^{1,2,3}、庄司 広和²、朴 成和^{1,4}、工藤 千恵¹ (¹国立がん研究センター研究所 免疫創薬部門、²国立がん研究センター中央病院 消化器内科、³静岡県立静岡がんセンター 消化器内科、⁴東大医科学研究所附属病院 腫瘍・総合内科)

J-1035 Risk stratification of primary GC by integrating clinicopathological factors and DNA methylation in the gastric mucosa

Genki Usui^{1,2,3}, Tomoka Okada¹, Mizuki Minami^{1,4}, Masaki Fukuyo¹, Bahityar Rahmutulla¹, Motoaki Seki¹, Eiji Sakai^{1,5,6}, Keisuke Matsusaka^{1,4}, Tetsuo Ushiku², Atsushi Kaneda¹ (¹Dept. Mol Oncol, Grad. Sch. Med., Chiba Univ., ²Dept. Path., Grad. Sch. Med., The Univ. Tokyo, ³Dept. Diagn. Pathol., NTT Med. Ctr. Tokyo, ⁴Dept. Path., Chiba Univ. Hosp., ⁵Dept. Gastroenterol., NTT Med. Ctr. Tokyo, ⁶Dept. Gastroenterol., Yokohama Sakae Kyosai Hosp.)

臨床病理学因子と胃粘膜に蓄積した DNA メチル化を統合した一次胃癌のリスク層別化

臼井 源紀^{1,2,3}、岡田 朋香¹、南 瑞樹^{1,4}、福世 真樹¹、ラヒムトラ バハ テヤリ¹、関 元昭¹、酒井 英嗣^{5,6}、松坂 恵介^{1,4}、牛久 哲男²、金田 篤志¹ (¹千葉大学大学院 医学研究院 分子腫瘍学、²東京大学大学院 人体病理学・病理診断学、³N T T 東日本関東病院 病理診断科、⁴千葉大学 医学部附属病院 病理診断科、⁵N T T 東日本関東病院 消化器内科、⁶横浜共済病院 消化器内科)

J-1036 Evolutionary Biology of esophageal squamous cell carcinoma

Akira Yokoyama¹, Tomonori Hirano², Yuudai Ishida¹, Osamu Kikuchi¹, Yasuhide Takeuchi³, Sachiko Minamiguchi³, Seishi Ogawa², Manabu Muto¹, Nobuyuki Kakiuchi⁴ (¹Department of Therapeutic Oncology, Kyoto University, ²Department of Pathology and Tumor Biology, Kyoto University, ³Department of Diagnostic Pathology, Kyoto University, ⁴Kyoto University Hakubi project)

食道扁平上皮癌の生物進化

横山 顯礼¹、平野 智紀²、石田 雄大¹、菊池 理¹、竹内 康英³、南口 早智子³、小川 誠司²、武藤 学¹、垣内 伸之⁴ (¹京都大学 腫瘍内科、²京都大学 腫瘍生物学、³京都大学 病理診断科、⁴京都大学 白眉センター)

Introduction Courses for Current Cancer Research Bioinformatics Hands-On Series

Room 14 Sep. 21 (Thu.) 9:00-10:15 J

IC1

Introduction to somatic mutation analysis 1

君にもできるゲノミクス：体細胞変異解析入門 1

IC1

Introduction to somatic mutation analysis 1

Toshihide Ueno (National Cancer Center Research Institute)

君にもできるゲノミクス：体細胞変異解析入門 1

上野 敏秀 (国立がん研究センター研究所)

Introduction Courses for Current Cancer Research Bioinformatics Hands-On Series

Room 14 Sep. 21 (Thu.) 10:15-11:30 J

IC2

Introduction to somatic mutation analysis 2

君にもできるゲノミクス：体細胞変異解析入門 2

IC2

Introduction to somatic mutation analysis 2

Toshihide Ueno (National Cancer Center Research Institute)

君にもできるゲノミクス：体細胞変異解析入門 2

上野 敏秀 (国立がん研究センター研究所)

Special Symposia/JCA-JSI-JACI Joint Symposium

Room 15 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30 E

SS1

Future of cancer immunology and immunotherapy

腫瘍免疫学から考えるがん免疫療法の未来

Chairpersons: Shin-ichiro Fujii (RIKEN IMS, Lab. for Immunotherapy)

Toshihiko Torigoe (Dept. Path., Sapporo Med. Univ.)

Hiroyoshi Nishikawa (Div. Cancer Immunol., Res. Inst., Natl. Cancer Ctr.)

座長：藤井 真一郎（理研・生命医科学研セ・免疫細胞治療）

鳥越 俊彦（札幌医大・医・病理学第一講座）

西川 博嘉（国立がん研セ・研・腫瘍免疫研究分野）

With the successes of immune checkpoint inhibitors, immunotherapy has become one of the standard strategies in cancer therapies for various types of cancer. However, the clinical efficacy is still limited, and more than half of patients failed to respond to cancer immunotherapies. Therefore, it is urgently required to identify predictive biomarkers that can stratify responders from non-responders and to develop more effective cancer immunotherapeutic strategies based on basic research. Thus, in this joint symposium of 3 academic societies (JCA, JSI, and JACI), we will address various obstacles to successful cancer immunotherapy; Understanding immunosuppressive components in the tumor microenvironment which hamper the induction of effective antitumor immunity is a key issue for the future of cancer immunotherapy tailored to each patient. We hope our discussion will help progress toward the next generation of cancer immunotherapy.

SS1-1 Therapeutic cellular vaccine eliciting multifunctional immunity against cancer

Shinichiro Fujii^{1,2} (¹Lab. for Immunotherapy, RIKEN Center for Integrative Medical Sciences, ²RIKEN Drug discovery and Medical Technology, aAVC TR Unit)

多機能性免疫を誘導する治療型がんワクチン細胞療法

藤井 真一郎^{1,2} (¹理研・生命医科学研究・免疫細胞治療、²理研・創薬医療技術基盤・aAVC 基盤)

SS1-2 Importance of regulatory T cell-targeted therapy

Yuka Maeda (Div. of Cancer Immunology, NCC)

制御性 T 細胞を標的としたがん免疫療法の重要性

前田 優香（国がん・研・腫瘍免疫）

SS1-3 Rapid identification of immunogenic neoantigens using surrogate immunopeptidomes

Takayuki Kanaseki^{1,2} (¹Department of Pathology, Sapporo Medical University, ²Joint Research Center for Immunoproteogenomics, Sapporo Medical University)

免疫プロテオゲノミクスによる迅速なネオアンチゲン同定技術

金関 貴幸^{1,2} (¹札幌医大・病理学第一講座、²同・免疫プロテオゲノミクス共同研究拠点)

SS1-4 Functional decoding of intratumoral T cell repertoires through genetic screens

Wouter Schepen, Ton Schumacher (Dept of Molecular Oncology and Immunology, The Netherlands Cancer Institute)

SS1-5 Dendritic cell contribution to the development of tertiary lymphoid structures (TLSs) in cancer

Miriam Merad, Raphaël Mattiuz, Jessica Le Berichel, Abishek Vaidya, Romain Donné, Pauline Hamon, Erika Nemeth, Leanna Troncoso, Amanda Reid, Simon Goldstein, Meriem Belabed, Raphaël Merand, Samarth Hegde, Clotilde Hennequin, Matthew D. Park, Sinem Ozbey, Sacha Gnjatic, Amaia Lujambio, Michael Schotsaert, Nikhil S. Joshi, Thomas U. Marron, Alice O. Kamphorst (Icahn School of Medicine at Mount Sinai)

SS1-6 PERSONALIZED CANCER VACCINES - UPDATES

Catherine J. Wu (Dana-Farber Cancer Institute, Harvard Medical School)

Room 17 Sep. 21 (Thu.) 9:00-9:50

IAL JCA International Award Lecture
JCA インターナショナルアワード受賞講演Chairperson: Hideyuki Saya (Cancer Ctr., Fujita Health Univ.)
座長：佐谷 秀行（藤田医大・がん医療研究セ）

IAL Discovery and elucidation of the role of receptor tyrosine kinase family and contribution to fostering young cancer researchers in Asia - Marker - Guided Effective Therapy (MGET) : targeted and immune checkpoint therapies -
Mien-Chie Hung (President, China Medical University Taichung, Taiwan)

Cancer Science Young Scientists Award Lectures

Room 17 Sep. 21 (Thu.) 9:50-11:30

YSA Cancer Science Young Scientists Award Lectures
Cancer Science ヤングサイエンティストアワード受賞講演Chairperson: Yutaka Kawakami (Internat'l. Univ. of Health & Welfare)
座長：河上 裕（国際医療福祉大・医）

YSA-1 Elucidation of the progression mechanism in renal cell carcinoma via ELOVL5
Satoshi Nitta, Shuya Kandori, Shotaro Sakka, Hiroyuki Nishiyama
 (Dept. Uro., Fac. Med., Tsukuba Univ.)
ELOVL5 による腎癌の進展メカニズムの解明
新田 聰、神鳥 周也、目 翔太郎、西山 博之（筑波大学医学医療系腎泌尿器外科）

YSA-2 KRAS variant allele frequency associates with survival of patients with pancreatic cancer
Tatsunori Suzuki^{1,8}, Yohei Masugi^{2,8}, Manabu Takamatsu^{3,4,8}, Tsuyoshi Hamada^{1,5,8}, Mariko Tanaka^{6,8}, Akiko Kunita^{6,8}, Yutaka Nakano^{7,8}, Keisuke Tateishi^{1,8}, Kazuhiko Koike^{1,8}, Tetsuo Ushiku^{6,8}, Michiee Sakamoto^{2,8}, Kengo Takeuchi^{3,4,8}, Minoru Kitago^{7,8}, Mitsuhiro Fujishiro^{1,8}
 (¹Dept. Gastroenterol., Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo, ²Dept. Path., Keio Univ. Sch. Med., ³Div. Path., Cancer Inst. JFCR, ⁴Dept. Path., Cancer Inst. Hosp. JFCR, ⁵Dept. Hepato-Biliary-Pancreatic Med., Cancer Inst. Hosp. JFCR, ⁶Dept. Path., Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo, ⁷Dept. Surg., Keio Univ. Sch. Med., ⁸The GTK Pancreatic Cancer Study Group)

膵癌におけるKRAS variant allele frequencyと予後との関連についての検討
鈴木辰典^{1,8}、眞杉 洋平^{2,8}、高松 学^{3,4,8}、濱田 穎^{1,5,8}、田中 麻理子^{6,8}、国田 朱子^{6,8}、中野 容^{7,8}、立石 敬介^{1,8}、小池 和彦^{1,8}、牛久 哲男^{6,8}、坂元 亨宇^{2,8}、竹内 賢吾^{3,4,8}、北郷 実^{7,8}、藤城 光弘^{1,8} (¹東京大・医・消化器内科、²慶應大・医・病理学教室、³(公財)がん研・研・病理部、⁴(公財)がん研・有明病院・病理部、⁵(公財)がん研・有明病院・肝・胆・膵内科、⁶東京大・医・人体病理学、⁷慶應大・医・外科学教室、⁸The GTK Pancreatic Cancer Study Group)

YSA-3 CHIP-associated mutant ASXL1 in blood cells promotes solid tumor progression
Xiaoxiao Liu¹, Susumu Goyama¹, Toshio Kitamura² (¹Div. of Mol. Oncology, CBMS, Frontier Sci., UTokyo, ²Inst. of Biomed. Res. Innovation, FBRI)

YSA-4 The oral bacterium Streptococcus mutans promotes tumor metastasis by inducing vascular inflammation
Li Yu¹, Nako Maishi¹, Erika Akahori^{1,2}, Akira Hasebe³, Ryo Takeda^{1,2}, Aya Matsuda¹, Yasuhiro Hida⁴, Jin M. Nam⁵, Yasuhito Onodera⁵, Yoshimasa Kitagawa², Kyoko Hida¹ (Vascular Biol. & Mol. Pathol., Hokkaido Univ., ²Oral Diagnosis & Med., Hokkaido Univ., ³Oral Mol. Microbiology, Hokkaido Univ., ⁴Dept. of Advanced Robotic and Endoscopic Surg., Fujita Health Univ., ⁵GCB, Faculty of Med., Hokkaido Univ.)

Symposia

Room 16 Sep. 21 (Thu.) 9:00-11:30

E

S5

New era in cancer biology to understand complex metastasis
複雑な転移機構に迫る新しいがん生物学Chairpersons: Masanobu Oshima (Kanazawa Univ.)
Atsushi Enomoto (Nagoya Univ. Grad. Sch. of Med.)
座長：大島 正伸（金沢大）
榎本 篤（名古屋大・院医・腫瘍病理学）

Most of cancer-related death is caused by metastasis, thus it is important to understand the molecular mechanism of metastasis to develop novel therapeutic strategy. Recent genome analysis demonstrated that accumulation of driver mutations is confirmed in the primary cancer tissues, and the metastasis-specific genetic alterations are rarely found. On the other hand, there have been shown to be novel biological mechanisms that include extracellular vesicle-led premetastatic niche generation, education of tumor-promoting stromal cells for survival of disseminated tumor cells, cell cluster migration and polyclonal metastasis, and stemness-regulated dormancy of the drug-resistant cells, etc. In this symposium, we would like to discuss about such novel biological mechanisms to expand our knowledge about metastasis development.

S5-1 Modeling of colorectal cancer development and metastasis with organoids (provisional)

Hugo J G Snippert (UMC Utrecht & Oncode Institute)

S5-2 Role of exosomes in cancer metastasis and biomarker potential

Ayuko Hoshino (RCASTA, the University of Tokyo)エクソソームによる癌転移機構と診断マーカーの探索
星野 歩子（東京大学・先端科学技術研究センター）

S5-3 Induction of mGluR1 expression and enhanced dependence on its signalling in lung cancer brain metastasis

Eishu Hirata (Tumour Cell Biology and Bioimaging, Cancer Research Institute, Kanazawa Univ.)肺がん脳転移におけるmGluR1 の発現誘導と依存性増強
平田 英周（金沢大・がん研・腫瘍細胞生物学）

S5-4 Potential role of RUNX3 in metastasis

Yoshiaki Ito¹, Kazuto Suda², Daisuke Douchi³, Junichi Matsuo¹, Linda S. Chuang¹ (¹Cancer Science Institute of Singapore, National University of Singapore, ²Juntendo University School of Medicine, Tokyo, Japan., ³Tohoku University Graduate School of Medicine, Sendai, Japan)

S5-5 Signaling pathways essential for stemness, metastasis, and drug resistance in colorectal cancer cells

Masahiro Aoki^{1,2}, Makoto Taketo³, Teruaki Fujishita¹ (¹Div. Pathophysiol., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ²Div. Cancer Physiol., Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ³Colon Cancer Pj, KUHP-iACT, Kyoto Univ.)

大腸がんの幹細胞性、転移能、抗がん剤抵抗性に寄与するシグナル経路の解明

青木 正博^{1,2}、武藤 誠³、藤下 晃章¹ (¹愛知がんセ・研・がん病態生理、²名古屋大・医・がん病態生理、³京大病院・臨研セ・大腸がんP)

S5-6 Tumor-stromal interactions facilitate polyclonal metastasis

Sauyee Kok¹, Hiroko Oshima^{1,2}, Mizuho Nakayama^{1,2}, Masanobu Oshima^{1,2} (¹Div. Genetics, Cancer Res. Inst, Kanazawa Univ, ²WPI-Nano LSI, Kanazawa Univ)

INFORMATION

DAY 1
AM | LS | PM | PostersDAY 2
AM | LS | PM | PostersDAY 3
AM | LS | PM | PostersINDEX
Authors | Keywords | Chairpersons

Luncheon Seminars, Sep. 21 (Thu.) 11:50-12:40

Room 2

LS01

KONICA MINOLTA REALM, INC.
コニカミノルタ REALM 株式会社

L

The beginning of next generation comprehensive genomic profiling.

Shinji Kohsaka (Division of Cellular Signaling, National Cancer Center Research Institute)

Chair: Hiroyuki Aburatani (Genome Science & Medicine Laboratory, Research Center for Advanced Science and Technology, The University of Tokyo)

次世代 CGP 検査の幕開け

高阪 真路 (国立がん研究センター研究所 細胞情報学分野)

座長：油谷 浩幸 (東京大学先端科学技術研究センター)

Room 3

LS02

Thermo Fisher Scientific
サーモフィッシャーサイエンティフィック

L O

The Frontiers of Cancer Genome Medicine

- 1) Current Status and Prospects of Lung Cancer Genetic Testing
- 2) To optimize the utilization of comprehensive genome profiling

1) Shingo Matsumoto (Department of Thoracic Oncology, National Cancer Center Hospital East)
2) Manabu Mutou (Department of Therapeutic Oncology, Graduate School of Medicine, Kyoto University)

Chair: Koichi Goto (Department of Thoracic Oncology, National Cancer Center Hospital East)

がんゲノム医療の最前線

- 1) 肺癌遺伝子検査の現状と展望
- 2) がん遺伝子パネル検査をもっと活用するために
 - 1) 松本 慎吾 (国立がん研究センター東病院 呼吸器内科)
 - 2) 武藤 学 (京都大学大学院医学研究科 脳腫瘍薬物治療学講座)

座長：後藤 功一 (国立がん研究センター東病院 呼吸器内科)

Room 4

LS03

Crown Bioscience & MBL
株式会社 Crown Bioscience & MBL

L O

Immuno-oncology: integrated preclinical approaches for biologics and cell therapies development

Ludovic Bourre (Vice President, Research & Innovation at Crown Bioscience)

Chair: Katsuomi Ichikawa (Crown Bioscience & MBL)

がん免疫: バイオ医薬品および細胞療法の開発のための統合型前臨床アプローチ
Bourre Ludovic (Vice President, Research & Innovation at Crown Bioscience)

座長：市川 克臣 (株式会社 Crown Bioscience & MBL)

Room 5

LS04

NanoString Technologies
ナノストリング・テクノロジーズ

L O

Elucidation of cancer-specific mechanisms by highplex spatial single-cell genomics analysis

- 1) Therapeutic remodeling of pancreatic cancer uncovered by single-cell spatial transcriptomics and optimal transport analysis
- 2) Spatial Genomics Revealed Regulation of Gastric Mucosa

1) William Hwang (Harvard Medical School & Massachusetts General Hospital Cancer Center)
2) Shunpei Ishikawa (The University of Tokyo & NCC-EPOC)

Chair: Shunpei Ishikawa (The University of Tokyo & NCC-EPOC)

高プレックス空間シングルセルゲノミクス解析によるがんのメカニズム解明

- 1) Therapeutic remodeling of pancreatic cancer uncovered by single-cell spatial transcriptomics and optimal transport analysis
- 2) 空間ゲノミクスから見たヒト胃粘膜の制御
 - 1) William Hwang (Harvard Medical School & Massachusetts General Hospital Cancer Center)
 - 2) 石川 俊平 (東京大学大学院医学系研究科 衛生学教室／国立がん研究センター先端医療開発センター臨床腫瘍病理分野)

座長：石川 俊平 (東京大学大学院医学系研究科 衛生学教室／国立がん研究センター先端医療開発センター臨床腫瘍病理分野)

Room 6

LS05

Illumina K.K.
イルミナ株式会社

O

Exploring novel genetic aberrations using short-read sequencing

Hiromichi Suzuki (Division of Brain Tumor Translational Research, National Cancer Center Research Institute)

Chair: Yutaka Suzuki (Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo)

ショートリードシークエンスの応用による新規遺伝子異常の発見

鈴木 啓道 (国立がん研究センター研究所 脳腫瘍連携研究分野)

座長：鈴木 穣 (東京大学大学院新領域創成科学研究科)

Room 7

LS06

Eisai Co., Ltd.
エーザイ株式会社

Revolution of the Understanding of Malignant Lymphoma through a Data Science Approach

Mamiko Sakata-Yanagimoto (Department of Hematology, Institute of Medicinie, University of Tsukuba)

Chair: Koichi Akashi (Department of Medicine and Biosystemic Science, Graduate School of Medical Science, Kyushu University)

データサイエンスによる悪性リンパ腫の病態理解の革新を描く

坂田 (柳元) 麻実子 (筑波大学 医学医療系血液内科)

座長：赤司 浩一 (九州大学大学院医学研究院 病態修復内科学 (第一内科))

Room 8

LS07

Miyarisan Pharmaceutical Co., Ltd.
 ミヤリサン製薬株式会社
Attempts to overcome resistance to cancer immunotherapy

HIROYOSHI NISHIKAWA (Division of Cancer Immunology, Research Institute/Exploratory Oncology Research & Clinical Trial Center (EPOC), National Cancer Center, Department of Immunology, Nagoya University Graduate School of Medicine)

Chair: KAWAKAMI YUTAKA (Department of Immunology, Graduate School of Medicine, International University of Health and Welfare)

がん免疫療法の抵抗性克服に向けた試み

西川 博嘉 (名古屋大学大学院医学系研究科 微生物・免疫学講座 分子細胞免疫学 / 国立がん研究センター 研究所 腫瘍免疫研究分野 / 先端医療開発センター 免疫TR分野)

座長：河上 裕 (国際医療福祉大学 大学院医学研究科 医学専攻 免疫学)

Room 9

LS08

DAIICHI SANKYO COMPANY, LIMITED
 第一三共株式会社
ADC is new platform as molecular target therapy ?

Toshihiko Doi (Exploratory Oncology Research & Clinical Trial Center, National Cancer Center)

Chair: Koji Kono (Department of Gastrointestinal Tract Surgery, Fukushima Medical University)

ADCは新たな分子標的治療プラットホームとなるか？

土井 俊彦 (国立がん研究センター 先端医療開発センター)

座長：河野 浩二 (福島県立医科大学医学部消化管外科学講座)

Room 11

LS09

CHUGAI PHARMACEUTICAL CO., LTD.
 中外製薬株式会社
Molecular Biology and Treatment Strategies of ALK/ROS1-Positive Lung Cancer

Takaaki Sasaki (First Department of Internal Medicine, Respiratory Medicine, Cancer Genome Medical Department, Asahikawa Medical University)

Chair: Makoto Nishio (Department of Thoracic Medical Oncology, Cancer Institute Hospital, Japanese Foundation for Cancer Research)

ALK/ROS1陽性肺癌の分子生物学と治療戦略

佐々木 高明 (旭川医科大学病院 第一内科(学内) 呼吸器内科/がん遺伝子診療部)

座長：西尾 誠人 (がん研究会明病院 呼吸器センター/呼吸器内科)

Room 12

LS10

Leica Microsystems K.K.
 ライカマイクロシステムズ株式会社
Spatial Proteomics Analysis and Multiplex Imaging Solution for Oncology

- 1) New technologies and Spatial Proteomics Analysis with LMD
- 2) Cell DIVE Multiplex Imaging Solution for Precision Oncology

1) Nobuhide Tsurumaki (Leica Microsystems K.K.)

2) Toshiyuki Hatano (Leica Microsystems K.K.)

Chair: Shintaro Tanaka (Leica Microsystems K.K.)

がん研究のための空間プロテオミクス解析とマルチプレックスイメージングソリューション

- 1) LMDを使った最新技術の紹介と、空間プロテオミクス解析の可能性
- 2) がん研究のためのマルチプレックスイメージングソリューション Cell DIVE

1) 鶴巻 宣秀 (ライカマイクロシステムズ株式会社)

2) 波田野 俊之 (ライカマイクロシステムズ株式会社)

座長：田中 晋太郎 (ライカマイクロシステムズ株式会社)

Room 13

LS11

TOMY DIGITAL BIOLOGY CO., LTD.
 トミーデジタルバイオロジー株式会社
Advent of long-read sequencing for cancer transcriptome analysis

Yosuke Tanaka (National Cancer Center Research Institute, Division of Cellular Signaling)

Chair: Yasuhiro Murakawa (Kyoto University Institute for the Advanced Study of Human Biology, Murakawa group)

高精度ロングリードシーケンスを用いたがん transcriptome 解析

田中 庸介 (国立がん研究センター研究所 細胞情報学分野)

座長：村川 泰裕 (京都大学高等研究院 ヒト生物学高等研究拠点 村川グループ)

Room 14

LS12

Merck Biopharma Co., Ltd.
 メルクバイオファーマ株式会社
Next generation challenges for Therapy Development: Tumor Signaling Pathways and Microenvironments

- 1) Drug development targeting tumor microenvironment using multiomics led by SCRUM-Japan
- 2) How can we conquer the MAPK Signal Pathway disorders?
~Tumor Agnostic perspectives~

1) Yoshiaki Nakamura (International Research Promotion Office, National Cancer Center Hospital East)

2) Hiromichi Ebi (Division of Molecular Therapeutics, Aichi Cancer Center Research Institute)

Chair: Seiji Yano (Department of Respiratory Medicine, Faculty of Medicine, Institute of Medical Pharmaceutical, and Health Sciences, Kanazawa University)

新時代における治療開発への挑戦～がん細胞におけるシグナル伝達経路と微小環境～

- 1) SCRUM-Japan が主導するマルチオミクスアプローチと腫瘍微小環境の治療開発への応用
- 2) 腫瘍内 MAPK シグナル伝達異常と治療開発～臓器横断的な視点から～

1) 中村 能章 (国立がん研究センター東病院 国際研究推進室)

2) 衣斐 寛倫 (愛知県がんセンターがん標的治療 TR 分野)

座長：矢野 聖二 (金沢大学医薬保健研究域医学系呼吸器内科学)

Special Events

Room 1 Sep. 21 (Thu.) 13:40-15:40

SE1 Young Plenary Symposium

Chairpersons: Takashi Kohno (C-CAT, Natl. Cancer Ctr.)
Hiroyoshi Nishikawa (Div. Cancer Immunol., Res. Inst., Natl. Cancer Ctr.)

座長：河野 隆志（国立がん研セ・がんゲノム情報管理セ）
西川 博嘉（国立がん研セ・研・腫瘍免疫研究分野）

The first author (a young researcher) of an outstanding original paper will be selected by the program committee members to give an oral presentation on the paper and its subsequent development at the main venue of the conference.

SE1-1 Single-cell analysis identifies the activation program of regulatory T cells in the tumor microenvironment

Kota Itahashi (Div. Cancer Immunol., Res. Inst. /EPOC, Natl. Cancer Ctr.)

腫瘍局所における制御性T細胞の活性化メカニズムの解明
板橋 耕太（国立がん研究センター 腫瘍免疫研究分野）

SE1-2 The immune surveillance mechanism of cellular senescence through immune checkpoint molecule PD-L1

Tehwei Wang^{1,2}, Yoshikazu Johmura², Makoto Nakanishi¹ (¹Division of Cancer Cell Biology, IMSUT, ²Division of Cancer and Senescence Biology, KU CRI)

SE1-3 Single-cell survey reveals minor cell subsets in lymphoma microenvironment

Yoshiaki Abe^{1,2}, Junko Zenkoh³, Manabu Fujisawa⁴, Hiroaki Miyoshi⁵, Yasuhito Suchara^{1,2}, Hiroko Bando⁶, Ayako Suzuki³, Koichi Ohshima³, Tatsuya Oda⁷, Kosei Matsue⁸, Yutaka Suzuki³, Shigeru Chiba^{1,2}, Mamiko Sakata^{1,2,9} (¹Hematology Dept., Tsukuba Univ., ²Hematology Dept., Tsukuba Univ. Hospital, ³Computational Biology and Medical Sciences, Tokyo Univ., ⁴Centre for Lymphoid Cancer, British Columbia Cancer, ⁵Pathology Dept., Sch. Med., Kurume Univ., ⁶Breast and Endocrine Surgery Dept., Tsukuba Univ., ⁷Gastrointestinal and Hepato-Biliary-Pancreatic Surgery Dept., Tsukuba Univ., ⁸Hematology/Oncology Dept., Kameda Medical Center, ⁹Transborder Medical Research Center, Tsukuba Univ.)

一細胞解析によるリンパ腫微小環境マイナーサブセットの同定

安部 佳亮^{1,2}、善光 純子³、藤澤 学⁴、三好 寛明⁵、末原 泰人^{1,2}、坂東 裕子⁶、鈴木 純子³、大島 孝一⁵、小田 竜也⁷、永末 孝生⁸、鈴木 穂³、千葉 澄^{1,2}、坂田 (柳元) 麻実子^{1,2,9} (¹筑波大学 医学医療系 血液内科、²筑波大学附属病院 血液内科、³東京大学 メディカル情報生命専攻、⁴ブリティッシュ・コロンビアがん研究所、⁵久留米大学 医学部 病理学講座、⁶筑波大学 乳腺甲状腺内分泌外科、⁷筑波大学 医学医療系 消化器外科、⁸亀田総合病院 血液腫瘍内科、⁹筑波大学トランスポーター医学研究センター)

SE1-4 Cell matrix interface regulates dormancy in human colon cancer stem cells

Yuki Ohta, Masayuki Fujii, Toshiro Sato (Department of Medical Chemistry, Keio University School of Medicine)

細胞-マトリクス界面が大腸がん幹細胞の休眠を制御する

太田 悠木、藤井 正幸、佐藤 俊朗（慶應義塾大学医学部医化学教室）

SE1-5 Molecular residual disease and efficacy of adjuvant chemotherapy in patients with colorectal cancer

Daisuke Kotani¹, Yoshiaki Nakamura¹, Hideaki Bando¹, Takayuki Yoshino¹, Eiji Oki² (¹Dept. Gastrointestinal Oncol., National Cancer Center Hospital East, ²Dept. Surgery and Science, Grad School Med., Kyushu University)

大腸癌周術期における血中循環腫瘍DNAの有用性

小谷 大輔¹、中村 能章¹、坂東 英明¹、吉野 孝之¹、沖 英次²（¹国がん東・消化管内科、²九大大学院・消化器総合外科）

Special Events

Room 1 Sep. 21 (Thu.) 16:20-18:20

SE2 Stories for cancer drug development originating from Japan

日本発抗がん剤開発物語

Chairpersons: Hiroyuki Mano (Natl. Cancer Ctr.)
Yoshiyuki Majima (Rare Cancers Japan)
Akira Yokoi (Eisai Co., Ltd.)

座長：間野 博行（国立がん研セ・研・所長）
眞島 喜幸（日本希少がん患者会ネットワーク）
横井 翔（エーザイ（株））

抗がん剤のシーズ開発から最終的な製剤承認に至るまでのステップには様々なハードルが存在します。日本発のシーズ、あるいは日本が開発の中心となって国際的に成功した代表的な抗がん剤の開発において、どのステップに苦労があり、それをいかに乗り越えて、どのような喜びがあったのかを、開発した会社の方々に実体験をご紹介いただきます。他では聴けない創薬のリアルを体感してください。

SE2-1 Discovery of Trastuzumab deruxtecan

Yuki Abe (Research Innovation Promotion dept., Daiichi Sankyo)
トラスツズマブ デルクステカンの創製
阿部 有生（第一三共・研究イノベーション推進部）

SE2-2 Discovery of anti-CCR4 antibody mogamulizumab and its clinical application

Takeshi Takahashi (Medical Affairs, Kyowa Kirin Co., Ltd.)
抗CCR4抗体モガムリズマブの創製とその臨床応用
高橋 健（協和キリン・メディカルアフェアーズ）

SE2-3 Discovery and translational research of multikinase inhibitor Lenvatinib

Yasuhiro Funahashi (Eisai Inc, DHBL, Microenvironment Dynamics Domain)
マルチキナーゼ阻害剤レンバチニブの創製とトランスレーショナルリサーチ
船橋 泰博（エーザイ Inc. DHBL MD ドメイン）

SE2-4 History of research and development of immune checkpoint inhibitor anti-PD-1 antibody, nivolumab

Takao Yoshida (Reserch Center of Oncology, Ono Pharmaceutical Co., Ltd.)
免疫チェックポイント阻害剤抗PD-1抗体ニボルマブ創製の経緯
吉田 隆雄（小野薬品工業 オンコロジー研究センター）

SE2-5 Development history of crizotinib, ALK/ROS1/MET inhibitor

Takashi Nagasawa (Development Japan, Pfizer R&D G.K.)
ALK/ROS1/MET阻害剤としてのクリゾチニブの開発経緯
長澤 崇（ファイザー R&D 合同会社・医薬開発部門）

Special Symposia/JCA-PSJ Joint Symposium

Room 2 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

SS2 Frontiers of Anticancer Drug Modality Research
抗がん剤モダリティ研究の最前線

Chairpersons: Hidenori Ichijo (Grad. sch. of pharm. sci., the university of tokyo)
 Hiroyuki Kusuhara (Grad. Sch. of Pharm. Sci., The Univ. of Tokyo)
 座長：一條 秀憲（東京大・院薬）
 楠原 洋之（東京大・院薬）

Various treatment modalities have been developed to overcome cancer. The modalities now include genetically modified T cells, oncolytic viruses, and vaccines to strengthen the immune response against cancer. This symposium is planned to introduce emerging pharmaceutical research aimed at developing novel modalities for cancer diagnosis and therapy and share the vision of future directions with the audience. Organic chemistry has advanced the creation of novel functional molecules designed as theranostic probes that aid diagnosis and therapy, and efficient delivery of treatments (small molecules and RNA/DNA) to their target cells and even intracellular target organelles (mitochondria). The presentations will also shed light on the challenges faced in investigating live bacteria as a new treatment modality and signal transduction elicited by lipid mediators in tumor immunity. The six lines of research are expected to be able to address the public's expectations regarding new approaches to cancer therapy.

SS2-1 Creation of novel small molecule theranostics technology based on live imaging of tumor enzymatic activity

Yasuteru Urano^{1,2} (Univ. Tokyo, Grad. Sch. Pharm. Sci., ²Univ. Tokyo, Grad. Sch. Med.)

酵素活性のライブイメージングに基づく、新たな低分子がんセラノスティックス医療技術の創製

浦野 泰照^{1,2} ('東京大・院薬、²東京大・院医)

SS2-2 Anti-Cancer Drug Delivery System Based on Modified Streptavidin and Bis-Iminobiotin

Kenzo Yamatsugu¹, Akira Sugiyama² ('Grad. Sch. Pharm. Sci. Chiba Univ., ²ISC The Univ. Tokyo)

改変ストレプトアビジン・改変ビオチンを利用した抗がん薬物送達システムの開発

山次 健三¹、杉山 晓² ('千葉大院薬、²東大アイソ)

SS2-3 Development of lipid nanoparticles for the control of in vivo immunity: application in cancer treatment

Hidetaka Akita (Lab. Drug Deliv. Disp., Tohoku Univ., Grad Sch. Pharm. Sci.)

生体内免疫を制御する脂質ナノ粒子の開発と癌治療への応用
秋田 英万（東北大・薬・薬物送達）

SS2-4 Development of a nanocapsule for use in mitochondria-targeted cancer therapy

Yuma Yamada^{1,2} (Faculty of Pharmaceutical Sciences, Hokkaido University, ²FOREST Program, JST)

ミトコンドリアを標的とした癌治療用ナノカプセルの構築

山田 勇磨^{1,2} ('北海道大学 大学院薬学研究院、²JST 創発的研究支援事業)

SS2-5 Potential for cancer therapy with live bacterial therapeutics

Hidefumi Mukai (Dept. Pharmaceutical Informatics, Grad. Sch. Biomedical Science, Nagasaki Univ.)

生菌製剤を用いたがん治療の可能性

向井 英史（長崎大・院・医歯薬・医薬品情報学）

SS2-6 Serine phospholipids and cancer immunity

Junken Aoki (Dept. Health Chem. Grad. Sch. Pharm. Sci. Univ. Tokyo)

セリンリン脂質とがん免疫

青木 淳賢（東大院・薬・衛生化学）

International Sessions

Room 3 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

IS1 New trends in the control of senescent cells and SASP in cancer therapy
がん治療における老化細胞とSASP制御の新潮流

Chairpersons: Akiko Takahashi (Japanese Foundation for Cancer Res.)
 Elaine Sanj (St Vincent's Inst. of Med. Res.)

座長：高橋 晓子（公財）がん研）

Elaine Sanj (St Vincent's Inst. of Med. Res.)

In recent years, it has been reported that chemotherapy drugs such as CDK4/6 inhibitors and radiotherapy induce cellular senescence in cancer and stromal cells, which contributes to cancer treatment resistance and recurrence. Furthermore, senescent cells are involved in the development and malignancy of various cancers via senescence-associated secretory phenotype (SASP). Therefore, understanding the roles of senescent cells and SASP in the cancer microenvironment is expected to lead to control of the increase in cancer incidence with aging and the malignancy of cancer. Development of senolytic drugs targeting senescent cells and senomorphic drugs regulating SASP derived from senescent cells is actively underway for cancer prevention and treatment. In this session, we will discuss novel cancer treatment strategies targeting senescent cells and SASP in the cancer microenvironment.

IS1-1 New Insights into Epigenetic Alteration and SASP in the Cancer Microenvironment

Akiko Takahashi^{1,2} ('Dev. Cellular Senescence, Cancer Institute, JFCR, ²Proj. Cancer Cell Commun., NEXT-Ganken, JFCR)

がん微小環境におけるエピゲノム異常とSASPの新知見

高橋 晓子^{1,2} ('(公財)がん研究会・がん研究所・細胞老化、NEXT・がん細胞社会成因解明PJ)

IS1-2 Senescent tumor cells: The new modulator of the cancer microenvironment.

Tae J. Park^{1,2}, Soon S. Park^{1,2}, Young K. Lee², Yong W. Choi³, Jang H. Kim⁴ (¹Department of Biochemistry, Ajou University School of Medicine, ²Inflamm-Aging Translational Research Center, Ajou University Medical Center, ³Department of Hematology and Oncology, Ajou University School of Medicine, ⁴Department of Pathology, Ajou University School of Medicine)

IS1-3 Mechanistic Insights into cGAS-STING-Triggered Cellular Senescence

Pinglong Xu, Dan Zhang, Qirou Wu (Life Science Institute, Zhejiang University)

IS1-4 Exploring therapies targeting cellular senescence dynamics and ploidy alterations associated with cancer progression

Tomonori Matsumoto, Eiji Hara (Dept. Mol. Microbiology, Res. Inst. for Microbial Diseases, Osaka Univ.)

がん進展に伴う細胞老化動態と倍数性変化を標的としたがん治療の探索

松本 知訓、原 英二（大阪大学 微生物病研究所 遺伝子生物学）

IS1-5 Targeting the nucleoli in cancer therapy

Elaine Sanj^{1,2,3}, Jiachen Xuan², Shalini Chelliah^{1,3}, Diannita Kwang¹, Ruofei Liu¹, Kezia Gitareja¹, Keefe Chan², Natalie Brajanovski², Henry Beetham², Kaylene Simpson², Clare Scott⁴, Jian Kang¹ (St Vincents Institute of Medical Research, Fitzroy, VIC, Australia, ²Peter MacCallum Cancer Centre, East Melbourne, VIC, Australia, ³Department of Biochemistry and Molecular Biology, Monash University, VIC, Australia, ⁴The Walter and Eliza Hall Institute, Parkville, Victoria, Australia)

IS1-6 The mechanism whereby PDAC resists to CDK inhibition.

Yuanyuan Zhang, Santosh K. Gothwal, Susumu Kohno, Chiaki Takahashi (Kanazawa Univ. Cancer Research Inst.)

PDAC が CDK 阻害に抵抗するメカニズム。

張 園園、ゴトワール サントシクマル、河野 晋、高橋 智聰（金沢大学・がん進展制御研究所）

Symposia on Specific Tumors

Room 4 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

J

SST2

Development of novel therapeutics for lung cancer based on basic and translational research 肺がん:基礎・TR研究に基づく肺がん新規治療法の可能性

Chairpersons: Seiji Yano (Kanazawa Univ.)
Yasushi Goto (Natl. Cancer Ctr. Hospital)

座長: 矢野 聖二 (金沢大)
後藤 恒 (国立がん研センター・中央病院)

The molecular targeted therapy for advanced lung cancer has achieved remarkable prognostic improvement with the discovery of various driver oncogenes, including EGFR activating mutations and ALK, ROS1, RET, or NTRK fusion oncogenes, and the development of a number of molecular targeted drugs. Furthermore, lung cancer therapy has evolved further with the approval of immune checkpoint inhibitors. Therapies are also under development or have recently been approved for some KRAS and Her2-activating mutation-positive lung cancers for which driver oncogenes have been identified but targeted therapies have not yet been approved. On the other hand, disease progression due to resistance to these therapies remains a major problem. In this session, basic, translational, and clinical researchers will present their latest findings, and we will discuss how to further improve lung cancer treatment in the future.

SST2-1 Development of novel targeted therapy based on lung cancer genome Shingo Matsumoto (Dep. Thorac. Oncol., Natl. Cancer Ctr. Hosp. East)

肺癌ゲノムに基づく新規標的治療開発
松本 慎吾 (国がんセラピー・呼内)

SST2-2 New therapeutic strategies for driver oncogene positive lung cancer-ROS1

Misako Nagasaka (Division of Hematology and Oncology)
ROS1 肺がんのための新しい治療ストラテジー
長阪 美沙子 (University of California Irvine)

SST2-3 Antibody Drug Conjugate therapy for the lung cancer Yasushi Goto (NCCH, Dept. Thorac Oncol.)

肺癌におけるADC治療
後藤 恒 (国立がん研究センター・中央病院・呼吸器内科)

SST2-4 Combination bezaflib and nivolumab treatment of patients with advanced non small cell lung cancer

Kentaro Tanaka¹, Kenji Chamoto², Tasuku Honjo², Isamu Okamoto¹
(¹Dept. Res. Med., Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ., ²Dept. Immunol. Genom. Med., Grad. Sch. Med., Kyoto Univ.)

T細胞の代謝変化に着目した新規治療戦略: 進行非小細胞肺癌患者に対するベザフィブラーとニボルマブによる併用療法

田中 謙太郎¹、茶本 健司²、本庶 佑²、岡本 勇¹ (¹九州大学・院・呼吸器内科学、²京都大学・院・免疫ゲノム医学)

SST2-5 Approaches to Malignant Pleural Mesothelioma by Targeting Epigenetic Modifiers

Ken Tajima¹, Yosuke Miyashita¹, Aditya Wirawan¹, Kenta Izumi¹, Naohisa Matsumoto¹, Yoichiro Mitsuishi¹, Yasushi Okazaki², Kazuhisa Takahashi¹ (¹Dept Resp Med Juntendo Univ Grad Sch Med, ²RIKEN Ctr. for Integrative Med. Sci)

エピジェネティック修飾因子を標的とした悪性胸膜中皮腫へのアプローチ

田島 健¹、宮下 洋祐¹、Aditya Wirawan¹、和泉 研太¹、松本 直久¹、光石 陽一郎¹、岡崎 康司²、高橋 和久¹ (¹順天堂大学大学院医学研究科 呼吸器内科学、²理化学研究所 生命医科学研究センター)

SST2-6 Usefulness of immunological memory murine model for studying mechanisms of resistance to immune checkpoint inhibitors.

Ryohei Katayama^{1,2} (¹Div. Exp. Chemother., Cancer Chemother. Ctr., JFCR, ²Dept. CBMS, Grad. Sch. Front. Sci., The Univ. of Tokyo)

がん免疫記憶マウスモデルを用いた免疫チェックポイント阻害薬抵抗性機構の発見

片山 量平^{1,2} (¹ (公財) がん研・化療セ・基礎研究部、²東大・領域・メディカル情報生命)

International Sessions

Room 5 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

E

IS2

Dynamic gene regulation program in mediating adaptation and plasticity of cancers establishing tissue heterogeneity がんの可塑性と適応性を動的に制御し組織多様性を生み出す遺伝子調節機構

Chairpersons: Yutaka Kondo (Nagoya university graduate school of medicine)
Shyam Prabhakar (Genome Inst. of Singapore)

座長: 近藤 豊 (名古屋大・院医・腫瘍生物学)
Shyam Prabhakar (Genome Inst. of Singapore)

Recent studies showed that gene expression is regulated by multiple layers of a dynamic coordination of regulatory factors at certain genomic loci. In many types of cancers, genetic alterations are found in such factors, especially epigenetic regulators, RNA splicing factors, and RNA binding proteins, indicating the crucial properties of these factors during carcinogenesis. Epigenetic regulators and other associated proteins in many important nuclear processes was shown to engage in multilayer cooperative interactions that dynamically regulate not only cancer cells but also the cells composing tumor microenvironment including different types of immune cells. These findings may raise a possibility of novel drug targets for cancer treatment. In this session, researchers from Asian countries discuss an emerging perspective of gene regulatory network, which contributes to establish tumor cells and their microenvironmental heterogeneity.

IS2-1 Long Non-coding RNA as a fast-acting molecule for regulating cancer cell homeostasis

Yutaka Kondo (Div. Can. Biol., Nagoya Univ. Grad. Sch. Med)

長鎖非翻訳RNA はがん細胞の恒常性に関わる早期応答性分子である
近藤 豊 (名古屋大・院医・腫瘍生物学)

IS2-2 TERRA R-loops induce XPf-mediated breaks for Alternative Lengthening of Telomeres--New insights into ALT cancer therapy

Hsuehping C. Chu¹, Chiayu Guh¹, Hongjhih Shen¹, Liv W. Chen¹, Peichen Chiu¹, Ihsin N. Liao¹, Chenchia Lo¹, Yunfei Chen¹, Yuhung J. Hsieh¹, Tingchia Chang¹, Chiencing Yen¹, Yiyun Chen¹, Tom W. Chen³, Liuhuiow Chen⁴, Chingshyi Wu⁵, Jean M. Egly^{6,7} (¹Institute of Molecular and Cellular Biology, National Taiwan University, Taiwan, ²Institute of Biological Chemistry, Academia Sinica, Taipei, Taiwan, ³Department of Oncology, National Taiwan University Hospital, Taipei, Taiwan, ⁴Institute of Molecular Biology, Academia Sinica, Taipei, Taiwan, ⁵Department of Pharmacology, National Taiwan University, Taipei, Taiwan, ⁶Department of Functional Genomics and Cancer, IGBMC, Strasbourg, France, ⁷College of Medicine, National Taiwan University, Taipei, Taiwan)

IS2-3 The Role of BRD9 in Chromatin Regulation and Therapeutic Potential in Leukemia: Insights from SF3B1-Mutated Cancers

Daichi Inoue (Department of Hematology-Oncology, IBRI, FBRI)

クロマチン制御におけるBRD9の役割とメカニズムに基づく白血病治療応用
井上 大地 (神戸先端研・血液腫瘍研究部)

IS2-4 Tumor Adaptation and Re-sensitization to Immune Checkpoint Therapy

Alfred Cheng¹, Zhewen Xiong¹, Stephen Chan², Jingying Zhou¹, Joseph Sung³ (¹School of Biomedical Sciences, The Chinese University of Hong Kong, ²Department of Clinical Oncology, The Chinese University of Hong Kong, ³Lee Kong Chian School of Medicine, Nanyang Technological University)

IS2-5 Liver Cancer Cells Conditions Monocytes to Adopt Pro-tumor Macrophage Phenotypes via Cholesterol Metabolism

Janapat Palaga^{1,2,3,4}, Pornlapat Keawvila^{1,2}, Patipark Kueanjinda^{2,4}, Jerameth Klomsing¹ (¹Department of Microbiology, Faculty of Science, Chulalongkorn University, ²Center of Excellence in Immunology and Immune Mediated Diseases, Chulalongkorn, ³Graduate Program in Biotechnology, Faculty of Science, Chulalongkorn University, ⁴Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Chulalongkorn University)

IS2-6 Gene regulation program for proliferation and differentiation in Wnt signal-activated liver and colon cancer

Akira Kikuchi¹, Shinji Matsumoto², Akitazu Harada² (¹Ctr. Infectious Res. & Education, Osaka Univ., ²Dept. Mol. Biol. & Biochem., Grad. Sch. Med., Osaka Univ.)

Wntシグナル活性型肝がんと大腸がんにおける細胞増殖分化機構と遺伝子発現制御

菊池 章¹、松本 真司²、原田 昭和² (¹阪大・感染症拠点、²阪大・医学系研究科・分子病態生物学)

IS2-7 Single cell and spatial analysis of epithelial cell diversity in colorectal cancer

Shyam Prabhakar (Spatial and Single Cell Systems, A*STAR Genome Institute of Singapore)

English Oral Sessions

Room 6 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55

E7-1

Whole cancer genome sequencing

全ゲノムシーケンスによるがんゲノム解析

Chairperson: Masashi Sanada (Clin. Res. Ctr. NHO Nagoya Med.Ctr.)

座長: 真田 昌 (NHO 名古屋医療セラピューティックセンター)

E-1049 Whole genome and transcriptome analysis of bone and soft tissue sarcomas

Toshihide Hirai¹, Kotoe Katayama², Yuichi Shiraishi³, Akira Kawai⁴, Akihiko Yoshida⁵, Hiroshi Kobayashi⁶, Takashi Ohtsu⁷, Toshiyuki Kunisada⁸, Yoshihiro Nishida⁹, Shinichiro Yoshida¹⁰, Tadashi Kondo¹¹, Tatsuhiro Shibata¹², Seiya Imoto¹³, Koichi Matsuda¹⁴, Makoto Hirata¹
(¹Division of Molecular Pathology, National Cancer Center Research Institute, ²Lab. of Sequencing Analysis, The University of Tokyo, ³Division of Genome Analysis Platform Development, NCCRI, ⁴Department of Musculoskeletal Oncology, National Cancer Center Hospital, ⁵Department of Diagnostic Pathology, National Cancer Center Hospital, ⁶Department of Orthopedic Surgery, The University of Tokyo, ⁷Department of Musculoskeletal Tumor Surgery, Kanagawa Cancer Center, ⁸Department of Orthopedic Surgery, Okayama University Hospital, ⁹Department of Orthopedic Surgery, Nagoya University Graduate School of Medicine, ¹⁰Department of Orthopaedic Surgery, Tohoku University School of Medicine, ¹¹Division of Rare Cancer Research, NCCRI, ¹²Division of Cancer Genomics, NCCRI, ¹³Division of Health Medical Intelligence, The University of Tokyo, ¹⁴Laboratory of Clinical Genome Sequencing, The University of Tokyo)

骨軟部肉腫の全ゲノム、トランスクリプトーム解析

平井 利英¹、片山 夢絵²、白石 友一³、川井 草⁴、吉田 朗彦⁵、小林 寛⁶、大津 敬⁷、国定 俊之⁸、西田 佳弘⁹、吉田 新一郎¹⁰、近藤 格¹¹、柴田 龍弘¹²、井元 清哉¹³、松田 浩一¹⁴、平田 真¹ (¹国立がんセンター 分子病理分野、²東大医研シーケンスデータ情報処理分野、³国立がんセンター ゲノム解析基盤開発分野、⁴国立がんセンター中央病院 骨軟部腫瘍科、⁵国立がんセンター中央病院 病理診断科、⁶東京大学 整形外科、⁷神奈川がんセンター 骨軟部腫瘍科、⁸岡山大学 整形外科、⁹名古屋大学 整形外科、¹⁰東北大学 整形外科、¹¹国立がんセンター 希少がん研究分野、¹²東大医研ヘルスインテリジェンスセンター、¹³東大新領域クリニカルシーケンス分野)

E-1050 The Genomic Landscape of Driver Mutation-Negative Lung Adenocarcinoma: A Comprehensive Whole-Genome Sequencing Analysis

Masahiro Torasawa^{1,2}, Kouya Shiraishi², Akifumi Mochizuki², Shingo Matsumoto³, Junko Hamamoto⁴, Hirokazu Matsushita⁵, Issei Imoto⁶, Hiroyuki Yasuda⁴, Masahiro Tsuboi¹, Koichi Goto¹, Shunichi Watanabe⁸, Yuichi Shiraishi⁹, Ryuji Hamamoto¹⁰, Yuichiro Ohe¹, Takashi Kohno² (¹Dept. Thoracic Oncol., Natl. Cancer Ctr. Hosp., ²Div. Genome Biol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³Dept. Thoracic Surg., Natl. Cancer Ctr. East Hosp., ⁴Div. Pulmonary Med., Keio Univ. Hosp., ⁵Div. Translational Oncoimmunol., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ⁶Div. Mol. Genetics., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ⁷Dept. Thoracic Oncol., Natl. Cancer Ctr. East Hosp., ⁸Dept. Thoracic Surg., Natl. Cancer Ctr. Hosp., ⁹Div. Genome Analysis Platform Dev., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ¹⁰Div. Medical AI Res. Dev., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)

大規模全ゲノム解析によるドライバー遺伝子変異陰性肺腺がんのゲノムの特徴の解明

虎澤 匠洋^{1,2}、白石 航也²、望月 晶史²、松本 慎吾³、浜本 純子⁴、松下 博和⁵、井本 逸勢⁶、安田 浩之⁴、坪井 正博⁷、後藤 功一³、渡辺 俊一⁸、白石 友一⁹、浜本 隆二¹⁰、大江 裕一郎¹、河野 隆志² (¹国立がん研究セ・中央病院・呼吸器内科、²国立がん研究セ・研究所・ゲノム生物学、³国立がん研究セ・東病院・呼吸器外科、⁴慶應大学病院・呼吸器内科、⁵愛知がんセ・研・腫瘍免疫制御TR、⁶愛知がんセ・研・分子遺伝学、⁷国立がん研究セ・東病院・呼吸器内科、⁸国立がん研究セ・中央病院・呼吸器外科、⁹国立がん研究セ・研・ゲノム解析基盤開発、¹⁰国立がん研究セ・研・医療AI研究開発)

E-1051 Analysis of genomic landscape and tumor evolution in astroblastoma by whole-genome sequencing

Ryo Yamamoto^{1,2}, Takuma Nakashima^{1,2}, Yuriko Sugihara¹, Yusuke Funakoshi¹, Hirohisa Yazima^{1,3}, Kensuke Tateishi⁴, Tomonari Suzuki⁵, Ryuta Saito⁶, Yoshitaka Narita⁶, Sumihiro Nobusawa⁷, Hiromichi Suzuki¹ (¹Division of Brain Tumor Translational Research, National Cancer Center, ²Department of Neurosurgery, Nagoya University Graduate School of Medicine, ³Department of Neurosurgery, The University of Tokyo, ⁴Department of Neurosurgery, Yokohama City University, ⁵Department of NeuroOncology/Neurosurgery, Saitama Medical University International Medical Center, ⁶Department of Neurosurgery and NeuroOncology, National Cancer Center Hospital, ⁷Department of Human Pathology, Gunma University Graduate School of Medicine)

全ゲノムシーケンスによる星芽腫の遺伝子異常と進展様式の解明

山本 謙^{1,2}、中島 拓真^{1,2}、杉原 由利子¹、舟越 勇介¹、矢島 寛久^{1,3}、立石 健祐⁴、鈴木 智成⁵、齋藤 竜太²、成田 善孝⁶、信澤 純人⁷、鈴木 啓道¹ (¹国立がんセンター脳腫瘍連携研究分野、²名古屋大学大学院医学系研究科神経外科学、³東京大学医学部脳神経外科学、⁴横浜市立大学脳神経外科学、⁵埼玉医科大学脳脊髄腫瘍科、⁶国立がんセンター中央病院脳脊髄腫瘍科、⁷群馬大学大学院医学系研究科病態病理学)

E-1052 Clonal Dynamics of Disease Progression in MPN Revealed Using Whole Genome Sequencing

Hiroyuki Takamori¹, Yingjung Huang², Seishi Ogawa³, Yasuhito Nannya⁴, Leeyung Shih^{2,4} (¹Inst. of Med. Sci., The Univ. of Tokyo, ²Div. of Hematology-Oncology, Chang Gung Memorial Hosp., ³Dept. of Path. & Tumor Biol., Kyoto Univ., ⁴College of Medicine, Chang Gung Univ.)

全ゲノム解析を用いた骨髄増殖性疾患の病勢進行に伴うクローニング進化の解析

高森 弘之¹、Yingjung Huang²、小川 誠司³、南谷 泰仁¹、Leeyung Shih^{2,4} (¹東京大学医科学研究所造血病態制御学分野、²Chang Gung Memorial Hosp.、³京都大学医学研究科腫瘍生物学講座、⁴College of Medicine, Chang Gung Univ.)

E-1053 Landscape of somatic alterations in host and viral genomes in extranodal NK/T-cell lymphoma

Yuta Ito^{1,2}, Yasunori Kogure¹, Junji Koya¹, Kenichi Chiba³, Ai Okada³, Yuichi Shiraishi¹, Sachiko Tsukita⁴, Koji Izutsu^{5,6}, Seiji Sakata^{7,8,9}, Akito Dobashi^{7,8,9}, Kengo Takeuchi^{7,8,9}, Hiroaki Miyoshi¹⁰, Koichi Ohshima¹⁰, Masashi Sanada¹¹, Seishi Ogawa^{12,13,14}, Keisuke Kataoka^{1,15} (¹Div. Molecul. Oncol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Div. Clin. Oncol. & Hematol., Jikei Univ. Sch. of Med., ³Div. Genome Analysis Platform Develop., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ⁴ACRO, Teikyo Univ., ⁵Dep. Hematol., Natl. Cancer Ctr. Hosp., ⁶Dep. Hematol., Toranomon Hosp., ⁷Pathol. Proj. for Molecul. Targets, Cancer Inst., JFCR, ⁸Div. of Pathol., Cancer Inst., JFCR, ⁹Div. of Pathol., Cancer Inst., JFCR, ¹⁰Dep. Pathol., Kurume Univ. Sch. of Med., ¹¹Clin. Res. Ctr., Natl. Hosp. Org. Nagoya Med. Ctr., ¹²Dep. Pathol. & Tumor Biol., Kyoto Univ., ¹³ASHBi, Kyoto Univ., ¹⁴Dep. Med., Ctr for Hematol. & Regen. Med., Karolinska Inst., ¹⁵Dep. Hematol., Dep. Med., Keio Univ. Sch. of Med.)

節外性NK/T細胞リンパ腫における宿主およびウイルスゲノムにおける体細胞異常の全体像

伊藤 勇太^{1,2}、木暮 泰寛¹、古屋 淳史¹、千葉 健一³、岡田 愛³、白石 友一³、月田 早智子⁴、伊豆津 宏二^{5,6}、坂田 征士^{7,8,9}、土橋 映仁^{7,8,9}、竹内 賢吾^{7,8,9}、三好 寛明¹⁰、大島 孝一¹⁰、真田 昌¹¹、小川 誠司^{12,13,14}、片岡 圭亮^{1,15} (¹国立がん研究セ・研・分子腫瘍、²慈恵医大・医・腫瘍内、³国立がん研究セ・研・ゲノム開発基盤、⁴帝京大・先端総研、⁵国立がん研究セ・中央病院・血液腫瘍科、⁶虎ノ門病院・血内、⁷がん研・分子標的の病理プロジェクト、⁸がん研・がん研究所病理部、⁹がん研・有明病院病理部、¹⁰久留米大・医・病理学講座、¹¹名古屋医療セ・臨床研究セ、¹²京都大・医・腫瘍生物学、¹³京都大・ヒト生物学高等研究拠点、¹⁴カロリンズカ研究所・医、¹⁵慶應大・医・血内)

E-1054 Cancer-type-specific somatic mutations in super-enhancer regions of intestinal- and diffuse-type gastric carcinoma

Heesun Sim¹, Miwako Kakuchi¹, Daisuke Komura¹, Hiroto Katoh¹, Shunpei Ishikawa^{1,2} (¹Dept. Prev. Med., Grad. Sch. Med., The Univ. of Tokyo, ²Div. Path., NCC Exploratory Oncol. Res. & Clin. Trial Ctr.)

びまん性胃癌特異的な、スーパー・エンハンサー領域における体細胞変異の解析

沈 希宣¹、垣内 美和子¹、河村 大輔¹、加藤 洋人¹、石川 俊平^{1,2} (¹東大・医・衛生学、²国がん・先端医セ・臨床腫瘍病理)

J7-1

Genomic analysis of tumor and non-tumor tissues

非腫瘍部も含めた多面的なゲノム解析

Chairperson: Kouya Shiraishi (Dept. Clin. Genomics, Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)
 座長: 白石 航也 (国立がん研究センター研究所臨床ゲノム解析部門)

J-1037 Genomic and Epigenomic Integrative Subtypes of Renal Cell Carcinoma

Akihiko Fukagawa¹, Natsuko Hama¹, Yasushi Totoki¹, Hiromi Nakamura¹, Yasuhito Arai¹, Mihoko Adachi¹, Akiko Maeshima², Yoshiyuki Matsui³, Shinichi Yachida⁴, Tetsuo Ushiku⁵, Tatsuhiro Shibata^{1,6} (¹Div. of Cancer Genomics, Natl. Cancer Ctr. Inst., ²Dept. of Diagnostic Pathology, Natl. Cancer Ctr. Hosp., ³Dept. of Urology, Natl. Cancer Ctr. Hosp., ⁴Dept. of Cancer Genome Informatics, Osaka Univ., ⁵Dep. of Pathology, The Univ. of Tokyo, ⁶Lab. of Molecular Medicine, The Univ. of Tokyo)

腎細胞がんの統合的ゲノム・エピゲノム解析

深川 彰彦¹、濱 奈津子¹、十時 泰¹、中村 浩実¹、新井 康仁¹、足立 美保子¹、前島 亜希子²、松井 喜之³、谷内田 真一⁴、牛久 哲男⁵、柴田 龍弘^{1,6} (¹国立がん研究センター がんゲノミクス分野、²国立がん研究センター中央病院 病理診断科、³国立がん研究センター中央病院 泌尿器科、⁴大阪大学 ゲノム情報学、⁵東京大学 人体病理学・病理診断学分野、⁶東京大学医科学研究所 ゲノム医科学分野)

J-1038 Elucidation of inter- and intra-tumor heterogeneity in chromophobe renal cell carcinomas and its related subtypes

Ryosuke Jikuya^{1,2}, Todd A. Johnson², Kazuhiro Maejima², Mitsuko Furuya³, Ikuma Kato⁴, Masashi Fujii⁵, Masaya Baba⁵, Haruka Hamanoue⁶, Go Noguchi⁷, Hiroji Uemura⁸, Masahiro Yao⁹, Kazuhide Makiyama¹, Tomohiko Tamura⁸, Hidewaki Nakagawa², Hisashi Hasumi¹ (¹Dept. of Urology, Yokohama City Univ., ²Lab. for Cancer Genomics, RIKEN, ³GeneticLab Co., Ltd., ⁴Dept. of Mol. Pathol., Yokohama City Univ., ⁵International Res. Ctr. for Med. Sci., Kumamoto Univ., ⁶Clin. Genetics Dept., Yokohama City Univ., ⁷Dept. of Urology, Yokohama City Univ. Med. Ctr., ⁸Dept. of Immunol., Yokohama City Univ.)

嫌色素性腎癌およびその関連腎癌における腫瘍間、腫瘍内不均一性の解明

軸屋 良介^{1,2}、Todd A. Johnson²、前嶋 和紘²、古屋 充子³、加藤 生真⁴、藤井 誠志⁴、馬場 理也⁵、浜之上 はるか⁶、野口 刚¹、上村 博司⁷、矢尾 正祐¹、横山 和秀¹、田村 智彦⁸、中川 英刀²、蓮見 壽史¹ (¹横浜市大 泌尿器科、²理研 がんゲノム研究チーム、³株式会社ジエネティックラボ、⁴横浜市大 分子病理学、⁵熊本大学 国際先端医学研究機構、⁶横浜市大 遺伝子診療科、⁷横浜市大市民総合医療センター 泌尿器科、⁸横浜市大 免疫学)

J-1039 Genomic analysis of end-stage renal disease

Kosuke Ieiri¹, Nobuyuki Kakiuchi¹, Tomonori Hirano¹, Koichi Watanabe¹, Hiroko Tanaka³, Satoru Miyano³, Takashi Matsumoto², Dai Takamatsu², Keisuke Monji³, Masaki Shiota², Junichi Inokuchi², Hideki Makishima¹, Masatoshi Eto³, Seishi Ogawa¹ (¹Department of Pathology and Tumor Biology, Kyoto University, ²Department of Urology, Graduate School of Medical Science, Kyushu University, ³M&D Data Science Center, Tokyo Medical and Dental University)

末期腎不全における遺伝子解析

家入 康輔¹、垣内 伸之¹、平野 智紀¹、渡部 光一¹、田中 洋子³、宮野 悟³、松元 崇²、高松 大²、門司 恵介²、塙田 真己²、猪口 淳一²、牧島 秀樹¹、江藤 正俊²、小川 誠司¹ (¹京都大学大学院医学研究科 腫瘍生物学講座、²九州大学大学院医学研究院 泌尿器科学分野、³東京医科歯科大学 M&D データ科学センター)

J-1040 A diffuse-type dominant, alcohol-associated, and East Asian ancestry-enriched mutational signature in gastric cancers

Yasushi Totoki¹, Hiromi Nakamura¹, Natsuko Hama¹, Mihoko Adachi¹, Hirofumi Rokutan^{1,2}, Akihiro Suzuki³, Yasuhito Arai¹, Fumie Hosoda¹, Kenji Tatsuno⁴, Shumpei Ishikawa⁵, Hiroyuki Aburatani⁶, Tatsuhiro Shibata^{1,6} (¹Div. Cancer Genomics, Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dept. Pathol., Grad. Sch. Med., The Univ. of Tokyo, ³Dept. Clin. Cancer Genomics, Yokohama City Univ. Hosp., ⁴Genome Sci., RCAST, Univ. of Tokyo, ⁵Dept. Prev. Med., Univ. of Tokyo, ⁶Lab. Mol. Ned., IMSUT)

東アジア系のびまん型胃がんに多い飲酒と関連する変異シグネチャー
 十時 泰¹、中村 浩美¹、濱 奈津子¹、足立 美保子¹、六反 啓文^{1,2}、鈴木 章浩³、新井 康仁¹、細田 文恵¹、辰野 健二⁴、石川 俊平⁵、油谷 浩幸⁴、柴田 龍弘^{1,6} (¹国立がん研セ・研・がんゲノミクス、²東京大・院医・人体病理学・病理診断学、³横浜市大・附属病院・がんゲノム診断科、⁴東京大・先端研・ゲノムサイエンス、⁵東京大・医・衛生、⁶東京大・医科研・ゲノム医科学分野)

J-1041 Genomic analysis of non-cancerous gastric mucosa affected by Helicobacter pylori infection

Koki Chikugo¹, Nobuyuki Kakiuchi^{1,2,3}, Yasuhide Takeuchi⁴, Koichi Watanabe¹, Ryunosuke Saiki¹, Tomonori Hirano^{1,2}, Tomomi Nishimura¹, Hiroko Tanaka⁵, Satoru Miyano⁵, Shigeo Hisamori⁶, Shigeru Tsunoda⁶, Hiroshi Seno², Hironori Haga⁷, Kazutaka Obama⁸, Seishi Ogawa^{1,7,8} (¹Department of Pathology and Tumor Biology, Kyoto Univ., ²Department of Gastroenterology and Hepatology, Kyoto Univ., ³The Hakubi Center for Advanced Research, Kyoto Univ., ⁴Department of Diagnostic Pathology, Kyoto University Hospital, ⁵M&D Data Science Center, Tokyo Medical and Dental Univ., ⁶Department of Surgery, Graduate School of Medicine, Kyoto Univ., ⁷Institute for the Advanced Study of Human Biology, Kyoto Univ., ⁸Center for Hematology and Regenerative Medicine, Karolinska Institute)

Helicobacter pylori 感染の影響を受けた非癌部胃粘膜のゲノム解析

筑後 孝紀¹、垣内 伸之^{1,2,3}、竹内 康英⁴、渡部 光一¹、佐伯 龍之介¹、平野 智紀^{1,2}、西村 友美¹、田中 洋子⁵、宮野 悟¹、久森 重夫⁶、角田 茂⁶、妹尾 浩²、羽賀 博典⁴、小濱 和貴⁶、小川 誠司^{1,7,8} (¹京都大学 医学研究科 腫瘍生物学講座、²京都大学大学院医学研究科 消化器内科学、³京都大学 白眉センター、⁴京都大学医学部附属病院 病理診断科、⁵東京医科歯科大学 M&D データ科学センター、⁶京都大学医学部附属病院 消化管外科、⁷京都大学高等研究院ヒト生物学高等研究拠点、⁸カロリンスカ研究所血液学再生医療センター)

J-1042 Subclonal immune escape evolution in microsatellite instability-high colorectal cancers.

Koshi Mimori¹, Yuta Kobayashi², Atsushi Niida³, Kazuki Takahashi³, Satoshi Nagayama⁴, Takaaki Masuda¹ (¹Kyushu Univ. Beppu Hosp., ²Dept. Gastroenterological Surg., Grad. Sch. Med., Osaka Univ., ³Human Genome Ctr., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, ⁴Dept. Surg., Uji-Tokushukai Med. Ctr.)

MSI-H 大腸がんの免疫回避にむけたゲノム進化機構

三森 功士¹、小林 雄太²、新井田 厚司³、高橋 数冴³、長山 聰⁴、増田 隆明¹ (¹九州大学病院別府病院外科、²大阪大学・消化器外科、³東京大学医科学研究所、⁴宇治德州会病院外科)

Japanese Oral Sessions

Room 7 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55 J

J16 Development of novel therapeutics
新規治療開発Chairperson: Mitsutoshi Nakada (Dept of Neurosurgery, Kanazawa University)
座長：中田 光俊（金沢大・医・脳神経外科）**J-1043 A new strategy for ATL treatment targeting GSK-3β**Naoki Mori¹, Chie Ishikawa^{1,2} (¹Dept. Microbiol. Oncol., Grad. Sch. Med., Univ. Ryukyu, ²Transdisciplinary Res. Organ. Subtrop. Isl. Stud., Univ. Ryukyu)**GSK-3β を標的とした ATL 治療の新たな戦略**森 直樹¹、石川 千恵^{1,2}（琉球大・院医・微生物学・腫瘍学、²琉球大・亞熱帯島嶼科学超域研究推進機構）**J-1044 RAS-signaling inhibitors that allosterically disrupt effector conformation and inhibit growth of RAS-driven cancers**Yoko Yoshikawa¹, Yoshiteru Makino¹, Hirokazu Kubota², Shigeyuki Matsumoto³, Hitomi Yuki³, Teruki Honma³, Hiroo Koyama², Fumi Shima¹ (¹Kobe University Graduate School of Science, Technology and Innovation, ²RIKEN Center for Sustainable Resource Science, ³RIKEN Center for Biosystems Dynamics Research, ⁴Kyoto University Graduate School of Medicine)**新規 RAS シグナル阻害剤：標的分子の構造をアロステリックに破壊し、広範な RAS 駆動型がんの増殖阻害を示す薬剤の開発**吉川 陽子¹、横野 義輝¹、窪田 浩一²、松本 篤幸⁴、幸 瞳³、本間 光 貢³、小山 裕雄²、島 扶美¹（神戸大学 科学技術イノベーション研究科・理化学研究所 環境資源科学研究センター、³理化学研究所 生命機能科学研究センター、⁴京都大学大学院 医学研究科）**J-1045 Regulation and function of BRD8, a subunit of the TIP60 HAT complex, in colorectal cancer cells**Kiyoshi Yamaguchi¹, Saya Nakagawa¹, Yuya Okawara¹, Kiyoko Takane¹, Tsuneo Ikenoue¹, Hiroko Hata², Masaki Oyama², Satoru Nagatoishi³, Kouhei Tsumoto³, Susumu Aikou⁴, Dai Shida⁴, Rui Yamaguchi⁵, Satoru Miyano⁶, Seiya Imoto⁷, Yoichi Furukawa¹ (¹Div. Clin. Genome Res., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, ²Med. Proteomics Lab., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, ³Dept. Bioeng., Sch. Eng., Univ. Tokyo, ⁴Div. Front. Surg., Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, ⁵Div. Cancer Systems Biol., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst., ⁶M&D Data Sci. Ctr., Tokyo Med. Dent. Univ., ⁷Div. Health Med. Intelligence, Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo)**大腸がんにおける TIP60 複合体構成因子 BRD8 の制御と機能**山口 貴世志¹、中川 沙弥¹、大河原 悠哉¹、高根 希世子¹、池上 恒雄¹、秦 裕子²、尾山 大明²、長門石 曜³、津本 浩平³、愛甲 丞⁴、志田 大⁴、山口 類⁵、宮野 悟⁶、井元 清哉⁷、古川 洋一¹（¹東京大・医科研・臨床ゲノム、²東京大・医科研・疾患プロトオミクス、³東京大・工・バイオエンジニアリング、⁴東京大・医科研・フロンティア外科、⁵愛知県がんセ・研・システム解析、⁶東京医歯大・M&D データ科学セ、⁷東京大・医科研・健康医療インテリジェンス）**J-1046 Enhancement of anti-tumor effect of antibody-drug conjugate in combination with nobiletin and other PMFs**Tomoya Masuoka¹, Takumi Iwasawa¹, Takayuki Yonezawa², Akio Watanabe³, Jetae Woo³, Kazunori Kato¹ (¹Grad. Sch. Sci. Eng., Toyo Univ., ²Grad. Sch. Biotech., Chubu Univ., ³Jumonji Univ.)**Nobiletin と新規 PMF による抗体薬物複合体の抗腫瘍増強効果**増岡 知也¹、岩澤 阜弥¹、米澤 貴之²、渡辺 章夫³、禹 済泰²、加藤 和則¹（東洋大院・理工、²中部大院応用生物、³十文字学園女子大学）**J-1047 Novel AMPK activators inhibiting mitochondrial complex I that attack glioblastoma, and colon/lung cancer**Susumu Nakata¹, Naoto Kojima² (Kyoto Pharm. University, Dept. of Clin. Oncology, ²Nagasaki International University, Faculty of Pharm. Sci.)**芽胞腫、大腸がん、肺がん等に有効性を示すミトコンドリア複合体I阻害を介した新規 AMPK 活性化剤**中田 晋¹、小島 直人²（京都薬科大学 臨床腫瘍学分野、²長崎国際大学 薬学部）**J-1048 Dual inhibition of SUMOylation and MEK for MYC-expressing KRAS mutant cancers**

Hiroshi Kotani, Seiji Yano (Cancer Research Institute of Kanazawa University, Division of Medical Oncology)

MYC 発現型 KRAS 変異がんに対する SUMO 化と MEK の二重阻害

小谷 浩、矢野 聖二（金沢大学がん進展制御研究所・腫瘍内科分野）

Room 7 Sep. 21 (Thu.) 14:55-16:10 J

J13 Regulation of cancer cells and tumor microenvironment by cytokines
サイトカインによるがん細胞と微小環境の制御Chairperson: Ryuichi Sakai (Dept. Biochem., Kitasato Univ. Sch. Med.)
座長：堺 隆一（北里大・医・生化）**J-1049 The secretion and enzymatic activity of SOD3 is regulated by core fucosylation in non-small lung cancer cells**Yuki Ohkawa¹, Masato Kitano^{1,2}, Kento Maeda¹, Miyako Nakano³, Noriko Kanto¹, Yasuhiko Kizuka⁴, Masahiro Seike⁵, Arata Azuma⁶, Yoshiaki Yamaguchi⁶, Tomomi Ookawara⁷, Eiji Miyoshi⁷, Naoyuki Taniguchi¹ (¹Dept. Glyco-Oncology and Medical Biochemistry, OICI, ²Dept. Mol. Biochem., Grad. Sch. of Med., Osaka Univ., ³Grad. Sch. of Integrated Sci. for Life, Hiroshima Univ., ⁴iGCORE, Gifu Univ., ⁵Dept. Pulmonary Med. and Oncology, Nippon Medical School, ⁶Dev. of Structural Glycobiology, Tohoku Medical and Pharm. Univ., ⁷Labo. of Biochem., Sch. of Pharmacy, Hyogo Medical Univ.)**コアフコース糖鎖が SOD3 の分泌と酵素活性を制御する**大川 祐樹¹、北野 真郷^{1,2}、前田 賢人¹、中の 三弥子³、貴戸 紀子¹、木塚 康彦⁴、清家 正博⁵、吾妻 安良太⁵、山口 芳樹⁶、大河原 知水⁷、三善 英知²、谷口 直之¹（大阪国際がんセ・糖鎖オンコロジー部、²阪大・医学系研究科・分子生化学、³広島大・大学院統合生命科学研究所、⁴岐阜大・iGCORE・糖鎖生化学、⁵日本医大・医学研究科・呼吸器内科、⁶東北医科薬科大・糖鎖構造生物学、⁷兵庫医科大学・大学院薬学研究科・医療薬学）**J-1050 Endothelial mesenchymal transition (EndoMT) reporter cells visualized stepwise transition of TGF-β-induced EndoMT**Kazuki Takahashi¹, Katsumata Hisae², Miho Kobayashi², Shiori Tokizaki², Yukinori Ikeda¹, Kentaro Maeda⁴, Katarzyna A. Inoue², Yukiko Matsunaga¹, Yasuhiro Yoshimatsu^{4,5}, Tetsuro Watabé^{2,4} (¹Inst. Ind. Sci., The Univ. of Tokyo, ²Dept. Biochem., Grad. Sch. Med. Dent., Tokyo Med. & Dent. Univ., ³Dept. Oral & Maxill. Surg. Onc., Tokyo Med. & Dent. Univ., ⁴Lab. of Onc., Tokyo Univ. of Pharm. Life Sci., ⁵Div. Pharmacol., Grad. Sch. Med. Dent., Niigata Univ.)**TGF-β による内皮間葉移行(EndoMT)の段階的遷移を EndoMT レポーター内皮細胞は可視化した**高橋 和樹¹、勝又 寿枝²、小林 美穂²、時崎 詩織^{2,3}、池田 行徳¹、前田 健太郎⁴、井上 カタジナアン²、松永 行子¹、吉松 康裕^{4,5}、渡部 徹郎^{2,4}（東大・生研、²東医歯大・院医歯・病態生化学、³東医歯大・院医歯・顎口腔腫瘍外科、⁴東薬大・院生命・腫瘍医科学、⁵新潟大・院・薬理学）**J-1051 Proximity extracellular protein-protein interaction analysis of EGFR using AirID-conjugated antibody, EGFR-FabID**

Kohdai Yamada, Tatsuya Sawasaki (PROS Ehime Univ.)

近接ビオチン化酵素 AirID 融合 EGFR 認識抗体(EGFR-FabID)による EGFR 細胞外相互作用タンパク質の網羅的な解析

山田 航大、澤崎 達也（愛媛大学 PROS 無細胞生命科学部門）

J-1052 Hypoxia-induced downregulation of sST2 in CRC cells: its molecular mechanisms and role in tumor growth and metastasisMiho Akimoto¹, Noriyuki Okudaira¹, Nobuko Koshikawa², Keizo Takenaga², Mimi Adachi¹ (¹Dept. Biochem., Teikyo Univ. Sch. of Med., ²Lab. Innov. Cancer Ther., Chiba Cancer Ctr. Res. Inst.)**大腸がん細胞における低酸素誘導 sST2 発現低下の分子メカニズムと腫瘍増殖と転移における役割の解析**秋元 美穂¹、奥平 准之¹、越川 信子²、竹永 啓三²、安達（玉盛） 三美¹（帝京大・医・生化、²千葉がんセ・研・がん先進）**J-1053 CCL28 enhances antitumor effects of CTLs by promoting indirect eosinophil infiltration in murine melanoma**Kazuhiko Matsuo¹, Shinya Yamamoto¹, Akihisa Nishida¹, Mako Yamasaki¹, Yuichiro Kaibori², Daisuke Nagakubo², Yuta Hara¹, Takashi Nakayama¹ (¹Div. Chemother., Kindai Univ. Fac. Pharm., ²Div. Health Hygienic Sci., Fac. Pharm. Sci., Himeji Dokkyo Univ.)**ケモカイン CCL28 は好酸球の CCL11-CCR3 系を介した遊走を促進することでマウスマネローマに対する CD8 陽性 CTL 応答を増強する**松尾 一彦¹、山本 真也¹、西田 晃尚¹、山崎 真子¹、海堀 祐一郎²、長久保 大輔²、原 雄大¹、中山 隆志¹（近畿大薬・化学療法学、²姫路独協大薬・衛生化学）

International Sessions

E

Room 8 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

IS3

The comprehensive understanding of cancer genome by integrated whole genome sequencing and epigenome analyses using new technologies
全ゲノム解析と新技術エピゲノム解析による包括的ながんゲノムの解明

Chairpersons: Tatsuhiko Shibata (The Inst. of medical science)
Dr.Bin Tean Teh (Natl. Cancer Ctr. Singapore)

座長：柴田 龍弘（東京大・医研・ゲノム医科学分野）
Dr.Bin Tean Teh (Natl. Cancer Ctr. Singapore)

The Whole Cancer Genome Sequencing Project initiated in Japan has led to the accumulation of large-scale whole-genome data. However, to elucidate mutations and structural abnormalities in non-coding regions, which are expected to be newly discovered by whole-genome analysis, it is essential to understand functional genomic regions such as enhancers, transcriptional regulators, and long non-coding RNAs. Methods such as ChIP-seq and ATACseq, which assess chromatin status, have been incorporated into clinical samples, and the epigenomic status of the entire cancer genome is being clarified through allele-specific methylation analysis by long-read analysis and full-length transcriptome sequencing. In this session, we will focus on new research areas that integrate epigenomic and whole-genome analysis technologies, which are currently advancing rapidly, and invite international researchers, including young scientists, to present their latest research results and discuss the prospects for new cancer genome research starting from whole-genome data.

IS3-1 Patterns of structural alterations by whole cancer genome sequencing

Tatsuhiko Shibata^{1,2} (Lab. of Molecular Medicine. IMSUT, ²Div. Cancer Genomics, NCCRI)

全ゲノム解析による染色体構造異常パターン

柴田 龍弘^{1,2}（東京大学・医研・ゲノム医科学分野、²国立がん研
究所・がんゲノミクス）

IS3-2 Unravelling the biology of transcoelomic metastases through multi-omic profiling

Raghav Sundar¹, Joseph Zhao¹, Johnny Ong³, Daryl Chia^{1,2}, Qingfeng Chen⁴, Jeffrey Lum¹, Jimmy So^{1,2,3}, Patrick Tan^{2,3,4} (¹National University Cancer Institute, Singapore, ²Yong Loo Lin School of Medicine, National University of Singapore, ³Singapore Gastric Cancer Consortium, Singapore, ⁴Agency for Science, Technology and Research (A*STAR), Singapore)

IS3-3 Long-read DNA methylation analysis of whole cancer genomes using a nanopore sequencing

Genta Nagae, Hiroyuki Aburatani (Genome Sci. Med., Res. Cent. Adv. Sci. Tech., Univ. Tokyo)

ナノポアシーケンサーを用いた癌ゲノムの長鎖DNAメチル化解析
永江 玄太、油谷 浩幸（東京大・先端研・ゲノムサイエンス）

IS3-4 Integrated multi-omics analysis using WGS, ChIP-seq, and RNA-seq data for pan-negative lung adenocarcinoma

Ken Asada^{1,2}, Syuzo Kaneko³, Ken Takasawa^{1,2}, Kouya Shiraishi³, Hidehito Horinouchi⁴, Hiroyuki Yoshida³, Masami Mukai⁵, Norio Shinkai^{1,2}, Yasushi Yatabe⁷, Takashi Kohno³, Ryuji Hamamoto^{1,2,8} (¹Cancer Transl. Res. Team, RIKEN Ctr. for AIP project, ²Div. Medical AI Res. Dev., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³Div. Genome Biol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ⁴Dept. Thoracic Oncol., Natl. Cancer Ctr., Hosp., ⁵Dept. Thoracic Surg., Natl. Cancer Ctr., Hosp., ⁶Div. Medical Info., Natl. Cancer Ctr., Hosp. Dept., ⁷NCC Cancer Sci., Tokyo Med. Dent. Univ., ⁸Dept. Diagnostic Pathol., Natl. Cancer Ctr. Hosp.)

全ゲノム・エピゲノム・トランスクリプトームデータを利用した肺がん pan-negative 症例の統合的マルチオミックス解析

浅田 健^{1,2}、金子 修三²、高澤 建^{1,2}、白石 航也³、堀之内 秀仁⁴、吉田 幸弘⁵、向井 まさみ⁶、新海 典夫^{1,2}、谷田部 恭⁷、河野 隆志³、浜本 隆二^{1,2,8}（理研・AIPセ・がん探索医療研究チーム、²国立がん研セ・研・ゲノム生物、⁴国立がん研セ・中央病院・呼吸器内科、⁵国立がん研セ・中央病院・医療情報、⁷東京医歯大・NCC腫瘍医科学、⁸国立がん研セ・中央病院・病理診断科）

IS3-5 Epigenetic Impact of Truncal Mutations in Clear Cell Renal Cell Carcinoma

Bin T. Teh^{1,2} (¹National Cancer Centre Singapore, Singapore, ²Duke-NUS Medical School, Singapore)

IS3-6 Epigenetic reprogramming in anti-cancer drug resistance

Jing Tan (Sun Yat-sen University Cancer Center)

J-1054 Inhibition of TGF-β signaling suppresses tumorigenesis by regulating tumor microenvironment networks

Shiori Tokizaki^{1,2}, Katazyna A. Inoue², Kazuki Takahashi^{1,3}, Miho Kobayashi², Takehisa Matsumoto⁴, Mikako Shirouzu⁴, Shizuka Uchida⁵, Sadahiro Iwabuchi⁶, Shinichi Hashimoto⁶, Hiroyuki Harada¹, Kohei Miyazono^{1,8}, Tetsuro Watabe² (¹TMDU, Grad. Sch. Med. Dent. Sci., Oral and Maxillofacial Surgery, ²TMDU, Grad. Sch. Med. Dent. Sci., Biochemistry, ³Inst. Ind. Sci., The Univ. of Tokyo, ⁴RIKEN Ctr. for Biosystems Dynamics Res., ⁵Aalborg Univ., Ctr. For RNA Med., Dept. of Clin. Med., ⁶Wakayama Med. Univ., Dept. of Mol. Pathol., ⁷The Univ. of Tokyo, Grad. Sch. Med., Dept. Applied Pathol., ⁸RIKEN Ctr. for Integrative Med. Sci.)

TGF-β シグナルの阻害はがん微小環境ネットワークを制御することで腫瘍形成を抑制する

時崎 詩織^{1,2}、井上 カタジナアンナ²、高橋 和樹^{2,3}、小林 美穂²、松本 武久⁴、白水 美香子⁴、内田 靖哉⁵、岩淵 穎弘⁶、橋本 真一⁶、原田 浩之¹、宮園 浩平^{7,8}、渡部 徹郎²（東京医歯大・医歯総・顎口腔、²東京医歯大・医歯総・病態生化、³東大・生研、⁴理化学研究所・生命機能科学セ、⁵オールボーダー大学・RNA 医療セ、⁶和歌山医大・先端医学・分子病態解析、⁷東京大学・院医・応用病理学、⁸理化学研究所・生命医学セ）

English Oral Sessions

Room 9 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55

E12-1 Immune system in cancer
がんにおける免疫機構の働きChairperson: Yoshiki Akatsuka (Dep. Immunol., Nagoya Univ. Grad. Sch. Med.)
座長: 赤塚 美樹 (名古屋大・医・分子細胞免疫学)**E-1055 The roles of immune cells derived from clonal hematopoiesis in colorectal liver metastasis**Tran B. Nguyen¹, Yuan J. Duan³, Ainhau T. Le³, Yen T. Nguyen², Mizuho Nakayama⁴, Masanobu Oshima⁴, Yuya Sasaki^{1,2}, Tatsuhiro Sakamoto^{1,2}, Manabu Fujisawa¹, Shigeru Chiba^{1,2}, Mamiko Sakatayanagimoto^{1,2} (¹Dept. of Hematology, Faculty of Med., Univ. of Tsukuba, Japan, ²Dept. of Hematology, Univ. of Tsukuba Hosp., Japan, ³Grad. Sch. of Comprehensive Human Sci., Univ. of Tsukuba, Japan, ⁴Div. of Genetics, Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ., Kanazawa, Japan)**E-1056 Myeloid-intrinsic cell cycle-related kinase drives immunosuppression to promote tumorigenesis**

Jingying Zhou, Huanyu Wang, Alfred Cheng (School of Biomedical Sciences, The Chinese University of Hong Kong)

E-1057 Monocytic MDSCs promote the development of fibrosis-associated hepatocellular carcinoma by inducing PPP1R15AXiaoyu Liu^{1,2}, Xiaoyu Liu^{1,2}, Man Liu³, Haoran Wu¹, Wenshu Tang¹, Thomas T. Chan¹, Lingyun Zhang¹, Shufen Chen¹, Joseph J. Sung^{4,5}, Jingying Zhou¹, Alfred S. Cheng¹ (¹School of Biomedical Sciences, CUHK, Hong Kong, China, ²Chongqing Cancer Hospital, Chongqing University, Chongqing, China, ³The First Affiliated Hospital, Sun Yat-Sen University, Guangzhou, China, ⁴Lee Kong Chian School of Medicine, Nanyang Technological University, Singapore, ⁵State Key Laboratory of Digestive Disease, CUHK, Hong Kong, China.)**E-1058 Peripheral blood immunoprofiling reveals five distinct immunotypes with implications for cancer immunotherapy selection**

Nathan Fowler, Alexander Bagaev, Daniiar Dyikanov, Iris Wang, Tatiana Vasileva, Polina Turova, Arseniy Sokolov, Olga Golubeva, Evgenii Tikhonov, Anna Kamysheva, Ilya Krauz, Linda Balabanian, Ravshan Attaullakhhanov, Aleksandr Zaitsev, Michael F. Goldberg (BostonGene, Corp.)

E-1059 Comprehensive analysis of MR1-restricted TCR derived from tumor infiltrating lymphocytes of breast cancer patientsAbdul Hayee¹, Eiji Kobayashi¹, Hiroshi Hamana³, Satoshi Yamaguchi^{1,2}, Ha T. Vietmy¹, Tatsuhiko Ozawa¹, Hiroyuki Kishi¹ (¹Dept. of Immunol., Univ. of Toyama, ²Dept. of 1st Internal Med., Univ. of Toyama, ³Thyas Co., Ltd., Kyoto, Japan)**E-1060 Targeting tumor immunosuppressive myeloid cells in mouse Pten-null prostate cancer**Hirotugu Uemura¹, Yurie Kura², Kazutoshi Fujita¹, Kazuko Sakai², Alwin Schuller³, Kris F. Sachsenmeier³, Masahiro Nozawa¹, Kazuhiro Yoshimura¹, Kazuto Nishio², Marco A. Develasco² (¹Dept. of Urol. Kindai Univ. Faculty of Med., ²Dept. of Genome Biol. Kindai Univ. Faculty of Med., ³Oncology R&D, AstraZeneca, Waltham, USA)

前立腺癌マウスにおける腫瘍浸潤ミエロイド細胞について

植村 天受¹、倉由吏恵²、藤田 和利¹、坂井 和子²、シュラー アルウイン³、サッハセンマイアーフクリス³、野澤 昌弘¹、吉村 一宏¹、西尾 和人²、デベラスコ マルコ² (¹近畿大学医学部泌尿器科学教室、²近畿大学医学部ゲノム生物学教室、³アストラゼネカ)**English Oral Sessions**

Room 9 Sep. 21 (Thu.) 14:55-16:10

E12-2 Novel cancer immunotherapeutics
がん免疫療法の新規開発Chairperson: Keisuke Watanabe (Div. Cancer Immunology, National Cancer Center)
座長: 渡邊 慶介 (国立がん研究センター 研究所 腫瘍免疫研究分野)**E-1061 A circular mRNA pipeline toward GPC2-specific monoclonal antibodies**Chatbenja Pakiranay¹, Chatbenja Pakiranay¹, Nopporn Jongkamonwiwat², Nitat Sookrung³, Suradej Hongeng⁴, Patompon Wongtrakoongate^{1,5} (¹Dept. of Biochem., Fac. of Sci., Mahidol Univ., ²Dept. of Anat., Fac. of Sci., Mahidol Univ., ³Dept. of Parasitol., Fac. of Med. Siriraj Hosp., Mahidol Univ., ⁴Dept. of Pediatrics, Fac. of Med. Ramathibodi Hosp., Mahidol Univ., ⁵Ctr. for Neurosci., Fac. of Sci., Mahidol Univ.)**E-1062 Role of homeostatic MHC class I recognition in regulating anti-tumor effector function of mature NK cell**

Ka He, Yui Yamamae, Soichiro Sasaki, Yoshihiro Hayakawa (Inst. of Natural Med., Univ. of Toyama)

E-1063 Preclinical evaluation of macrophage-targeted immunotherapy in vivo using a humanized mouse modelYasuyuki Saito¹, Tania Afroz², Ric Iida¹, Satomi Komori², Tomoko Takai², Okechi Oduori², Takenori Kotani¹, Yuichiro Koma³, Yoji Murata¹, Hiroshi Yokozaki³, Takashi Matozaki^{1,2} (¹Div. Cell. Mol. Signal., Kobe Univ. Grad. Sch. Med., ²Div. Biosignal Reg., Kobe Univ. Grad. Sch. Med., ³Dept. Pathology., Kobe Univ. Grad. Sch.)

マクロファージを標的とした免疫療法のヒト化マウスを用いたin vivo 前臨床評価モデルの確立

齊藤 泰之¹、アフロズ タニア²、飯田 理惠¹、小森 里美²、高井 智子²、オドウオリ オケチ²、小谷 武徳¹、泊 雄一郎³、村田 陽二¹、横崎 宏³、的崎 尚^{1,2} (¹神戸大・院医・シグナル統合学、²神戸大・院医・生体シグナル制御学、³神戸大・院医・病理学)**E-1064 Microglial immune response for brain metastasis associating with annexin A13**Misuzu Horikoshi¹, Takahiro Tsuji¹, Mariko Shindo^{1,2}, Rahadian Y. Hartantyo¹, Daisuke Kato¹, Hiroaki Wake^{1,2} (¹Dept. Anat. Mol. Cell Biol., Grad. Sch. Med., Nagoya Univ., ²Div. Multicellular Circuit Dynamics, Natl. Inst. Physiol. Sci., Okazaki, Japan)

アネキシン A13 が関与する転移性脳腫瘍へのミクログリア免疫応答

堀越 水涼¹、辻 貴宏¹、進藤 麻理子^{1,2}、Rahadian Y. Hartantyo¹、加藤 大輔¹、和氣 弘明^{1,2} (¹名古屋大学大学院医学系研究科 分子細胞学、²生理学研究所 多細胞回路動態研究部門)**E-1065 Targeting redox regulation system and neutrophils within tumor microenvironment**

Minoru Inoue, Genki Sato, Michio Yoshimura, Takashi Mizowaki (Dept. Radiat. Oncol., Grad. Sch. Med., Kyoto Univ.)

腫瘍微小環境におけるレドックス制御機構と好中球を標的としたがん治療の可能性

井上 実、佐藤 玄基、吉村 通央、溝脇 尚志 (京都大・院医・放射線腫瘍学)

E-1066 CD69 controls differentiation of tumor-specific CD8T cells in tumor-draining lymph nodes

Ryo Nasu, Yangsong Wang, Yukihiro Endo, Ichita Hasegawa, Yukiyoshi Mita, Shinichiro Motohashi, Toshinori Nakayama, Motoko Kimura (Grad. Sch. Med., Chiba Univ.)

CD69 は所属リンパ節内において腫瘍特異的 CD8T 細胞の分化を制御する

那須 亮、ワン ヤンソン、遠藤 将大、長谷川 一太、三田 恭義、本橋 新一郎、中山 俊憲、木村 元子 (千葉大・院医)

English Oral Sessions

- Room 10 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55 E
- E11-1 Cancer metabolism (1)
がんと代謝 (1)**
- Chairperson: Nobuhiro Tanuma (Div. Cancer Chemother., Miyagi Cancer Ctr. Res. Inst.)
座長：田沼 延公（宮城がんセ・研・がん薬物療法）
- E-1067 HSPB1 promotes cell proliferation by regulating the LLGL2-SLC7A5 complex formation in ER+ breast cancer
Yasuhiro Saito, Yukako Suzuki, Tomoyoshi Soga (Inst. Adv. Biosci., Keio Univ.)**
ER陽性乳がん細胞においてHSPB1はLLGL2-SLC7A5複合体形成を介して細胞増殖を促進する
齊藤 康弘、鈴木 結香子、曾我 朋義（慶大・先端研）
- E-1068 Loss of Fe-S cluster biosynthesis causes senescence-like growth arrest in ovarian cancer cells
Shuko Miyahara^{1,2}, Miyuki Nomura¹, Youji Yamashita¹, Nobuhiro Tanuma¹ (¹Div. of Cancer Chemother., Miyagi Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dept. of Gynecol., Tohoku Univ. Grad. Sch. of Med.)**
鉄硫クラスター生合成欠損が卵巣癌細胞株にもたらす、細胞老化様の増殖停止
宮原 周子^{1,2}、野村 美有樹¹、山下 洋二¹、田沼 延公¹（宮城がんセ・研・がん薬物療法、²東北大・院・医・婦人科）
- E-1069 Inadequate catabolism of mannose causes dNTP loss and genomic instability
Yoichiro Harada¹, Yu Mizote², Takehiro Suzuki³, Akiyoshi Hirayama^{4,5}, Mikako Nishida⁶, Toru Hiratsuka⁷, Yusuke Imagawa⁷, Kento Maeda¹, Junko Mura^{4,8,9}, Eiji Miyoshi¹⁰, Shigeki Higashiyama^{4,8,9}, Heiichiro Udon⁶, Naoshi Dohmae³, Hideaki Tahara², Naoyuki Taniguchi¹ (¹Dept. Glyco-Oncol. & Med. Biochem., Osaka Intl. Cancer Inst., ²Dept. Cancer Drug Discov. & Dev., Osaka Intl. Cancer Inst., ³Biomol. Charact. U., RIKEN CSRS., ⁴Inst. Adv. Biosci., Keio Univ., ⁵Grad. Sch. Media & Governance, Keio Univ., ⁶Dept. Immunol., Okayama Univ. Grad. Sch. Med., Dent. Pharm. Sci., ⁷Dept. Oncogenesis & Growth Reg., Osaka Intl. Cancer Inst., ⁸Div. Cell Growth & Tumor Reg., Proteo-Sci. Ctr., Ehime Univ., ⁹Dept. Biochem. & Mol. Genet., Grad. Sch. Med., Ehime Univ., ¹⁰Dept. Mol. Biochem. & Clin. Invest., Grad. Sch. Med., Osaka Univ.)**
マンノースの代謝不全はdNTPの枯渇とゲノム不安定化を引き起す
原田 陽一郎¹、溝手 雄²、鈴木 健裕³、平山 明由^{4,5}、西田 充香子⁶、平塚 徹⁷、今川 佑介⁷、前田 賢人¹、村井 純子^{4,8,9}、三善 英知¹⁰、東山 繁樹^{7,8,9}、鶴殿 平一郎⁶、堂前 直¹、田原 秀晃²、谷口 直之¹（大阪国際がんセ・糖鎖オンコロジー、²大阪国際がんセ・がん創薬、³理研CSRS、生命分子解析U、⁴慶大・先端生命研、⁵慶大・政策・メディア研究科、⁶岡山大・院医歯薬総合・免疫学、⁷大阪国際がんセ・腫瘍増殖制御学、⁸愛媛大プロテオセ・細胞増殖・腫瘍増殖制御、⁹愛媛大・院医、生化学・分子遺伝学、¹⁰大阪大・院医、生体病態情報科学）
- E-1070 Mechanism of immuno-metabolism within tumor microenvironments
Tsuyoshi Osawa (Nutriomics Onc., RCAST, Univ. of Tokyo)**
腫瘍微小環境における免疫代謝適応システムを介したがん悪性化機構
大澤 育（東大・先端研・ニュートリオミクス腫瘍）
- E-1071 The mechanism of mitochondrial dynamics regulation via PIPs
Sho Aki, Keisuke Maeda, Ryuichi Nakahara, Rika Tsuchida, Tsuyoshi Osawa (Div. of Integrative Nutriomics and Oncology, The Univ. of Tokyo)**
PIPsを介したミトコンドリアダイナミクス制御の新機構
安藝 翔、前田 啓介、中原 龍一、土田 里香、大澤 育（東大先端研・ニュートリオミクス・腫瘍学）
- E-1072 Activated branched-chain amino acid metabolism regulates the aggressive nature in human triple negative breast cancer
Kenkyo Matsuura¹, Kanon Kondo^{1,2}, Itsuki Kuroda^{1,2}, Takato Nakano^{1,2}, Ririko Shinonaga^{1,2}, Mizuki Yamamoto³, Junichiro Inoue³, Hiromi Imamura⁴, Ayuna Hattori¹, Takahiro Ito¹ (¹Inst. Life Med. Sci., Kyoto Univ., ²Grad. Sch. Pharm. Sci., Kyoto Univ., ³Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, ⁴Grad. Sch. Biostudies, Kyoto Univ.)**
分岐鎖アミノ酸代謝によるトリプルネガティブ乳がんの制御
松浦 顕教¹、近藤 欽音^{1,2}、黒田 逸月^{1,2}、中野 隆斗^{1,2}、篠原 りりこ^{1,2}、山本 瑞生³、井上 純一郎³、今村 博臣⁴、服部 鮎奈¹、伊藤 貴浩¹（京大 医生研、²京大 院薬、³東大 医科研、⁴京大 院生命）

Japanese Oral Sessions

- Room 10 Sep. 21 (Thu.) 14:55-16:10 J
- J11-1 Cancer metabolism (2)
がんと代謝 (2)**
- Chairperson: Hideaki Ogjwara (Div. Cancer Therapeutics, NCCRI)
座長：荻原 秀明（国がん・研究所・がん治療学）
- J-1055 HSPB1 promotes the LLGL2-SLC7A5 complex formation by nutrient-stress mediated phosphorylation in ER+ breast cancer
Yukako Suzuki, Tomoyoshi Soga, Yasuhiro Saito (Inst. Adv. Biosci., Keio Univ.)**
ER陽性乳がん細胞において栄養ストレス依存的なHSPB1のリン酸化はLLGL2-SLC7A5複合体形成を促進する
鈴木 結香子、曾我 朋義、齊藤 康弘（慶大・先端研）
- J-1056 FAXC promotes tumor development in cholangiocarcinoma
Haruna Fujimori¹, Shinichiro Kanno², Rie Takahashi¹, Mai Mochizuki¹, Norihisa Shindo³, Kazunori Yamaguchi³, Jun Yasuda³, Keiichi Tamai¹ (¹Div. Cancer Stem Cell, Miyagi Cancer Ctr. Res. Inst., ²Dept. of Mol. Path., IDAC, Tohoku Univ., ³Div. Mol. & Cell. Oncol., Miyagi Cancer Ctr. Res. Inst.)**
FAXCは胆管癌の腫瘍形成に寄与する
藤盛 春奈¹、菅野 新一郎²、高橋 莲恵¹、望月 麻衣¹、進藤 軌久³、山口 壱範³、安田 純³、玉井 恵一¹（宮城がんセ研・がん幹細胞、²東北大・加齢研・分子腫瘍学、³宮城がんセ研・発がん制御）
- J-1057 Tissue specificity of PTBP1-targeting microRNA-216b-5p and behavior during carcinogenesis
Shigenori Suzuki¹, Kohei Taniguchi², Yosuke Inomata¹, Tsuyoshi Tokumaru³, Jun Arima¹, Yuko Ito¹, Lee Sangwoong¹ (¹Osaka Med. & Pharm. Univ. Dept. of Surg., ²Translational Res. Program, Osaka Med. & Pharm. Univ., ³Dept. of Surg. Oncology, Grad School of Med. Gifu Univ.)**
PTBP1標的microRNA-216b-5pの組織特異性と発がん過程の挙動
鈴木 重徳¹、谷口 高平²、猪俣 陽介¹、徳丸 剛久³、有馬 純¹、伊藤 裕子¹、李 相雄¹（大阪医科大学 消化器外科、²大阪医科大学 TR部門、³岐阜大学 医学研究科 腫瘍外科）
- J-1058 Certain lipid molecules identified by metabolome analysis promotes the cell proliferation of epithelial ovarian cancer
Hitomi Mukaida, Kosuke Hiramatsu, Mariya Kobayashi, Yuji Kamei, Yoshikazu Nagase, Satoshi Nakagawa, Toshihiro Kimura, Yutaka Ueda, Tadashi Kimura (Osaka University)**
メタボローム解析で同定した脂質分子は上皮性卵巣癌の腫瘍増殖促進に関与する
向田 仁美、平松 宏祐、小林 まりや、亀井 裕史、永瀬 慶和、中川 慧、木村 敏啓、上田 豊、木村 正（大阪大学）
- J-1059 Proliferative Giant/Multi-Nucleated cancer cells promote tumor progression by cooperating with fibroblasts
Go Itoh¹, Masakazu Yashiro¹, Masamitsu Tanaka¹ (¹Dept. Mol. Med. & Biochem. Akita Univ. Grad. Medicine, ²Dept. Surg. Oncology, Osaka City Univ. Grad. Medicine)**
増殖性の巨核・多核癌細胞は線維芽細胞と協力して腫瘍の進行を促進する
伊藤 剛¹、八代 正和²、田中 正光¹（秋田大・医学系研究科・分子生化学、²大阪公立大・医学研究科・臨床医科学専攻）
- J-1060 Targeting 2-OG metabolism in RB1-SUCLA2 deficiency in advanced prostate cancer
Susumu Kohno, Chiaki Takahashi (Div. Oncol. Mol. Biol., Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ.)**
2-OG代謝を標的としたRB1-SUCLA2欠失前立腺がん治療法の確立
河野 晋、高橋 智聰（金沢大 がん研 腫瘍分子）

English Oral Sessions

Room 11 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55

E

E14-2

Breakthrough approaches deciphering carcinogenesis or progression of CRC
大腸発がんおよびがん進展を解明するブレイクスルー研究

Chairperson: Hiroya Taniguchi (Department of Clinical Oncology, Aichi Cancer Center Hospital)

座長: 谷口 浩也 (愛知県がんセンター 薬物療法部)

E-1073 Paneth-like cells originate from OLFM4+ stem cells and support the growth of these cells in advanced colorectal cancer

Satoshi Nagayama^{1,2}, Mizuho Sakahara², Takuwa Okamoto^{2,3}, Yutaka Suzuki⁴, Kazutaka Obama⁵, Ryoji Yao² (¹Dept. Surg., Uji-Tokusukai Medical Center, ²Dept. Cell Biol., Cancer Institute, JFCR, ³Dept. Surg., Graduate School of Medicine, Kyoto University, ⁴Dept. Computational Biology and Medical Sciences, Frontier Sciences, Tokyo Univ.)

大腸癌におけるPaneth様細胞はOLFM4陽性幹細胞から派生し、同細胞の増殖を支持する

長山 聰^{1,2}、坂原 瑞穂²、岡本 拓也^{2,3}、鈴木 穂⁴、小濱 和貴³、八尾 良司² (¹宇治徳洲会病院・外科、²がん研究会・細胞生物学部、³京都大学・消化管外科、⁴東京大学・新領域創成科学研究所)

E-1074 Genetic classification and risk stratification of colorectal cancer

Yoshikage Inoue^{1,2}, Nobuyuki Kakiuchi¹, Yasuhiro Nanya³, Kenichi Yoshida³, Yasuhide Takeuchi¹, Youichi Fujii³, Kenichi Chiba³, Yuichi Shiraishi³, Tetsuichi Yoshizato⁶, Youko Tanaka⁷, Satoshi Nagayama^{2,4}, Satoru Miyano⁷, Kazutaka Obama⁸, Seishi Ogawa¹ (¹Dept. Tumor Biology, Kyoto Univ., Sch. Med., ²Dept. GI Surg., Kyoto Univ., Sch. Med., ³C-CAT, National Cancer Ctr., ⁴Dept. GI Surg., Uji-Tokushukai Med. Ctr., ⁵Wellcome Sanger Inst., ⁶Karolinska Inst., ⁷M&D Data Science Ctr., TMD Univ., ⁸Dept. Hematology Oncology, Univ. Tokyo, Sch. Med., ⁹Dept. Urology, Univ. Tokyo, Sch. Med.)

大腸癌の分子分類および予後予測リスク分類

井上 善景^{1,2}、垣内 伸之¹、南谷 泰仁³、吉田 健一⁵、竹内 康英¹、藤井 陽一⁹、千葉 健一³、白石 友一³、吉里 哲一⁶、田中 洋子⁷、長山 聰^{2,4}、宮野 悟⁷、小濱 和貴²、小川 誠司¹ (¹京大・医・腫瘍生物学、²京大・医・消化管外科、³国立がん研究センター、⁴宇治徳洲会病院、⁵サンガード研究所、⁶カロリンスカ研究所、⁷東京医科歯科大、⁸東大・医・血液腫瘍内科、⁹東大・医・泌尿器科)

E-1075 MUC1-C is a master regulator of MICA/B NKG2D ligand and exosome secretion in human cancer cells

Yoshihiro Morimoto^{1,2}, Nami Yamashita², Tatsuaki Daimon², Naoki Haratake², Donald Kufe² (¹Kinan hospital, department of surgery, ²Department of Medical Oncology, Dana-Farber Cancer Institute)

MUC1-C は癌細胞において MICA/B の発現とエクソソームの分泌を制御する

森本 祥悠^{1,2}、山下 奈真²、大門 達明²、原武 直紀²、キーフ ドナルド² (¹紀南病院 外科、²ダナファーバー癌研究所)

E-1076 Regnase-1 inhibits colon tumor growth by regulating IL-17 signaling via degradation of Nfkbia mRNA

Eriko Iguchi, Atsushi Takai, Hiroshi Seno (Dept. Gastroenterol. & Hepatol., Grad. Sch. Med., Kyoto Univ.)

Regnase-1 は Nfkbia mRNA を分解し IL-17 signaling を制御することで大腸腫瘍の発育を抑制する

井口 恵里子、高井 淳、妹尾 浩 (京都大・消化器内科)

E-1077 The effect of cGAS-STING pathway on the infiltration of CD8+ T cells and clinical outcomes in pMMR/MSS colorectal cancer

Shotaro Nakajima^{1,2}, Akinao Kaneta³, Hirokazu Okayama², Tomohiro Kikuchi², Eisei Endo², Takuro Matsumoto³, Mei Sakuma³, Kosaku Mimura^{2,3}, Motonobu Saito², Zenichiro Saze², Wataru Sakamoto², Hisashi Onozawa², Tomoyuki Momma², Koji Kono^{1,2} (¹Dept. Multidisciplinary Treatment of Cancer and Regional Medical Support, FMU, ²Department of Gastrointestinal Tract Surgery, Fukushima Medical University, ³Department of Blood Transfusion and Transplantation Immunology, Fukushima Medical University)

腫瘍細胞内 cGAS-STING 経路が pMMR/MSS 大腸癌の CD8+T 細胞浸潤や予後に及ぼす影響

中嶋 正太郎^{1,2}、金田 晃尚²、岡山 洋和²、菊池 智宏²、遠藤 英成²、松本 拓朗²、佐久間 芽衣²、三村 耕作^{2,3}、齋藤 元伸²、佐瀬 善一郎²、坂本 渉²、小野澤 寿志²、門馬 智之²、河野 浩二^{1,2} (¹福島県立医科大学 癌集学的治療地域支援講座、²福島県立医科大学消化管外科学講座、³福島県立医科大学輸血・移植免疫学講座)

E-1078 ECM-niche dependent plasticity controls the acquisition of invasive phenotype in colorectal cancer

Nobuhiko Ogasawara¹, Yoshihito Kano², Sakurako Kobayashi¹, Satoshi Watanabe¹, Sakura Kirino¹, Ichiroh Onishi³, Shinichi Yamauchi⁴, Yui Hiraguri¹, Go Ito⁵, Mamoru Watanabe⁵, Yusuke Kinugasa⁴, Kenichi Ohashi⁶, Ryuichi Okamoto¹, Shiro Yui⁷ (¹Department of Gastroenterology and Hepatology, TMDU, ²Department of Clinical Oncology, TMDU, ³Department of Diagnostic Pathology, TMDU, ⁴Department of Gastrointestinal Surgery, TMDU, ⁵Advanced Research Institute, TMDU, ⁶Department of Human Pathology, TMDU, ⁷Center for Stem Cell and Regenerative Medicine, TMDU)

大腸癌における細胞外基質依存性の可塑性誘導と高悪性度形質の関係

小笠原 暢彦¹、加納 嘉人²、小林 桜子¹、渡辺 諭、桐野 桜¹、大西 咲一郎³、山内 慎一⁴、平栗 優衣¹、伊藤 剛⁵、渡辺 守⁶、絹笠 祐介⁴、大橋 健一⁶、岡本 隆一¹、油井 史郎⁷ (¹東京医科歯科大学消化器病態学、²東京医科歯科大学臨床腫瘍学、³東京医科歯科大学病院病理部、⁴東京医科歯科大学消化管外科学、⁵東京医科歯科大学高等研究院、⁶東京医科歯科大学人体病理学、⁷東京医科歯科大学再生医療研究センター)

INFORMATION

DAY 1

AM | LS | PM | Posters

DAY 2

AM | LS | PM | Posters

DAY 3

AM | LS | PM | Posters

INDEX

Authors

Keywords | Chairpersons

J14-2

Researches and clinics for CRC in the post-genome era

ポストゲノム時代における大腸がんの臨床と研究

Chairperson: Yoshifumi Baba (Dept of Gastroenterological surgery, Kumamoto university hospital)

座長：馬場 祥史（熊本大学 消化器外科）

J-1061 Multi-omics biomarkers for the efficacy of adjuvant chemotherapy in patients with stage III colorectal cancer

Erika Machida^{1,2}, Yasuyuki Takamizawa^{1,3}, Daisuke Takayanagi^{1,4,5}, Hourin Cho^{1,6}, Dai Shida^{3,7}, Masayoshi Yamada⁸, Yuka Asami¹, Ryuji Hamamoto⁹, Yukihide Kanemitsu³, Takashi Kohno¹, Atsuo Takashima¹⁰, Shigeki Sekine¹¹, Kouya Shiraishi¹ (¹Div. of Genome Biology, National Cancer Center Res. Inst., ²Dept. of Surgery, Saitama Medical center, Jichi Medical Univ., ³Dept. of Colorectal Surgery, National Cancer Center Hosp., ⁴Clinical Research Inst. for Clinical Pharmacology and Therapeutics, Showa Univ., ⁵Div. of Medical Oncology, Showa Univ. School of Medicine, ⁶Dept. of Genetic Medicine and Services, National Cancer Center Hosp., ⁷Dept. of Surgery, Inst. of Medical Science, University of Tokyo, ⁸Endoscopy Div., National Cancer Center Hosp., ⁹Div. of Medical AI Research and Development, National Cancer Center, ¹⁰Dept. of Gastrointestinal Medical Oncology, National Cancer Center Hosp., ¹¹Div. of Molecular Pathology, National Cancer Center Research Inst.)

Stage III 大腸癌における術後補助化学療法の効果予測に有用なマルチオミクスバイオマーカーの検索

町田 枝里華^{1,2}、高見澤 康之^{1,3}、高柳 大輔^{1,4,5}、張 萌琳^{1,6}、志田 大^{3,7}、山田 真善⁸、朝見 友香¹、浜本 隆二⁹、金光 幸秀³、河野 隆志¹、高島 淳生¹⁰、関根 茂樹¹¹、白石 航也¹ (¹国立がんセンター研究所 ゲノム生物学分野、²自治医大さいたま医療センター 消化器外科、³国立がんセンター中央病院 大腸外科、⁴昭和大学臨床薬理研究所 臨床腫瘍診断学、⁵昭和大学医学部 腫瘍内科、⁶国立がんセンター中央病院 遺伝子診療部門、⁷東京大学医科学研究所附属病院 外科、⁸国立がんセンター中央病院 内視鏡科、⁹国立がんセンター 医療AI研究開発分野、¹⁰国立がんセンター中央病院 消化管内科、¹¹国立がんセンター研究所 分子病理分野)

J-1062 Withdrawn

J-1063 Downregulation of SMOC1 is associated with progression of colorectal traditional serrated adenomas

Hironori Aoki^{1,2}, Akira Takasawa³, Eiichiro Yamamoto¹, Takeshi Niiuma¹, Hiroo Yamano⁴, Taku Harada¹, Toshiyuki Kubo¹, Hiroshi Kitajima¹, Masahiro Kai¹, Hiroshi Nakase⁴, Tamotsu Sugai⁵, Makoto Osanai³, Hiromu Suzuki¹ (¹Dept. Mol. Biol., Sapporo Med. Univ. Sch. Med., ²Dept. Gastroenterol., Koyukai Shin-Sapporo Hosp., ³Dept. Pathol., Sapporo Med. Univ. Sch. Med., ⁴Dept. Gastroenterol., Hepatol., Sapporo Med. Univ. Sch. Med., ⁵Dept. Mol. Diag. Pathol., Iwate Med. Univ. Sch. Med.)

SMOC1 のダウンレギュレーションは大腸鋸歯状腺腫の進展と関連する

青木 敏則^{1,2}、高澤 啓³、山本 英一郎¹、新沼 猛¹、山野 泰穂⁴、原田 拓¹、久保 俊之¹、北嶋 洋志¹、甲斐 正広¹、仲瀬 裕志⁴、菅井 有⁵、小山内 誠³、鈴木 拓¹ (¹札幌医大・医・分子生物、²交旌会新さっぽろ病院・消化器内科、³札幌医大・医・病理、⁴札幌医大・医・消化器内科、⁵岩手医大・医・病理診断)

J-1064 The association between highly-methylated colorectal cancer and gut microbiota

Tatsushi Saito¹, Hideaki Karasawa^{1,2}, Kota Ouchi^{3,4}, Yuuri Hatsuzawa^{1,2}, Tomoyuki Ono^{1,2}, Minoru Kobayashi^{1,2}, Hideyuki Suzuki^{1,2}, Taiki Kajiwara^{1,2}, Shinobu Ohnuma^{1,2}, Chikashi Ishioka^{3,4}, Michiaki Unno^{1,2} (¹Dept. of Surgery, Grad.Sch. of Med., Tohoku univ., Miyagi, Japan., ²Dept. of Surgery, Tohoku Univ. Hosp., Miyagi, Japan., ³Dept. of Med. Oncology, IDAC, Tohoku Univ., Miyagi, Japan., ⁴Dept. of Med. Oncology, Tohoku Univ. Hosp., Miyagi, Japan.)

高メチル化大腸癌と腸内細菌の関係

齋藤 達¹、唐澤 秀明^{1,2}、大内 康太^{3,4}、初沢 悠人^{1,2}、小野 智之^{1,2}、小林 実^{1,2}、鈴木 秀幸^{1,2}、梶原 大輝^{1,2}、大沼 忍^{1,2}、石岡 千加史^{3,4}、海野 優明^{1,2} (¹東北大学医学系研究科 消化器外科学分野、²東北大学病院 総合外科、³東北大学加齢医学研究所 臨床腫瘍学分野、⁴東北大学病院 腫瘍内科)

J-1065 TPX2-amplified is a biomarker of oxaliplatin-sensitivity of colorectal cancers (CRCs) with CIN phenotype

Shohei Ueno¹, Taichi Isobe², Ryosuke Taguchi¹, Kenji Tsuchihashi¹, Koichi Akashi¹, Eishi Baba² (¹Dept. Med. & Biosystemic Sci., Kyushu Univ. Faculty of Med., ²Dept. Oncology & Social Med., Grad. Sch. Med. Sci., Kyushu Univ.)

TPX2 の増幅は CIN フェノタイプの大腸癌のオキサリプラチン感受性のバイオマーカーである

上野 翔平¹、磯部 大地²、田口 綾祐¹、土橋 賢司¹、赤司 浩一¹、馬場 英司² (¹九州大・院・病態修復内科、²九州大・院・連携社会医学分野)

J-1066 Reverse-Phase Protein Array for Proteo-Epigenomic Profiling of Colorectal Cancer Patient-Derived Organoids

Shota Takeda¹, Taisuke Shiokawa^{2,3}, Toru Aoyama¹, Kenichi Yoshioka¹, Koji Okamoto^{2,4}, Mari Masuda⁵ (¹Natl. Cancer Ctr. Res. Inst. Lab. of Genome Stability Maintenance, ²Natl. Cancer Ctr. Res. Inst. Div. of Cancer Differentiation, ³Ehime Univ. Hosp. Translational Res. Ctr., ⁴Teikyo Univ. Advanced Comprehensive Res. Organization, ⁵Natl. Cancer Ctr. Res. Inst. Dept. of Proteomics)

逆相タンパクアレイを用いた大腸がん患者由来オルガノイドのプロテオ・エピゲノム解析

武田 翔太¹、塙川 大介^{2,3}、青山 徹¹、吉岡 研一¹、岡本 康司^{2,4}、増田 万里⁵ (¹国立がん研セ・研・細胞情報・ゲノム安定性、²国立がん研セ・研・がん細胞システム研究、³愛媛大学医・病院・先端医療創生センター、⁴帝京大学先端総合研究機構、⁵国立がん研セ・研・プロテオーム解析部門)

Japanese Oral Sessions

Room 12 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55

J

J18**Drug sensitivity, drug resistance, translational research**
薬剤感受性・耐性因子・トランスレーショナルリサーチ

Chairperson: Hiroyuki Seimiya (Div. Mol. Biother., JFCR Cancer Chemother. Ctr.)

座長: 清宮 啓之 (がん研・化療セ・分子生物治療)

J-1067 HMGCS2 Induces resistance to NTRK inhibitors via mevalonate pathway.

Yasuhiro Kato, Masaru Matsumoto, Natsuki Takano, Makiko Hirao, Kuniko Matsuda, Takehiro Tozuka, Naomi Onda, Shinji Nakamichi, Susumu Takeuchi, Akihiko Miyanaga, Rintaro Noro, Akihiko Gemma, Masahiro Seike (Department of Pulmonary Medicine and Oncology, Nippon Medical School)

HMGCS2 によるメバロン酸経路を介した NTRK 阻害薬に対する耐性誘導とその克服

加藤 泰裕、松本 優、高野 夏希、平尾 真季子、松田 久仁子、戸塚 猛大、恩田 直美、中道 真仁、武内 進、宮永 晃彦、野呂 林太郎、弦間 昭彦、清家 正博 (日本医科大学呼吸器内科)

J-1068 Combating acquired resistance to KRAS inhibitors in NSCLC by targeting PTPRR-mediated activation of EGFR signaling

Hiroaki Kanemura¹, Toshiyuki Takehara², Yuta Onodera², Takeshi Teramura², Shinichiro Suzuki¹, Kazuko Sakai³, Kazuto Nishio³, Kazuhiko Nakagawa¹, Hideyoshi Hayashi¹, Kimio Yonesaka¹ (¹Department of Medical Oncology, Kindai University Faculty of Medicine, ²Division of Cell Biology for Regenerative Medicine, Kindai University, ³Department of Genome Biology, Kindai University)

PTPRR を介した EGFR 活性化に起因する KRASG12C 阻害薬耐性の克服

金村 宙昌¹、竹原 俊幸²、小野寺 勇太²、寺村 岳士²、鈴木 慎一郎¹、坂井 和子³、西尾 和人³、中川 和彦¹、林 秀敏¹、米阪 仁雄¹ (¹近畿大学医学部内科学腫瘍内科部門、²近畿大学高度先端総合医療センター、³近畿大学医学部ゲノム生物学教室)

J-1069 Clusterin is involved in the refractory response of pancreatic cancer cells to a MAP kinase inhibitor

Naoki Hijiya, Yoshiyuki Tsukamoto, Shusaku Kurogi, Chisato Nakada, Masatsugu Moriyama (Oita Univ., Faculty of Med., Dept. of Mol. Path.)

Clusterin は胰癌細胞の MAP キナーゼ不応性に関与する

泥谷 直樹、塚本 善之、黒木 秀作、中田 知里、守山 正胤 (大分大学・医・分子病理)

J-1070 Prediction for oxaliplatin-induced liver injury using patient-derived liver organoids

Kumiko Tatsumi^{1,2}, Hiroshi Wada³, Shinichiro Hasegawa³, Kei Asukai³, Shigenori Nagata⁴, Tomoya Ekawa¹, Takashi Akazawa¹, Yu Mizote¹, Shintaro Okumura², Ryosuke Okamura², Masayuki Ohue¹, Kazutaka Obama², Hideaki Tahara¹ (¹Dept. Cancer Drug Discovery & Development, Osaka International Cancer Inst., ²Dept. Surg., Grad. Sch. Med., Kyoto Univ., ³Dept. Digestive Surg., Osaka International Cancer Inst., ⁴Dept. Diagnostic Path. & Cytology, Osaka International Cancer Inst.)

患者由来の肝臓オルガノイドを用いたオキサリプラチン誘発性肝障害の予測

辰己 久美子^{1,2}、和田 浩志³、長谷川 慎一郎³、飛鳥井 廉³、長田 盛典⁴、江川 智哉¹、赤澤 隆¹、溝手 雄¹、奥村 慎太郎³、岡村 寛輔³、大植 雅之¹、小濱 和貴²、田原 秀晃¹ (¹大阪国際がんセ・研・がん創薬、²京都大・院医・消化管外、³大阪国際がんセ・消化器外、⁴大阪国際がんセ・病理・細胞診断)

J-1071 Investigation of drug combination therapy targeting glioblastoma stem cell and differentiated glioblastoma cell

Shuishiyo Hirano, Atsuhiro Uneda, Yoshihiro Otani, Tsuyoshi Umeda, Madoka Hokama, Yohei Inoue, Ryoji Imoto, Ryo Mizuta, Yasuhito Kegoya, Yasuki Suruga, Naoya Kemmotsu, Joji Ishida, Kentaro Fujii, Takao Yasuhara, Isao Date (Department of Neurological Surgery, Okayama University Hospital)

膠芽腫幹細胞と分化型膠芽腫細胞を同時標的とした薬剤併用療法の検討

平野 秀一郎、畠田 篤仁、大谷 理浩、梅田 剛志、外間 まどか、井上 陽平、井本 良二、水田 亮、家護谷 泰仁、駿河 和城、劍持 直也、石田 穣治、藤井 謙太郎、安原 隆雄、伊達 敦 (岡山大学病院 脳神経外科)

J-1072 Investigation of biomarkers by multiplex immunohistochemistry for nivolumab monotherapy in SCCHN.

Yuta Hoshi¹, Tomohiro Enokida¹, Okumura Genki², Nobukazu Tanaka¹, Susumu Okano¹, Taka Fujisawa¹, Naohiro Takeshita¹, Ryutaro Onaga¹, Shohei Koyama¹, Shingo Sakashita³, Takeshi Shinozaki⁴, Kazuto Matsuura³, Ryuichi Hayashi³, Hiroyoshi Nishikawa², Makoto Tahara¹ (¹Head and Neck Medical Oncology, National Cancer Center Hospital East, ²Division of Cancer Immunology, EPOC, National Cancer Center, ³Division of Pathology, EPOC, National Cancer Center, ⁴Head and Neck Surgery, National Cancer Center Hospital East)

頭頸部扁平上皮がんに対するニボラマブ単剤治療の多重免疫染色を用いたバイオマーカー探索

星 裕太¹、榎田 智弘¹、奥村 元紀²、田中 伸和¹、岡野 晋¹、藤澤 孝夫¹、竹下 直宏¹、翁長 龍太郎¹、小山 正平¹、坂下 信悟³、篠崎 剛⁴、松浦 一登³、林 隆一³、西川 博嘉²、田原 信¹ (¹国立がん研究センター東病院頭頸部内科、²国立がん研究センター EPOC 免疫 TR 分野、³国立がん研究センター EPOC 臨床腫瘍病理分野、⁴国立がん研究センター東病院頭頸部外科)

INFORMATION

DAY 1

AM LS PM Posters

DAY 2

AM LS PM Posters

DAY 3

AM LS PM Posters

INDEX

Authors | Keywords | Chairpersons

English Oral Sessions

Room 12 Sep. 21 (Thu.) 14:55-16:10 E

E3 Virus and cancer ウイルスとがん

Chairperson: Aya Ushiku (Div. Integrative Genomics, Tokyo Univ., Sch. Med.,) 座長:牛久 紗 (東大・医・統合ゲノム学)

E-1079 Immune Restoration in ATL Patients After Anti-CCR4 mAb Treatment

Osama Hussein, Junichirou Yasunaga, Kosuke Toyoda, Masao Matsuoka (Department of Haematology, Rheumatology, and Infectious Diseases, Kumamoto University.)

E-1080 Contribution of human-viral hybrid ecDNA accumulation to the cancer life cycle and potential for novel targeted therapy

Takuya Nakagawa^{1,2}, Jens Luebeck³, Joshua Lange⁴, Kaiyuan Zhu³, Chad Phillips², Paul Mischel⁴, Vineet Bafna³, Joseph Califano² (Chiba Univ. Hosp. Oto., ²UC San Diego Moores Cancer Ctr., ³UC San Diego, Dept. Computer Sci. and Engineering, ⁴Stanford Univ. Sch. of Med.)

Human-viral hybrid ecDNAの蓄積がもたらすがんのライフサイクルへの寄与と新規標的治療の可能性

中川 拓也^{1,2}, Jens Luebeck³, Joshua Lange⁴, Kaiyuan Zhu³, Chad Phillips², Paul Mischel⁴, Vineet Bafna³, Joseph Califano² (¹千葉大学 医 耳鼻、²UC San Diego Moores Cancer Ctr., ³UC San Diego, Dept. Computer Sci. and En., ⁴Stanford Univ. Sch. of Med.)

E-1081 Preclinical evidence for an anti-ATL immunotherapy using short-term cultured autologous PBMC as a vaccine

Mari Kannagi^{1,2}, Atsuhiko Hasegawa^{2,3}, Megumi Murata⁴, Shinsuke Nakajima¹, Atsushi Satake⁵, Tomoki Ito⁵, Aiae Utsunomiya⁶, Junichi Fujisawa¹, Kazu Okuma¹, Hirofumi Akari⁴ (¹Dept. Microbiology, Kansai Med. Univ., ²Dept. Immunotherapeutics, Tokyo Med. & Dent. Univ., ³Clin. Res. Inst., Kyoto Cancer Ctr., ⁴Ctr. Evolutionary Origins Hum. Behavior, Kyoto Univ., ⁵1st Dept. Internal Med., Kansai Med. Univ., ⁶Dept. Hematology, Imamura General Hosp.)

短期培養した自家 PBMC を抗原とする新規抗 ATL 免疫療法の前臨床検討

神奈木 真理^{1,2}, 長谷川 温彦^{2,3}, 村田 めぐみ⁴, 中嶋 伸介¹, 佐竹 敦志⁵, 伊藤 量基⁵, 宇都宮 與⁶, 藤澤 順一¹, 大隈 和¹, 明里 宏文⁴ (¹関西医大・医・微生物学、²東京医歯大・免疫治療学、³九州がんセンター・臨床研究セ、⁴京都大・ヒト行動進化研究セ、⁵関西医大・医・内科学科 1、⁶今村総合病院・血液内科)

E-1082 miR-3145-3p is an HBV suppressor induced by endoplasmic reticulum stress during virus replication

Hisashi Iizasa, Daichi Onomura, Liu Yuxin, Afifah Fatimah, Shunpei Okada, Hironori Yoshiyama (Dept Micro, Fac Med, Shimane Univ)

miR-3145-3p はウイルス増殖時の小胞体ストレスにより誘導されるHBV抑制因子である

飯 笹 久、小野村 大地、劉 雨新、ファティマ アフィファ、岡田 俊平、吉山 裕規 (島根大学 医学部 微生物学)

E-1083 Oncoprotein E6 derived from specific HPV leads to mitotic defect ECAC in cervical preneoplastic lesion.

Nanami Seshimo^{1,2}, Ryusuke Nozawa¹, Reiko Furuta³, Tomoyuki Kitagawa⁴, Toru Hirota¹ (JFCR, Cancer Inst., Div. Exp. Pathol., ²Dept. Anat. Pathol. Sci., Grad. Sch., Tokyo Med. & Dent., ³Dept. Med. Lab. Sci., Kitasato Univ., ⁴JFCR, Cancer Inst.)

HPV 関連子宮頸部上皮内異形成における染色体動態異常の誘導機構
瀬下 奈々美^{1,2}、野澤 竜介¹、古田 玲子³、北川 知行⁴、広田 亨¹ (がん研・研・実験病理、²東京医歯大・院・形態情報解析学、³北里大・院・応用腫瘍病理学、⁴がん研・研)

E-1084 Single cell and microdissection of HPV18 cervical adenocarcinoma generated from iPS cell-derived reserve (iRC) cells

Saki Kamata¹, Ayumi Taguchi², Yuji Ikeda¹, Naoko Tomita¹, Rie Mayuyama¹, Hitoshi Iuchi³, Hiroko Matsunaga⁴, Toshitsugu Okayama⁵, Kazuma Kiyotani⁶, Kazuho Ikeo⁵, Tohru Kiyono⁷, Haruko Takeyama⁴, Michiaki Hamada¹, Kei Kawana¹ (¹Nihon Univ. Med. Gynecol., ²Tokyo Univ. Med. Gynecol., ³Waseda Univ. Fac. Sci. & Eng., ⁴Waseda Univ. Res. Org. Nano & Life Innov., ⁵Natl. Inst. Genet., ⁶JFCR, ⁷Natl. cancer ctr.)

iPS 細胞由来リザーブ細胞 (iRC) から作製した HPV18 型子宮頸部腺癌モデルのシングルセルとマイクロダイゼクション解析

鎌田 早紀¹、田口 歩²、池田 悠至¹、富田 直子¹、丸山 理恵¹、井内 仁志³、松永 浩子⁴、岡山 利次⁵、清谷 一馬⁶、池尾 一穂⁵、清野 透⁷、竹山 春子⁴、浜田 道昭³、川名 敬¹ (¹日本大学 医学部 産婦人科、²東京大学 医学部 産婦人科、³早稲田大学 理工学部、⁴早稲田大学 ナノ・ライフ創成研究機構、⁵国立遺伝学研究所、⁶がん研究会、⁷国立がん研究センター)

English Oral Sessions

Room 13 Sep. 21 (Thu.) 13:40-14:55 E

E6 Control of mitosis and chromosomal instability M期の制御と染色体不安定性

Chairperson: Ken-ichi Yoshioka (Lab. Genome Stability Maint., Natl. Can. Cen. Res. Inst.) 座長:吉岡 研一 (国立がんセンター・研究所・ゲノム安定性制御)

E-1085 Driving force to concentrate Aurora B activity at inner centromeres: A key cellular function ensuring mitotic fidelity

Ryuusuke Nozawa, Saho Matsui, Toru Hirota (Div. Exp. Path. Cancer Inst., JFCR)

染色体分配を保証する Aurora B 集合体の形成機構

野澤 竜介、松井 紗帆、広田 亨 (公財・がん研・がん研・実験病理部)

E-1086 How HP1-Aurora B complex concentrates to centromeres and ensures mitotic fidelity

Saho Matsui^{1,2}, Ryuusuke Nozawa¹, Toru Hirota^{1,2} (Div. Exp. Pathol. Cancer Inst., JFCR, ²Dept. JFCR, Tokyo Med. & Dent. Univ.)

セントロメアが担う Aurora B 複合体の集合機構とその破綻

松井 紗帆^{1,2}、野澤 竜介¹、広田 亨^{1,2} (がん研・研・実験病理、²東京医歯大・JFCR 腫瘍制御学)

E-1087 How HP1 secures binding to the Aurora B complex: a key interaction preventing chromosomal segregation errors

Kosuke Sako¹, Ayako Furukawa^{2,3}, Yoshifumi Nishimura³, Toru Hirota¹ (Cancer Inst., JFCR, ²Grad. Sch. of Agric., Kyoto Univ., ³Grad. Sch. Med. Life Sci., Yokohama City Univ.)

染色体分離エラーを防ぐ Aurora B 複合体と HP1 との重要な相互作用

迫 洋佑¹、古川 亜矢子^{2,3}、西村 善文³、広田 亨¹ (公財・がん研究会・がん研究所、²京大・院・農学研究科、³横浜市大・生命医)

E-1088 Understanding mechanisms underlying extrachromosomal circular DNA using budding yeast

Mariko Sasaki (National Institute of Genetics, Center for Frontier Research)

出芽酵母を用いた染色体外環状 DNA 生成機構の解明

佐々木 真理子 (国立遺伝学研究所・新分野創造センター)

E-1089 Mechanism of chromosome missegregation caused by prolonged metaphase

Norihisa Shindo, Jun Yasuda (Div. Mol. & Cell. Oncol., Miyagi Cancer Ctr. Res. Inst.)

分裂期中期延長によって生じる染色体分離異常にについて
進藤 軌久、安田 純 (宮城県がんセンター・研・発がん制御)

E-1090 How Polo-like kinase 1 regulates kinetochore-microtubule attachments in cancers

Nana Kamakura^{1,2}, Minji Jo¹, Toru Hirota^{1,2} (JFCR, Cancer Inst., Div. Exp. Pathol., ²Dept. JFCR, Grad. Sch., Tokyo Med. & Dent.)

Plk1 によるがん細胞特異的な微小管-動原体結合の制御

鎌倉 奈々^{1,2}、趙 民知¹、広田 亨^{1,2} (がん研・研・実験病理、²東京医歯大・院・JFCR 腫瘍制御学)

Symposia

Room 14 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

E

S6

Frontiers in proteomics - from elucidation of molecular dynamics to clinical application-
最先端プロテオーム解析技術が導く新たながん研究Chairpersons: Yoshimi Haga (Japanese Foundation for Cancer Res.)
Shungo Adachi (Natl. Cancer Ctr. Res. institute)座長：芳賀 淑美（(公財)がん研）
足達 俊吾（国立がん研セ）

Understanding cancer and developing treatments requires analyses not only genetic mutations but also the quantity and activity of proteins that regulate functions. With the advances of technologies such as next-generation DNA sequencing and RNA sequencing, genomic analysis in cancer has contributed to the identification of driver mutations and the development of targeted therapies. Although proteomics has lagged somewhat behind genomics, recent advances in proteomics technology over the past years have enabled direct, in depth, and quantitative analysis of the abundances of various cancer-related proteins, as well as their cancer specific amino acid alterations and post-translational modifications in clinical samples. Deep proteomic profiling provides clinically useful information in various aspects, such as understanding the mechanisms of cancer physiology, and also discovering targets for diagnosis and anti-cancer agents. In this symposium, the cutting-edge proteomics technologies will be presented to provide an understanding of the current status of the latest clinical proteomics. Various topics will be covered, including the challenge of single-cell proteomics and integration with genomics. We hope to increase understanding of the potential and utility of different types of state-of-the-art proteomics platforms, and to promote collaborative research and clinical applications in the future.

S6-1 Potential of mass spectrometry in antigen discovery for cancer immunotherapyYuriko Minegishi¹, Yoshimi Haga¹, Yuji Hakozaki¹, Kazuma Kiyotani^{2,3}, Satoshi Nagayama^{4,5}, Koji Ueda¹ (¹Can Proteomics, CPM Ctr, JFCR, ²Lab Immunogenomics, CiDIG, NIBIOHN, ³Can Immunogenomics, CPM Ctr, JFCR, ⁴Dept Gastroenterol Surgery, Can Inst Hosp, JFCR, ⁵Uji-Tokusyukai Hosp, Med Ctr)**がん免疫療法のための抗原探索における質量分析の可能性**峯岸 ゆり子¹、芳賀 淑美¹、箱崎 勇治¹、清谷 一馬^{2,3}、長山 聰^{4,5}、植田 幸嗣¹（¹がん研・CPMセ・プロテオミクス解析Gr、²医薬基盤研・難病・免疫ゲノム研究PJ、³がん研・CPMセ・免疫ゲノム医療開発PJ、⁴がん研・有明病院・消化器外科、⁵宇治徳洲会病院・消化器外科）**S6-2 In-depth proteomics to decipher the complexity of the blood cancer proteome**Ayumu Taguchi^{1,2} (¹Div. Mol. Diag, Aichi Cancer Center, ²Adv. Cancer Diag, Nagoya Univ. Grad. Sch. Med.)複雑ながん血液プロテオームを読み解く高深度プロテオミクス
田口 歩^{1,2}（愛知がん・分子診断TR、²名古屋大・医・先端がん診断）**S6-3 Disease analysis using antibody-based ultra-sensitive proteome analysis technology**Yoshiya Oda (The University of Tokyo, Graduate School of Medicine)
抗体ベースの超高感度プロテオーム解析技術を用いた疾患解析
小田 吉哉（東京大学大学院医学系研究科）**S6-4 Pharmaco-phosphoproteomics approach to discover therapeutic targets for colorectal cancer liver metastases.**Jun Adachi¹, Daigo Gunji^{1,2}, Yuichi Abe³, Satoshi Muraoka¹, Satoshi Nagayama⁴, Takeshi Tomonaga¹, Kazutaka Obama² (¹Lab. Proteomics for Drug Discovery, NIBIOHN, ²Department of Surgery, Graduate School of Medicine, Kyoto University, ³Division of Molecular Diagnosis, Aichi Cancer Center Research Institute, ⁴Department of Surgery, Uji Tokushukai Hospital)**リン酸化プロテオームデータと薬剤感受性データの統合解析による薬剤耐性大腸がん肝転移巣の新規治療標的の探索**足立 淳¹、軍司 大悟^{1,2}、阿部 雄一³、村岡 賢¹、長山 聰⁴、朝長 豊¹、小濱 和貴²（¹医薬健栄研・創薬標的のプロテオミクスPJ、²京都大・医・消化管外科、³愛知県がんセ・研・分子診断TR、⁴宇治徳洲会病院・消化器外科）**S6-5 Development of ultra-deep proteome analysis system and its potential**

Yusuke Kawashima (Kazusa DNA Res. Inst.)

超深度プロテオーム解析システムの開発とその可能性

川島 祐介（かづさDNA研）

Japanese Oral Sessions

Room 13 Sep. 21 (Thu.) 14:55-16:10

J

J6

DNA replication, repair and genomic instability
DNA複製・修復とゲノム不安定性Chairperson: Natsuko Chiba (Dept. Cancer Biol., IDAC, Tohoku Univ.)
座長：千葉 奈津子（東北大・加齢研・腫瘍生物学）**J-1073 An ATR-PrimPol pathway confers tolerance to oncogenic KRAS-induced replication stress supporting clonal expansion.**Bunyo Shiotani (Lab. Genome Stress Signaling, Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)ATR-PrimPol 依存的DNA複製ストレス耐性による初期発がん機構の制御
塩谷 文章（国立がん研セ・研・ゲノムストレス応答学）**J-1074 Targeting the POLD4-PRIMPOL pathway in non-small cell lung cancer**Atsuko Niimi, Siripan Limsirichaikul, Patinya Sawangsri, Dat Q. Tran, Yasuyoshi Mizutani, Toshiyuki Takeuchi, Motoshi Suzuki (Dept. Mol. Oncol, Fujita Health Univ., Sch. Med.)POLD4-PRIMPOL 経路は非小細胞肺癌において標的となりうる
新美 敦子、Siripan Limsirichaikul、Patinya Sawangsri、Dat Q. Tran、水谷 泰嘉、竹内 俊幸、鈴木 元（藤田医科大学・医・分子腫瘍学）**J-1075 Chromosomal instability induced by supercoiled DNAs arise during replication**Kusano Yoshiharu, Ryusuke Nozawa, Toru Hirota (Cancer Institute, JFCR)DNA複製に起因するトポロジカルストレスが引き起こす染色体不安定性
草野 善晴、野澤 竜介、広田 亨（がん研究会 がん研究所実験病理部）**J-1076 Mechanism underlying the repair of Topoisomerase 1-induced DNA damages**Tsuda Masataka¹, Hiroshi Ide² (¹National Institute of Health Sciences, ²Hiroshima University)DNAにトラップされたトポイソメラーゼ1の除去機構
津田 雅貴¹、井出 博²（国立医薬品食品衛生研究所・変異遺伝部、²広島大学統合生命科学研究科）**J-1077 Involvement of splicing factor SART1 in BRCA1-dependent homologous recombination repair of DNA double-strand breaks**Motohiro Yamauchi¹, Kie Ozaki¹, Yuki Uchihara², Takaaki Yasuhara³, Atsushi Shibata² (¹Hospital Camp. Lab. RI Ctr. Kyushu Univ., ²Div. Mol. Oncol. Pharm., Fac. Pharm., Keio Univ., ³Isotope Sci. Ctr., Univ. Tokyo)BRCA1 依存的なDNA二本鎖切断の相同組換え修復におけるスプライシング因子SART1の関与
山内 基弘¹、尾崎 貴恵¹、内原 脩貴²、安原 崇哲³、柴田 淳史²（¹九大アイソ 病院地区、²慶應大 薬 分子腫瘍薬学、³東大 アイソ）**J-1078 Suppression of USP1 expression inhibits cell proliferation in malignant mesotheliomas harboring BAP1 mutation**Koya Suzuki^{1,2,3}, Kirara Kobayashi¹, Tomohiro Akashi⁴, Norio Kaneda⁵, Tohru Maeda⁶, Takashi Miida², Hiroshi Murakami⁷, Kenji Kadomatsu⁸, Yoshitaka Sekido⁹, Yuko Murakamitonami^{1,2} (¹Mol. Cancer Genet. Lab., Tokyo Univ. Tech. Grad Sch. Bionics, ²Dept. Clin. Lab. Med., Juntendo Univ. Grad. Sch. Med., ³Adv. Comp. Res. Org., Teikyo Univ., ⁴Dept. Integrative Cellular Inform., Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ⁵Fac. Pharm., Meijo Univ., ⁶Col. Pharm., Kinjo Gakuin Univ., ⁷Dept. Biol. Sci., Fac. Sci. Eng., Chuo Univ., ⁸Dept. Biochem., Nagoya Univ. Grad. Sch. Med., ⁹Div. Cancer. Biol., Aichi Cancer Ctr. Res. Inst.)BAP1 変異悪性中皮腫細胞において、USP1の発現抑制により細胞増殖が抑制される
鈴木 浩也^{1,2,3}、小林 輝星¹、紅 朋浩⁴、金田 典雄⁵、前田 徹⁶、三井田 孝²、村上 浩士⁷、門松 健治⁸、閔戸 好孝⁹、村上（渡並） 優子^{1,2}（¹東工科大院・バイオ・腫瘍分子遺伝、²順大院医・臨検、³帝京大・先端研、⁴名大院医・システム生物、⁵名城大・薬、⁶金城学院大・薬、⁷中大院理工・生命、⁸名大院医・生化、⁹愛知がんセ・分腫）

INFORMATION

DAY 1
AM | LS | PM
PostersDAY 2
AM | LS | PM
PostersDAY 3
AM | LS | PM
PostersINDEX
Authors | Keywords

Chairpersons

Symposia

J

Room 15 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

S7

New Research Initiatives to Make Cancer Epidemiological Research a Science

がん疫学研究をサイエンスにするためのあらたな研究の取り組み

S6-6

Large scale proteomics of malignant ascites in ovarian cancer reveals distinct subgroups and prognostic biomarkers

Shohei Iyoshi^{1,2,3}, Tobias Dreyer¹, Masato Yoshihara¹, Yoshihiko Yamakita⁵, Viktor Magdolen⁴, Hiroaki Kajiyama¹, Oliver Schilling²
(¹Dept. Obstet. Gynecol. Nagoya Univ. Sch. Med., ²Inst. Surg. Path. Univ. Freiburg, ³Inst. Adv. Res. Nagoya Univ., ⁴Dept. Obstet. Gynecol. Tech. Univ. Munich., ⁵Bell Res. Ctr., Dept. Obstet. Gynecol. Univ. Nagoya Sch. Med.)

高異型度漿液性卵巣癌患者由来悪性腹水の大規模コホートプロテオミクス解析による分子型サブグループの同定と予後マーカーの探索

伊吉 祥平^{1,2,3}、Tobias Dreyer⁴、吉原 雅人¹、山北 由彦⁵、Viktor Magdolen⁴、梶山 広明¹、Oliver Schilling²（名古屋大学大学院医学系研究科産婦人科、²フライブルク大学附属病院外科系病理部、³名古屋大学高等研究院、⁴ミュンヘン工科大学附属病院産婦人科、⁵名古屋大学・院医 ベルリサーチセンター）

Chairpersons: Keitaro Matsuo (Aichi cancer center)

Manami Inoue (Inst. for Cancer Control, Natl. Cancer Ctr.)

座長：松尾 恵太郎（愛知県がんセ）

井上 真奈美（国立がん研セ・がん対策・研）

近年、疫学研究領域では、様々な情報利用が可能となり、その研究手法も多角化してきている。がん疫学においてメカニズムの解明に迫る研究を展開していくには、従来の研究展開に留まらず、新たな視点による解析手法の積極的導入を進めていくことが重要である。本シンポジウムでは、がん疫学研究の新展開に貢献できる可能性のある新たな研究手法やその取り組みについて、様々な視点からお話しeidただく。

S7-1 Equalization of Cancer Disease Burden in Japan: An Approach from the Global Burden of Disease Study (GBD)

Shuhei Nomura^{1,2,3} (¹HPM, Keio University, ²GHP, The University of Tokyo, ³The Tokyo Foundation for Policy Research)

がんの疾病負荷の均てん化 世界の疾病負荷研究(GBD)のアプローチ
野村 周平^{1,2,3}（慶應義塾大学 医療政策・管理学教室、²東京大学大学院 国際保健政策学教室、³東京財團政策研究所）

S7-2 Geographical inequality in cancer in Japan: spatial epidemiology and mediation analysis using public data.

Hidemi Ito (Div. of Cancer Information & Control, Aichi Cancer Ctr. Res. Inst.)

日本におけるがんの地理的格差の評価：公的データを使った空間疫学や媒介分析の応用

伊藤 秀美（愛知県がんセ・がん情報・対策研究分野）

S7-3 Evaluation of genetic and environmental factors for cancer risk

Yoshiaki Usui¹, Keitaro Matsuo², Yukihide Momozawa¹ (¹Lab. for Genotyping Development, IMS, RIKEN, ²Div. of Cancer Epidemiology & Prevention, Aichi Cancer Ctr.)

がんリスクに関する遺伝・環境要因の評価

碓井 喜明¹、松尾 恵太郎²、桃沢 幸秀¹（理化学研究所基盤技術開発研究チーム、²愛知県がんセンターがん予防研究分野）

S7-4 Cancer genome medicine and epidemiological studies: the Potential

Keitaro Matsuo (Div. Cancer Epi. Prev., Aichi Cancer Ctr.)

がんゲノム医療の情報のがん疫学研究への応用可能性

松尾 恵太郎（愛知がんセ・研・がん予防）

S7-5 Identifying mechanisms in Epidemiological Research: Causal Mediation Analysis

Kosuke Inoue^{1,2} (¹Hakubi Center, Kyoto University, ²Department of Social Epidemiology, Kyoto University)

疫学的アプローチからメカニズムを紐解く：因果媒介分析の挑戦

井上 浩輔^{1,2}（京都大学・白眉センター、²京都大学大学院医学研究科社会疫学）

S7-6 Initiatives of existing cohort study with considerations of longevity.

Norie Sawada (Dept. Cohort.Res., Natl. Cancer Center Inst. for Cancer Control)

長寿を考慮したコホート研究の取り組み

澤田 典絵（国がん・がん対策研・コホート研究部）

Symposia

Room 16 Sep. 21 (Thu.) 13:40-16:10

E

S8**Evolving Technologies of Genetic Screening**

進化する遺伝子スクリーニング技術

Chairpersons: Masahiro Sonoshita (Inst. for Genetic Med., Hokkaido Univ.)
Haruna Takeda (Natl. Cancer Center Research Institute)

座長：園下 将大（北海道大・遺伝研）
武田 はるな（国立がん研セ・研）

Recent studies have made remarkable strides in elucidating the pathogenesis of cancer. Specifically, determining the key signaling pathways involved in carcinogenesis has been pivotal in understanding the mechanisms underlying cancer development and progression. Moreover, the identification of novel therapeutic targets has significantly promoted the development of anti-cancer drugs. In these studies, various screening technologies have contributed to delineating previously unappreciated genes governing cancers. For example, genome-wide genetic approaches in organoids and whole animals have unveiled essential genes implicated in cancer development, progression, and therapy resistance. This symposium invites six speakers who will present their cutting-edge achievements in various domains, including cancer initiation and progression. Sharing and discussing the latest methodologies and findings should open up new avenues for accelerating cancer research.

S8-1 Identification of inflammation-associated colon cancer driver genes using Sleeping Beauty mutagenesis

Haruna Takeda (Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)

Sleeping Beauty を用いた炎症関連がん遺伝子の網羅的同定
武田 はるな（国立がん研セ・研究所）

S8-2 Identifying novel targets for leukemia therapy using functional genomic tools

Takahiro Maeda (Division of Precision Medicine Kyushu University School of Medicine)

機能的ジエノミックスを用いた新規白血病治療標的の同定
前田 高宏（九州大学医学研究院プレシジョン医療学）

S8-3 Screening for regulators of extracellular vesicle secretion in prostate cancerFumihiko Urabe^{1,2}, Takahiro Kimura¹, Yusuke Yamamoto², Takahiro Ochiya³ (¹Dept. Urology, Jikei Univ., Sch.Med., ²Lab. Integr. Oncol., Nat Cancer Ctr. Res. Inst., ³Dept. Mol. Cell. Med., Tokyo Med. Univ.)

遺伝子スクリーニングを用いた前立腺癌におけるエクソソーム治療の開発

占部 文彦^{1,2}、木村 高弘¹、山本 雄介²、落谷 孝広³（¹慈恵医大・医・泌尿器科、²国立がん研セ・研・病態情報、³東京医大・分子細胞治療研）

S8-4 Screening of therapeutic biomarkers with intrinsic and immunocompetent HCC mouse model mimicking tumor heterogeneity

Takahiro Kodama, Shuhei Yamamoto, Takayuki Matsumae, Hayato Hikita, Tetsuo Takehara (Dept of Gastroenterology and Hepatology, Osaka Univ Grad Sch Med)

免疫能を有し腫瘍不均一性を呈する内在性肝細胞癌マウスモデルを用いた治療バイオマーカー探索

小玉 尚宏、山本 修平、松前 高幸、疋田 隼人、竹原 徹郎（大阪大・消化器内科）

S8-5 Canonical BAF complex is essential for the RUNX1-driven oncogenic program in human T-cell acute lymphoblastic leukemiaKazunari Aoki¹, Mizuki Hyuga^{1,2}, Yusuke Tarumoto¹, Gohei Nishibuchi¹, Yotaro Ochi^{3,4}, Seiichi Sugino¹, Takashi Mikami⁵, Hirokazu Kobushi⁶, Itaru Kato⁵, Koshi Akahane⁶, Takeshi Inukai⁶, Akifumi Takaori², Junko Takita⁵, Seishi Ogawa^{3,4,7}, Kosuke Yusa¹ (¹Stem cell genetics, LiMe, Kyoto University, ²Dept. Hematology and Oncology, Kyoto University, ³Dept. Pathology and Tumor Biology, Kyoto University, ⁴WPI-ASHBi, Kyoto University, ⁵Dept. Pediatrics, Kyoto University, ⁶Dept. Pediatrics, University of Yamanashi, ⁷Dept. Medicine, Centre for Haematology and Regenerative Medicine, Karolinska Institute)

古典的BAF複合体はヒトT細胞性急性リンパ芽球性白血病におけるRUNX1駆動発癌プログラムに必須である

青木 一成¹、日向 瑞貴^{1,2}、樽本 雄介¹、西淵 剛平¹、越智 陽太郎^{3,4}、杉野 成一¹、三上 貴司⁵、幸伏 寛和⁵、加藤 格⁵、赤羽 弘資⁶、犬飼 岳史⁶、高折 晃史²、滝田 順子⁵、小川 誠司^{3,4,7}、遊佐 宏介¹（京都大学医学研究所幹細胞遺伝学、²京都大学医学研究科血液・腫瘍内科、³京都大学医学研究科腫瘍生物学、⁴京都大学高等研究院ヒト生物学高等研究拠点、⁵京都大学医学研究科発達小児科学、⁶山梨大学医学部小児科学、⁷カロリنسカ研究所血液再生医学）

S8-6**Drosophila genetic screen identifies non-cell autonomous tumor progression by unfolded protein response**Tatsushi Igaki (Lab. of Genetics, Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)
ショウジョウバエ遺伝学的スクリーニングによるがん進展メカニズムの解析

井垣 達吏（京大・生命・システム機能学）

INFORMATION

DAY 1

AM LS PM Posters

DAY 2

AM LS PM Posters

DAY 3

AM LS PM Posters

INDEX

Authors

Keywords | Chairpersons

S9
Analysis of cancer pathology due to the circular modulation of a neuronal network for comprehensive palliative care medicine
 包括的緩和医療のための神経ネットワークによるがん病態に対する円環的修飾の解析

 Chairpersons: Minoru Narita (Hoshi Univ. Natl. Cancer Ctr. Res. Inst.)
 Fumimasa Amaya (Dept. Pain Management & Palliative Care Med.)

座長：成田 年（星葉科大/国立がん研セ）

天谷 文昌（京都府医大・院医・疼痛・緩和医療学教室）

The cancer immune response is not determined solely by the number and nature of cancer cells themselves, but rather is tightly regulated by the tumor microenvironment based on the association between cancer cells and heterologous cells, as well as by circulating endotoxins, cytokines, hormones, exosomes, immune cell responses, and even brain-peripheral nerve linkages. The "negative cancer-immune chain" is thought to involve a circular network of brain-based afferent and efferent nerves, which is significant for elucidating their structure and function. A growing body of clinical evidence suggests that residual pain significantly worsens the prognosis of various diseases including cancer. Thus, excessive pain signals can alter immune cell responses through systemic neural networks including sensory neurons, and weaken the organism. The importance of "mental care" in the treatment of pain is evident because patients with cancer pain often exhibit psychiatric issues. Therefore, we propose that an integrated understanding of the "comprehensive cancer pathophysiology" that includes bio-sensory and systemic neural networks, including dispersive local interactions between heterologous cells in the cancer microenvironment, is required. In this symposium, we focus on the effects of changes in peripheral-brain neural networks on cancer pathophysiology.

S9-1 Intensive pain management and cancer prognosis

Fumimasa Amaya (Kyoto Prefectural University of Medicine)

集中的な疼痛緩和とがん治療への影響

天谷 文昌（京都府立医科大学 疼痛・緩和医療学教室）

S9-2 Impacts of peripheral neuropathy modulated by neuron/Schwann cell interaction on cancer pathology

Satoshi Imai (Dept. Med. Neuropharmacol., Wakayama Med. Univ., Sch. Pharm. Sci.)

知覚神経/シュワン細胞の相互作用がもたらす末梢神経障害によるがん病態に及ぼす影響

今井 哲司（和歌山県立医科大学・薬学部・医療開発薬学）

S9-3 Cancer neuroscience: Analysis of interaction between nerves and cancer cells in the tumor microenvironment

Hideaki Takahashi (Dept. Otorhinolaryngology, Head Neck Surg., Yokohama City Univ.)

腫瘍神経学：がん微小環境における神経とがん細胞の相互作用の解析
高橋 秀聰（横浜市立大学・耳鼻咽喉科・頭頸部外科）**S9-4 Significance of the scientific understanding of pain signaling and neural networks that control cancer pathophysiology**Minoru Narita^{1,2} (¹Dept. Pharmacol., Hoshi Univ., Tokyo, Japan, ²Div. Pathophysiol., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., Tokyo, Japan)

がん病態を支配する負の末梢-脳-末梢円環的神経ネットワークの科学的理義と“がん病態生理改善法”の意義

成田 年^{1,2} (¹星葉大・薬理、²国立がん研究セ・研・がん患者病態生理)